Biologische Wirkungen der Aktivierung des Lymphotoxin-ß-Rezeptors

Dissertation
zur Erlangung des Doktorgrades der Naturwissenschaft
(Dr. rer. nat.)
der naturwissenschaftlichen Fakultät IV
Chemie und Pharmazie
der Universität Regensburg

vorgelegt von Peter Stopfer aus Viechtach 2003

Die vorliegende Arbeit entstand in der Zeit von August 2000 bis April 2003 unte
Anleitung von Frau Prof. Dr. D.N. Männel am Institut für
Pathologie/Tumorimmunologie des Klinikums der Universität Regensburg.

Promotionsgesuch eingereicht am: 07.05.2003

Die Arbeit wurde geleitet von Prof. Dr. A. Buschauer

Prof. Dr. D.N. Männel

Prüfungsausschuß: Prof. Dr. S. Elz (Vorsitz)

Prof. Dr. A. Buschauer

Prof. Dr. D.N. Männel

Prof. Dr. A. Göpferich

Für meine Eltern

Inhaltsverzeichnis

1. Ei	nleitung
1.1 LT	ßR/LT-Liganden-System
	olitis Ulcerosa
	e Mastzelle
	el der Arbeit
2. Ma	aterial
	nemikalien und Reagenzien
	erbrauchsmaterial und Geräte
2.3 Ki	ts
2.4 Mc	olekulargewichtsstandards
2.5 Ar	ntikörper und Enzyme
2.6 OI	igonukleotide
2.7 Pu	ıffer und Lösungen
2.8 Ze	elllinien
•	tokine
2.10 T	iere
3. Me	ethoden
3.1 A	rbeiten mit RNA
	Isolierung von total-RNA aus Zellen
	solierung von total-RNA aus Darmgewebe
3.1.3 F	Reverse Transkription
3.2 A	rbeiten mit DNA
3.2.1 F	Polymerase-Kettenreaktion (PCR)
3.2.2 A	Agarose Gelelektrophorese
3.2.3	Quantitative RT-PCR mittels Light Cycler
3.2.4	Southern Blot
3.3 Pı	roteinchemische Methoden
	Das LTßR:Ig-Fusionsprotein
	Reinigung von LTßR:Ig-Fusionsprotein aus Zellkulturüberstand
3.3.3	Messung der Proteinkonzentration
	SDS-Polyacrylamid-Gelelektrophorese
3.3.5	Coomassie-Färbung
3.3.6 \	WesternBlot
	Biotinylierung von Antikörpern
3.3.8 F	FITC-Markierung von Proteinen
	ellbiologische Methoden
	Zellkulturbedingungen
3.4.2	Zellkulturmedien
	Einfrieren und Auftauen von Zellen
3.4.4 E	Bestimmung der Lebendzellzahl
	Mycoplasmentest
	Experimente mit primären vom Knochenmark stammenden polyklonalen
) 	Mastzellen (Bone marrow-derived mast cells = BMMC)
3.4	.6.1 Gewinnung und Kultur von BMMC
	.6.2 Selektion und Kultur von Mastzellen
	.6.3 Zytozentrifugenpräparate
	.6.4 May-Grünwald-Giemsa-Färbung
	.6.5 Toluidinblau-Färbung
J.4	.O.O IIIUUNUOIISEXPEIIIIEIILE

3.4.6.7 Cokulturexperimente mit aktivierten T-Zellen und BMMC	
3.4.6.8 ß-Hexosaminidase Freisetzung	
3.4.7 Gewinnung einer Zellsuspension aus mesenterialen Lymphknoten	
3.4.8 Durchflußzytometrie	37
3.4.8.1 Allgemeine Durchflußzytometrie	37
3.4.8.2 Duchflußzytometrie von BMMC	38
3.5 Immunologische Methoden	38
3.5.1 Allgemeine ELISA-Methode	38
3.5.2 ELISA zur Quantifizierung von mLTßR:Ig-Titern in Seren	38
3.5.3 ELISAs zur Quantifizierung von IL-4, IL-6, MIP-2, TNF und RANTES	39
3.5.4 Serumgewinnung aus Mausblut	39
3.6 Immunohistochemische Verfahren	39
3.6.1 MadCAM-1-Färbung von Mausedickdarm	39
3.6.2 PNAd-Färbung von Mausedickdarm	
3.6.3 Follikulär Dendritische Zellen (FDC)-Färbung von Mausmilz	
3.7 Mäuse	41
3.8 Induktion einer experimentellen akuten und chronischen Colitis	
mit Dextransulfat (DSS)	41
3.8.1 Induktion einer experimentellen akuten Colitis	41
3.8.2 Induktion einer experimentellen chronischen Colitis	
3.9 Bestimmung von Entzündungsparametern des Dickdarmes	42
3.9.1 Histologischer Score	- -
3.9.2 Lymphfollikel-Score	43
3.9.3 Gewichtsveränderung	_
3.0.4 Myoloporovidoso Aktivität	
3.9.4 Myeloperoxidase-Aktivität	44
	44
3.9.5 Dickdarmlänge	
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie	44
3.10 <i>In vivo</i> Fluoreszenzmikroskopie	44
3.10 <i>In vivo</i> Fluoreszenzmikroskopie	44 45
3.10 <i>In vivo</i> Fluoreszenzmikroskopie	44 45
 3.10 <i>In vivo</i> Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:lg- 	44 45 46
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins	44 45 46
 3.10 <i>In vivo</i> Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:lg-Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:lg-Fusionsprotein 	46 46 46
 3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein 4.1.2 Reinigung 	46 46 46 46
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig- Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro	46 46 46 46
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik	46 46 46 46 47 48
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig- Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein. 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro. 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik	46 46 46 46 47 48 49
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik	46 46 46 46 47 48
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig- Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein. 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro. 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen.	46 46 46 46 47 48 50
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein. 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro. 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen. 4.2.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms.	46 46 46 46 47 48 49 50 50
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik	46 46 46 46 47 48 49 50 50
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen 4.2.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms 4.2.1.1 Histologie und histologischer Score 4.2.1.2 Lymphfollikel-Score	44 45 46 46 47 48 49 50 50 50
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik. 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins. 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein. 4.1.2 Reinigung	46 46 46 46 47 48 49 50 50 52 52
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins. 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein. 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro. 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen. 4.2.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms. 4.2.1.1 Histologie und histologischer Score. 4.2.1.2 Lymphfollikel-Score. 4.2.1.3 Gewichtsverlust. 4.2.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität.	44 45 46 46 48 48 49 50 50 50 52 52
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein 4.1.2 Reinigung	44 45 46 46 46 48 49 50 50 52 52 52 53
 3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen 4.2.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms 4.2.1.1 Histologie und histologischer Score 4.2.1.2 Lymphfollikel-Score 4.2.1.3 Gewichtsverlust 4.2.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität 4.2.1.5 Dickdarmlänge 4.2.2 LTα₁β₂/LIGHT-Expression von mesenterialen Lymphozyten 	44 45 46 46 46 47 48 49 50 50 52 52 52 53 54
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen. 4.2.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms 4.2.1.1 Histologie und histologischer Score 4.2.1.2 Lymphfollikel-Score 4.2.1.3 Gewichtsverlust 4.2.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität 4.2.1.5 Dickdarmlänge 4.2.2 LTα₁β₂/LIGHT-Expression von mesenterialen Lymphozyten 4.2.3 Zytokinexpression von mesenterialen Lymphozyten	44 45 46 46 46 47 48 49 50 50 52 52 52 53 54
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen 4.2.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms 4.2.1.1 Histologie und histologischer Score 4.2.1.2 Lymphfollikel-Score 4.2.1.3 Gewichtsverlust 4.2.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität 4.2.1.5 Dickdarmlänge 4.2.2 LTα₁β₂/LIGHT-Expression von mesenterialen Lymphozyten 4.2.3 Zytokinexpression von mesenterialen Lymphozyten 4.3 Hemmung der LTßR-Aktivierung bei Mäusen mit akuter DSS-	44 45 46 46 48 49 50 50 52 52 52 53 54 55
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen 4.2.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms 4.2.1.1 Histologie und histologischer Score 4.2.1.2 Lymphfollikel-Score 4.2.1.3 Gewichtsverlust 4.2.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität 4.2.1.5 Dickdarmlänge 4.2.2 LTα₁β₂/LIGHT-Expression von mesenterialen Lymphozyten 4.2.3 Zytokinexpression von mesenterialen Lymphozyten 4.3 Hemmung der LTßR-Aktivierung bei Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis	44 45 46 46 48 49 50 50 52 52 52 53 54
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik	44 45 46 46 46 47 48 50 52 52 52 52 55 55 56
 3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen 4.2.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms 4.2.1.1 Histologie und histologischer Score 4.2.1.2 Lymphfollikel-Score 4.2.1.3 Gewichtsverlust 4.2.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität 4.2.1.5 Dickdarmlänge 4.2.1 LTα₁β₂/LIGHT-Expression von mesenterialen Lymphozyten 4.2.3 Zytokinexpression von mesenterialen Lymphozyten 4.2.3 Zytokinexpression von mesenterialen Lymphozyten 4.3 Hemmung der LTßR-Aktivierung bei Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis 4.3.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms 4.3.1.1 Histologie und histologischer Score 	44 45 46 46 46 47 48 50 52 52 52 52 55 54 55
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik	44 45 46 46 46 47 48 50 50 52 52 52 52 55 54 55 56 56 56 56 59
 3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen 4.2.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms 4.2.1.1 Histologie und histologischer Score 4.2.1.2 Lymphfollikel-Score 4.2.1.3 Gewichtsverlust 4.2.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität 4.2.1.5 Dickdarmlänge 4.2.2 LTα₁β₂/LIGHT-Expression von mesenterialen Lymphozyten 4.2.3 Zytokinexpression von mesenterialen Lymphozyten 4.3 Hemmung der LTßR-Aktivierung bei Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis 4.3.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms 4.3.1.1 Histologie und histologischer Score 4.3.1.2 Lymphfollikel-Score 4.3.1.3 Gewichtsverlust 	44 45 46 46 46 46 48 49 50 50 52 52 52 52 55 56 56 56 56 59 60
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik. 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins. 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro. 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen. 4.2.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms. 4.2.1.1 Histologie und histologischer Score. 4.2.1.2 Lymphfollikel-Score. 4.2.1.3 Gewichtsverlust. 4.2.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität. 4.2.1.5 Dickdarmlänge. 4.2.2 LTa ₁ ß ₂ /LIGHT-Expression von mesenterialen Lymphozyten. 4.2.3 Zytokinexpression von mesenterialen Lymphozyten. 4.3 Hemmung der LTßR-Aktivierung bei Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis. 4.3.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms. 4.3.1.1 Histologie und histologischer Score. 4.3.1.2 Lymphfollikel-Score. 4.3.1.3 Gewichtsverlust. 4.3.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität	44 45 46 46 46 48 49 50 50 52 52 52 53 54 55 56 56 56 56 56 60 60
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik. 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein. 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro. 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen. 4.2.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms. 4.2.1.1 Histologie und histologischer Score. 4.2.1.2 Lymphfollikel-Score. 4.2.1.3 Gewichtsverlust. 4.2.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität. 4.2.1.5 Dickdarmlänge. 4.2.2 LTα₁β₂/LIGHT-Expression von mesenterialen Lymphozyten. 4.2.3 Zytokinexpression von mesenterialen Lymphozyten. 4.3 Hemmung der LTßR-Aktivierung bei Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis. 4.3.1.1 Histologie und histologischer Score. 4.3.1.2 Lymphfollikel-Score. 4.3.1.3 Gewichtsverlust. 4.3.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität 4.3.1.5 Dickdarmlänge.	44 45 46 46 46 47 48 50 52 52 52 52 55 54 55 56 56 56 56 56 60 60 61
3.10 In vivo Fluoreszenzmikroskopie 3.11 Statistik. 4. Ergebnisse 4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig-Fusionsproteins. 4.1.1 LTßR:Ig-Fusionsprotein 4.1.2 Reinigung 4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro. 4.1.4 Biologische Aktivität 4.1.5 Pharmakokinetik 4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung in gesunden Mäusen. 4.2.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms. 4.2.1.1 Histologie und histologischer Score. 4.2.1.2 Lymphfollikel-Score. 4.2.1.3 Gewichtsverlust. 4.2.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität. 4.2.1.5 Dickdarmlänge. 4.2.2 LTa ₁ ß ₂ /LIGHT-Expression von mesenterialen Lymphozyten. 4.2.3 Zytokinexpression von mesenterialen Lymphozyten. 4.3 Hemmung der LTßR-Aktivierung bei Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis. 4.3.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms. 4.3.1.1 Histologie und histologischer Score. 4.3.1.2 Lymphfollikel-Score. 4.3.1.3 Gewichtsverlust. 4.3.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität	44 45 46 46 46 47 48 50 52 52 52 52 55 54 55 56 56 56 60 60 61 62

4.3.4 Expression von proinflammatorischen Zytokinen im Dickdarmgewebe 64
4.3.5 Zytokinsekretion von mesenterialen Lymphozyten
4.4 Akute DSS-induzierte Colitis in LTßR-/- Mäusen
4.4.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms
4.4.1.1 Histologie und histologischer Score
4.4.1.2 Lymphfollikel-Score
4.4.1.3 Gewichtsverlust
4.4.1.4 Dickdarmlänge
4.4.2 LT α_1 β_2 /LIGHT-Expression auf mesenterialen Lymphozyten
4.4.3 Expression von proinflammatorischen Zytokinen im Dickdarmgewebe
4.4.4 Zytokinsekretion von mesenterialen Lymphozyten
4.5 Hemmung der LTßR Aktivierung bei Mäsuen mit chronischer DSS-
induzierter Colitis
4.5.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms
4.5.1.1 Histologie und histologischer Score
4.5.1.2 Lymphfollikel-Score
4.5.1.3 Gewichtsverlust
4.5.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität
4.5.1.5 Dickdarmlänge
4.5.2 LTßR/LT-Liganden-Expression im Dickdarm
4.5.3 LT α_1 β_2 /LIGHT-Expression auf mesenterialen Lymphozyten
4.5.4 Expression von proinflammatorischen Zytokinen im Dickdarmgewebe
4.5.5 Zytokinsekretion von mesenterialen Lymphozyten
4.5.6 Expression von Adhäsionsmolekülen nach LTßR:Ig-Behandlung im
Dickdarm von Mäusen mit chronischer DSS-inudzierter Colitis
4.5.6.1 Expression von MadCAM-1 im Dickdarm nach LTßR:lg-Behandlung 8
4.5.6.2 Expression von PNAd im Dickdarm nach LTßR:lg-Behandlung
4.5.7 Expression der Liganden der Adhäsionsmoleküle auf mesenterialen
Lymphozyten nach LTßR:Ig-Behandlung 82
4.5.8 "rolling", "sticking" und Extravasation von Lymphozyten nach LTßR:Ig-
Behandlung83
4.5.8.1 "rolling" und "sticking"von Lymphozyten in Sammelvenolen nach
LTßR:Ig-Behandlung84
4.5.8.2 "rolling" und "sticking" von Lymphozyten in Postkapillarvenolen nach
LTBR:Ig-Behandlung86
4.5.8.3 Anhaften und Extravasieren von Lymphozyten in der Mukosa nach
LTßR:Ig-Behandlung88
4.5.9 Kombinationsbehandlung mit LTßR:Ig und anti-IFNy
4.6 Chronische DSS-induzierte Colitis in LTßR-/- Mäusen 90
4.6.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms
4.6.1.1 Histologie und histologischer Score
4.6.1.2 Lymphfollikel-Score
4.6.1.3 Dickdarmlänge
4.6.2 MadCAM-1-Färbung im Dickdarm
4.7 Expression und Funktionalität des LTßR auf BMMC 95
4.7.1 Mastzellspezifität der BMMC
4.7.1.1 May-Grünwald- und Toluidinblau-Färbung
4.7.1.2 FACS-Analyse der BMMC auf CD117-Expression
4.7.2 Nachweis der LTßR-Expression auf BMMC
4.7.2.1 FACS-Analyse
4.7.2.2 PCR-Analyse
4.7.3 mLIGHT- und 5G11b-Stimulierung von Ionomycin aktivierten BMMC
4.7.3.1 Zytokinfreisetzung
4.7.3.2 Degranulation
4.7.4 Cokultivierungsexperimente von BMMC mit aktivierten T-Zellen
4.7.4.1 Zytokinfreisetzung aus BMMC

4.7.4.2 Degranulation von BMMC	105
4.7.4.3 Zytokinfreisetzung von BMMC nach Blockade von LTα ₁ β ₂ /LIGHT auf	
der Oberfläche von aktivierten T-Zellen	106
5 Diskussion	108
5. Diskussion	108
5.2 Rolle der LTßR-Aktivierung in der DSS-induzierten Colitis	108
5.2.1 Rolle der LTßR-Aktivierung in der akuten Phase der DSS-induzierten Colitis.	108
5.2.2 Rolle der LTßR-Aktivierung in der chronischen Phase der DSS-induzierten	113
Colitis	118
6. Zusammenfassung	122
6.1 Rolle des LTßR in der akuten DSS-induzierten Colitis	122
6.2 Rolle des LTßR in der chronischen DSS-induzierten Colitis	122
6.3 Expression und Funktionalität des LTßR auf BMMC	123
7. Literaturverzeichnis	125
8. Abkürzungen	139
9. Danksagung	
3	141

1.1 Das LTBR/LT-Rezeptor-Liganden System

Der Lymphotoxin-beta-Rezeptor (LTßR) ist Mitglied der TNF-Rezeptor-Superfamilie (Tabelle 1-1). Das allen Mitgliedern der TNF-Rezeptorfamilie gemeinsame Strukturmerkmal sind 1 – 6 cysteinreiche Motive in der Extrazellulärdomäne, die wesentlich zur Ligandenbindung beitragen (Lotz, 1996). Mit Ausnahme des TRAIL-Rezeptor 3 und OPG sowie der viralen Rezeptoren sind alle TNFR-Familienmitglieder Typ I Membranproteine (Smith, 1994). Kristallisationsexperimente mit TNFRI und $LT\alpha_3$ als Ligand zeigten, dass sich bei Ligandenbindung drei Rezeptormoleküle zu einem Trimer zusammenlagern, wobei ein Einzelrezeptor ein langgestrecktes Molekül bildet, das in die Grube zwischen zwei LTα-Molekülen bindet (Banner, 1993). Trimere Rezeptorkomplexe können miteinander interagieren, so dass größere Rezeptorcluster entstehen. Bei Abwesenheit des Liganden ist die Dimerisierung der intrazellulären Domänen durch entsprechende Stellung der extrazellulären Rezeptordomänen verhindert (Naismith, 1995). Eine konservierte Struktur und Konformation findet sich auch auf Seite der Liganden. Diese sind i.d.R. Typ II Membranproteine (Ausnahme z.B. LTα), die als Monomere durch eine achtgliedrige ß-Faltblattstruktur gekennzeichnet sind. Funktionelle Homo- oder Heterotrimere werden hauptsächlich durch hydrophobe Wechselwirkungen stabilisiert (Lotz, 1996).

Abhängig vom Vorhandensein der sogenannten "Todesdomäne" ("death domain", abgekürzt "DD") in der intrazellulären Domäne, lassen sich die Mitglieder der TNF-Rezeptorfamilie in zwei Gruppen untergliedern, wobei der TNFRI, Fas, Apo3, NGFR und die TRAIL-Rezeptoren 1 und 2 zu den DD-Proteinen zählen (Magnusson, 1999).

Innerhalb der TNF/TNFR Ligand-Rezeptorfamilie bilden TNF, $LT\alpha$, $LT\beta$ und LIGHT als Liganden bzw. TNFRI, TNFRII, LTßR und HVEM als Rezeptoren wegen ihrer zwar individuellen, jedoch teilweise überlappenden Bindungseigenschaften eine Gruppe. Während TNF seine biologische Aktivität über die beiden Rezeptoren TNFRI und TNFRII vermittelt, weisen die übrigen Liganden dieser Gruppe ein vergleichsweise komplexes Bindungsmuster auf. Die bisher beobachteten Bindungen dieser Liganden an die Rezeptoren sind schematisch in Abbildung 1-1 dargestellt.

Rezeptor	Ligand
TNFRI (p55 TNFR)	TNF (TNF α), LT α (TNF β)
TNFRII (p75 TNFR)	TNF, LT α
icp75	TNF
LTßR	LTα/ LTß, LIGHT
HVEM (ATAR, TR2)	LIGHT, LTα/ LTß
NGFR	NGF
OX40	OX40L
CD40 (CD154, gp39, TRAP)	CD40L
Fas (CD95)	FasL (CD95L, Apo1L)
CD27	CD27L (CD70)
CD30	CD30L
TRAILR1 (DR4)	TRAIL (Apo2L)
TRAILR2 (DR5, KILLER)	TRAIL (Apo2L)
TRAILR3 ¹ (DcR1, TRAD)	TRAIL (Apo2L)
TRAILR4 (DcR2)	TRAIL (Apo2L)
DcR3 (TR3)	LIGHT, LTα/ LTß, FasL
OPG ²	OPGL (TRANCE, RANKL), TRAIL (Apo2L)
TRANCER (RANK)	TRANCE (OPGL, RANKL)
Apo3 (DR3, LARD, TRAMP)	TWEAK (Apo3L, DR3L)
?	APRIL (TALL-2)
?	VEGI
GITR	GITRL (AITRL, TL6)
CD137 (ILA, 4-1BB)	CD137L (4-1BBL)
SFV-T2 ³ (PV-T2)	TNF
Va53 ³ (PV-A53R)	TNF
G4RG ³	TNF
CrmB ³ , CrmC ³ , CrmD ³	TNF

Tabelle 1-1:

Übersicht über die aktuell bekannten Mitglieder der TNF-Rezeptorfamilie sowie der jeweiligen Liganden. Existieren für einen Rezeptor mehrere verschiedene Liganden sind diese durch Kommata voneinander getrennt. In Klammern sind die in der Literatur verwendeten alternativen Namen für die Rezeptoren und Liganden angegeben.

¹Löslicher Rezeptor ²Mit Gl ykophospholipid-Anker ³Lösliche, virale Proteine

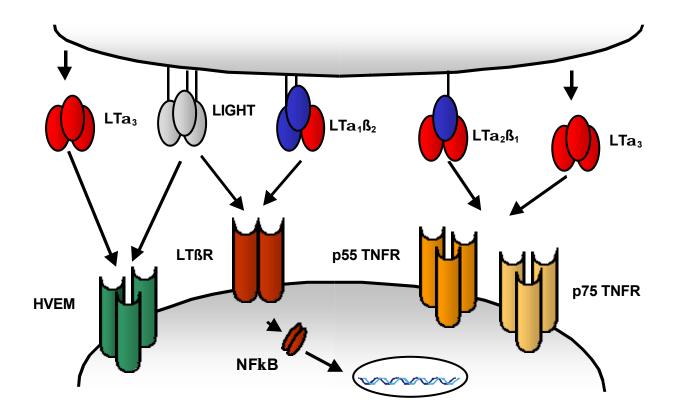


Abbildung 1-1: Übersicht über die Moleküle des LT/LTBR-Systems und deren Interaktionen.

Lymphotoxin kommt in zwei Formen vor: LT α und LT β . LT α , nach seiner Entdeckung zunächst noch TNFβ genannt (Aggarwal, 1983 und 1985), ist ein 25kD Glykoprotein und liegt in löslicher Form als Homotrimer (LTα₃) vor (Mackay, 1997). Zusammen mit LTβ kann es die heterotrimeren Formen $LT\alpha_1\beta_2$ und $LT\alpha_2\beta_1$ bilden, wobei erstere als Hauptexpressionsform auf der Zelloberfläche gilt (Androlewicz, 1992; Browning, 1995). Durch LTβ, das ein 33kD Typ II Transmembranprotein ist (Browning, 1993), werden die heterotrimeren Komplexe in der Zellmembran verankert. Ein homotrimeres $\mathsf{LT}\beta_3$ Molekül konnte bisher nicht identifiziert werden und auch rekombinant exprimiertes LTβ bildet in vitro schlecht Trimere (Browning, 1996). LIGHT dagegen, 25kD TypII Transmembranprotein, bildet auf der Zelloberfläche Homotrimere (Mauri, 1998; Harrop, 1998). Auf Aminosäureebene beträgt die Identität zwischen LIGHT und LTβ 34% (Zhai, 1998).

Für LT $\alpha_1\beta_2$ wurde LTßR als spezifischer Rezeptor gefunden (Crowe, 1994) und dessen Interaktion mit dem Liganden eingehend untersucht (Browning, 1995, 1996). Während die durch LT $\alpha_1\beta_2$ ausgelösten Signalkaskaden weitgehend bekannt sind, ist noch unklar, ob LT $\alpha_2\beta_1$ Rezeptor-aktivierende Eigenschaften besitzt und ob es *in vivo* überhaupt in ausreichender Menge vorliegt. LTßR war auf Grund seiner Homologie zu den beiden TNFR (TNFRI: 41%; TNFRII: 46%) ursprünglich als "TNFR-related protein" veröffentlicht worden

(Baens, 1993). Mit der Entdeckung von LIGHT, dem spezifischen Liganden für HVEM (Harrop, 1998; Mauri, 1998), wurde noch ein weiterer Bindungspartner für LTßR gefunden (Mauri, 1998), der den LTßR zu NFκB abhängiger IL-6 und MIP-2 Produktion aktivieren kann (Hehlgans, 2003).

Die Komplexizität der in Abbildung 1-1 dargestellten Bindungsverhältnisse ist noch größer. So wurde ein bereits bekannter löslicher Decoy-Rezeptor (DcR3, TR6), der LIGHT aber auch FasL binden kann (Yu, 1999), aus Gründen der Übersichtlichkeit und weil bisher keine Daten zu seiner physiologischen Bedeutung vorliegen, nicht dargestellt. Über seine Interaktion mit $LT\alpha/\beta$ -Komplexen ist nichts bekannt.

Im Gegensatz zu vielen anderen Ligand/Rezeptor-Systemen der TNF/TNF-Rezeptorfamilie, zeichnet sich das LT/LTßR-System durch eine strikte Trennung von Liganden und Rezeptor hinsichtlich der zellulären Expression aus. Bisher gibt es keine Hinweise auf das gleichzeitige Vorhandensein von Ligand und Rezeptor auf ein und derselben Zelle. LTßR-Transkripte findet man bei der Maus in allen größeren Organen sowie in Lymphknoten vor allem auf Stromazellen. T- und B-Zelllinien exprimieren den LTßR nicht (Force, 1995; Murphy, 1998; Browning, 2002). In der humanen, fötalen Milz konnten die Stromazellen an der Grenze zwischen roter und weißer Pulpa mit anti-huLTßR-Antikörpern gefärbt werden (Murphy, 1998). In beiden Organen geht die Anwesenheit LTßR-positiver Zellen während der Embryogenese der Ausbildung der jeweils organspezifischen Kompartimentierung voraus. Im Mausfötus konnte bereits am Tag 7 nach der Befruchtung mLTßR-Transkripte nachgewiesen werden (Nakamura, 1995). Bemerkenswert ist, dass der LTßR an Stellen exprimiert ist, wo ständig Interaktion mit T-Zellen, also Zellen, die nach Aktivierung den LT $\alpha_1\beta_2$ -Liganden tragen, stattfindet. Nach den bisherigen Veröffentlichungen wird der LTßR konstitutiv exprimiert (Browning, 1996; Force, 1995).

Im Gegensatz dazu ist die Expression der Ligandenmoleküle LT α und LT β auf T- und B-Zelllinien stark reguliert und durch PMA mit oder ohne Ionomycin induzierbar (Browning, 1991; Millet, 1994; Pauli, 1994). Auf aktivierten CD4 $^+$ und CD8 $^+$ T-Zellen und NK-Zellen konnten die Ligandenmoleküle nachgewiesen werden (Ohshima, 1999; Ware, 1992, 1995; Mapara, 1994; Abe, 1992; Yasukawa, 1993), wobei auf aktivierten T-Zellen die LT $\alpha_1\beta_2$ -Form überwiegt (Androlewicz, 1992; Browning, 1995). Eine neuere Arbeit (Gramaglia, 1999) zeigt, dass LT α/β auf peripheren, naiven T-Zellen nach Peptid/MHC-Aktivierung des T-Zellrezeptors ohne weitere Costimulation vorliegt. Vor allem bei chronischen Entzündungen, wie chronisch entzündlicher Darmkrankheit (CED), wird LT β vermehrt auf aktivierten T-Zellen und Plasmazellen gefunden (Agyekum, 2003).

LT β wird nur als Heterotrimer zusammen mit LT α an die Zelloberfläche gebracht (Koni, 1997; Williams-Abbott, 1997; Kuprash, 2002). Es gibt Spekulationen, wonach LIGHT, als homotrimeres Oberflächenmolekül, die Stelle des nicht-existenten LT β_3 einnimmt (Williams-

Abbott, 1997). Sein Expressionsmuster ist dem von $LT\alpha/\beta$ sehr ähnlich. So findet man LIGHT auf IL-3/anti-CD3-Antikörper-stimulierten mononukleären Zellen aus dem peripheren Blut (PBMC) und PMA-stimulierten monozytären Zellinien (U937, THP1 u.a.) (Mauri, 1998; Zhai, 1998). Im Unterschied zu $LT\alpha$, kann LIGHT in CD4⁺ oder CD8⁺ T-Zellen nur mit einer Kombination aus PMA bzw. PHA und Ionomycin induziert werden (Mauri, 1998). Dies lässt auf einen unterschiedlichen Aktivierungsgrad als Voraussetzung für die Expression beider Moleküle schließen.

Im Vergleich zum $LT\alpha\beta/LT\Omega R$ -System ergeben sich für das LIGHT/HVEM-System zwei deutliche Unterschiede: Erstens können LIGHT und HVEM von derselben Zelle exprimiert werden. Zweitens ergibt sich für LT ΩR und HVEM in bestimmten Bereichen ein gegensätzliches Expressionsmuster. So findet man HVEM auf aktivierten T-Zellen (Montgomery, 1996; Mauri, 1998), während der LT ΩR gerade auf diesen Zelltypen nicht exprimiert wird. Darüber hinaus wurde HVEM aber auch auf der T-Zellinie "Jurkat" sowie in lymphozytenreichen fötalen und adulten Geweben (Montgomery, 1996; Marsters, 1997) detektiert.

Der LTßR gehört wie auch TNFRII und HVEM zu der Gruppe von TNFR-Familienmitgliedern, die in ihrer zytoplasmatischen Domäne keine "Death Domain" besitzen. Die Untersuchungen zur LTßR-vermittelten Signaltransduktion konzentrierten sich deshalb auf Signaltransduktionswege und -effekte, die unabhängig von dieser Domäne sind.

Mehrere Veröffentlichungen konnten eine Aktivierung von NF κ B nach LTßR-Stimulierung durch löslichen LT $\alpha_1\beta_2$ -Liganden oder agonistische Antikörper zeigen (Mosialos, 1995; Mackay, 1996). Ursächlich beteiligt an der Signalweiterleitung ist dabei TRAF5 (Nakano, 1996). Im LTßR ist eine ca. 99 Aminosäuren lange, C-terminale Region für die Vermittlung des aktivierenden Signals verantwortlich (Chen, unveröffentlichte Ergebnisse).

Neben TRAF5 ist auch TRAF2 an der NFκB-Aktivierung beteiligt (Chen, unveröffentlichte Ergebnisse). Außer TRAF5 und TRAF2 interagiert auch TRAF3 mit dem LTßR (Mosialos, 1995; Nakano, 1996). Mit Hilfe dominant-negativer TRAF3-Mutanten wurde nachgewiesen, dass dieses Adaptermolekül für die LTßR-vermittelte Apoptose, nicht jedoch für die NFκB-Aktivierung notwendig ist (VanArsdale, 1997).

Zur Auslösung der intrazellulären Signaltransduktion wurde für Mitglieder der TNF-Rezeptorfamilie die Rezeptor-Trimerisierung als notwendig postuliert (Banner, 1993). Mit $LT\alpha_1\beta_2$ als Liganden ist allerdings wegen nur zweier identischer Bindungsgruben eine Trimerisierung des $LT\BR$ nicht möglich. Tatsächlich konnte mit Hilfe chimärer Rezeptormoleküle die Dimerisierung als ausreichend für die $NF\BR$ -Aktivierung gezeigt werden (Chen, unveröffentlichte Ergebnisse), was auch durch die Beobachtung der $LT\BR$ -Aktivierung durch monoklonale Antikörper gestützt wird. Zusätzlich können sich die

dimerisierten Rezeptoren zu größeren Rezeptorcluster zusammenlagern (Degli-Esposti, 1997).

Seit der Entdeckung des LTßR wurde eine ganze Reihe von Arbeiten zu LTßR-vermittelten Effekten veröffentlicht, die sich hauptsächlich in zwei Gruppen einteilen lassen: die erste Gruppe beschäftigt sich mit zytotoxischen Effekten. Die zweite Gruppe von LTßR-vermittelten Effekten umfasst Untersuchungen zur Rolle des LTßR bei der Entstehung von sekundären lymphatischen Organen während der Embryogenese und deren Strukturerhalt im adulten Organismus. Hieraus ergeben sich möglicherweise funktionelle Parallelen zu chronischen Entzündungen, wie sie bei Multipler Sklerose und Diabetes mellitus Typl (IDDM), rheumatoider Arthritis und chronisch entzündlicher Darmerkrankungen eine Rolle spielen.

Zuerst zu den zytotoxischen Effekten: Obwohl der LTßR keine "Death Domain" (DD) in seiner zytoplasmatischen Domäne besitzt, konnte unter bestimmten experimentellen Bedingungen in vitro eine zytotoxische Wirkung nach LTßR-Aktivierung festgestellt werden. Bei gleichzeitiger Gabe von IFNy führte die LTßR-Aktivierung durch rekombinanten, löslichen LTα₁β₂-Liganden oder immobilisierte monoklonale anti-huLTβR-Antikörper zu apoptotischem Tod der humanen Epithelzelllinien HT29 (Browning, 1996). Es ist jedoch anzumerken, dass es sich hier um einen bestimmten Subklon (HT29.14s) handelt. In allen anderen Zelllinien, die in dieser Publikation untersucht wurden, konnte keine durch LTßR-Aktivierung vermittelte Apoptose beobachtet werden. Verglichen mit dem schnellen durch Fas-Rezeptor vermittelten Zelltod (12-24h) vollzieht sich LTßR-induziertes Absterben wesentlich langsamer (1-2 Tage). Für LIGHT wurden ähnliche Ergebnisse veröffentlicht. Zhai (1998) konnte in Anwesenheit von IFNy ein LIGHT-induziertes, langsames apoptotisches Absterben in MDA-MB-231-(Mamma-Adenokarzinom) und HT-29-Zellen beobachten. Daher könnte man annehmen, dass für LIGHT-induzierte Apoptose sowohl LTßR als auch HVEM auf der Zielzelle exprimiert sein muss. Nach dieser Hypothese könnte dem LIGHT-HVEM-Signal eine costimulatorische Rolle zukommen. Eine IFNy-unabhängige, durch lösliches huLIGHT induzierte Wachstumshemmung wurde für A375-Zellen gezeigt (Hehlgans, 2001).

Im Hinblick auf eine mögliche therapeutische Nutzung der LTßR-vermittelten Apoptose wurde von der Gruppe um Yang (Zhai, 1998) in Experimenten mit Nackt-Mäusen gezeigt, dass LIGHT-transfizierte MDA-MB-231-Zellen im Gegensatz zu nicht transfizierten nicht als Tumor wuchsen. Eine Wachstumshemmung nach LTßR-Stimulierung durch monoklonale Antikörper wurde auch bei WiDr-Zellen beobachtet, die im SCID-Mausmodell getestet wurden (Browning, 1996). Der Effekt war unabängig von IFNγ, konnte dadurch jedoch verstärkt werden.

Die bisher vorgestellten Arbeiten versuchten stets eine LTßR-vermittelte Apoptose oder zumindest eine Wachstumshemmung zu zeigen. Jedoch existieren auch Daten die in vitro eine Wachstumsstimulierung zeigen, z.B. an der humanen Fibroblastenzelllinie WI-38 (Browning, 1996). In unserer Arbeitsgruppe wurde im Mausmodell LTßR-abhängiges Tumorwachstum (BFS-1, Fibrosarkom) nachgewiesen (Hehlgans, 2002), das durch Transfektion der BFS-1 Zellen mit einem löslichen LTßR:Ig-Fusionsprotein, zur Blockade der LTßR-Aktivierung, hemmbar war. Dies wurde auf eine verminderte Sekretion von MIP-2, humanen Angiogenesefaktor IL-8, der transfizierten zurückgeführt. Auch in *vitro* wurde wie zuvor bei humanen Melanom-Fibroblastenzellinien bei den mäuslichen BFS-1 Zellen eine vermehrte MIP-2 Sekretion nach LTßR-Aktivierung beobachtet (Degli-Esposti, 1997; Hehlgans, 2002; Hehlgans, 2003)

Die meisten Veröffentlichungen über LTßR beschäftigen sich mit der Rolle des LTßR bei der Entstehung von sekundären lymphatischen Organen. Die Entwicklung und Reifung der sekundären lymphatischen Organe ist in den letzten Jahren intensiv beforscht worden (Übersicht bei Fu und Chaplin, 1999). Hierbei wird den Mitgliedern der TNF-Liganden- und TNF-Rezeptorfamilie eine entscheidende Rolle zugewiesen.

Die ersten Hinweise auf eine Verbindung zwischen LT und der Entstehung sekundärer lymphatischer Organe brachten LT α -Gendeletionsexperimente. LT α -/-Mäuse besitzen trotz funktioneller Lymphbahnen keine peripheren und mesenterialen Lymphknoten und keine Peyer's Patches. Die Milz ist vorhanden, weist jedoch ein stark gestörte Struktur auf: die T-/B-Zell-Segregation ist unvollständig und die marginale Zone um die Lymphfollikel fehlt. Darüber hinaus sind die PNA+-B-Zellcluster nicht richtig lokalisiert und das Netzwerk der follikulären dendritischen Zellen (FDC) fehlt vollständig (DeTogni, 1994; Banks, 1995; Matsumoto, 1996). Obwohl LTα₃ auch mit den beiden TNFR interagieren kann, machte die Tatsache, dass TNFRII-/--Mäuse keine phänotypischen Auffälligkeiten entwickeln (Erickson, 1994) und die Defekte im lymphatischen System von TNFRI-/-Mäusen (keine Peyer's Patches, keine strukturell korrekten Keimzentren) nicht vollständig deckungsgleich sind mit denen von $LT\alpha$ -/-Mäusen (Koni, 1997; Neumann, 1996; Pfeffer, 1993; Rothe, 1993), die Beteiligung des LTßR an der Entstehung der sekundären lymphatischen Organe wahrscheinlich. Experimente mit plazentagängigen LTßR:Ig-Fusionsprotein, welches schwangeren Mäusen zur Hemmung der LTßR-Aktivierung injiziert wurde, bewiesen die Abhängigkeit der Peyer's Patches- und Lymphknoten-Bildung (alle, außer mesenteriale und einige Darm-assoziierte) von der $LT\alpha_1\beta_2$ -induzierten LTßR-Aktivierung (Rennert, 1996, 1997). Dieses Ergebnis wurde durch die Deletion des LTBR-Gens bestätigt und sogar erweitert (Futterer, 1998): LTßR-/-Mäusen fehlen alle Lymphknoten. Außerdem haben diese Mäuse auch geringere Mengen an IgA-Antikörpern und $\alpha_E \beta_7$ -Integrin positiven Lymphozyten, wodurch dem LTßR eine wichtige Rolle im darmspezifischen Immunsystem beigemessen

wird. Auch die Milzstruktur in LTßR-/-Mäusen ist gestört, was sich in einer gestörten Trennung der T- und B-Zellgebiete zeigt. Zusätzlich wird keine Marginalzone beobachtet.

Für die Anlage von Keimzentren in sekundären lymphatischen Organen spielen follikulär dendritische Zellen (FDC) eine wichtige Rolle. In Versuchen mit LTßR:Ig wurde gezeigt, dass zur Aufrechterhaltung des FDC-Netzwerkes eine stetige LTßR-Aktivierung notwendig ist. Denn schon eine einmalige Gabe von 100µg LTßR:Ig i.p. verursachte eine signifikante Rückbildung des FDC-Netzwerkes in der Milz. Interessanterweise konnte in Mäusen, deren FDC-Netzwerk durch LTßR:Ig Gabe gestört war, ein signifikant längeres Überleben nach Prionen-Infektion beobachtet werden (Mabbott, 2000; Prinz, 2002).

Ngo (1999) konnte zeigen, dass $LT\alpha/\beta$ und TNF wichtig für die Regulation der BLC ("B lymphocyte chemoattractant")-, SLC ("secondary lymphoid tissue chemokine")- und ELC (EBV-induced molecule 1 ligand chemokine")-Expression in lymphoiden Gewebe sind. Bereits vorher war die Sekretion von IL-8 und RANTES durch die Melanomlinie A375 und die Fibroblastenlinie WI-38VA13 nach LTßR-Aktivierung berichtet worden (Degli-Esposti, 1997). Eine andere Arbeit (Ansel, 2000) zeigt, dass BLC nach LTßR-Aktivierung von FDC produziert wird und durch positive Rückkopplung bei einer Immunantwort eine rasche Expansion des follikulären Kompartiments ermöglicht. Derselbe Mechanismus wirkt vermutlich auch bei der Organogenese der Lymphknoten und Peyer's Patches, wo B-Zellen aus der Umgebung durch BLC angelockt werden (Luther, 2000).

Wenn man versucht, die Expression einzelner Chemokin- oder Adhäsionsmoleküle bestimmten Ligand-/ Rezeptorinteraktionen zuzuordnen, konnte gezeigt werden, dass LT α_3 die Expression von VCAM-1, ICAM-1 und MAdCAM-1 reguliert, während durch LT $\alpha_1\beta_2$ /LTßR die PNAd- bzw. MadCAM-1-Expression zur Rekrutierung naiver T-Zellen gesteuert wird (Cuff, 1999; Rennert, 1997; Debard, 2001). Während die Expression von SLC und BLC im entzündeten Nierengewebe von LT α_3 abhängig zu sein scheint, wurde in der Milz eine Beteiligung des LTßR gezeigt. In einem anderen Modell wurde die SLC und BLC Expression ebenfalls als abhängig von LT $\alpha_1\beta_2$ charakterisiert (Ngo, 1999; Hjelmstrom, 2000). Die Regulationsmechanismen der Chemokinexpression scheinen somit stark vom Gewebetyp bestimmt zu werden.

Die angesprochenen Chemokine sind sowohl bei embryonalen Lymphogenese als auch in chronischen Entzündung bzw. Autoimmunerkrankungen beteiligt. Es hat sich in den letzen Jahren gezeigt, dass chronische Entzündungen meist mit der Neubildung von sekundären lymphatischen Strukturen einhergehen (Sacca, 1995; Hjelmstrom, 2000; Cannella, 1990; Faveeuw, 1994). So wurden beispielsweise im Thymus von Myasthenia gravis-Patienten Lymphfollikel und Keimzentren gefunden. Ähnliche Strukturen wurden auch in den Gelenken von Patienten mit rheumatoider Arthritis beobachtet. Im Typl Diabetes-Mausmodell ging der Zerstörung der ß-Zellen des Pankreas die Ausbildung von Lymphfollikeln voraus. Ähnliche

pathologische Veränderungen lassen sich auch bei Multipler Sklerose und der Hashimoto Thyroiditis beobachten (Wang, 2001; Kratz, 1996). In mehreren Veröffentlichungen wurde ein ursächlicher Zusammenhang zwischen dem LTßR-System und der Ausbildung lymphoider Strukturen in Entzündungssituationen gezeigt (Kratz, 1996; Sacca, 1998; Cuff, 1998; Cuff, 1999; Hjelmström, 2000; Hjelmström, 2001).

In zwei Mausmodellen für entzündliche Darmerkrankungen (Colitis Ulcerosa) konnte durch Hemmung des LT α_1 β_2 /LTßR-Signaltransduktionspfades eine deutliche Besserung erreicht werden (Mackay, 1998; Dohi, 2001). Diese Wirkung wird hauptsächlich durch die Störung der Lymphknotenarchitektur und damit einer weniger effektiv verlaufenden Immunreaktion erklärt. In einem weiteren Modell experimenteller Colitis wurde LTßR-Aktivierung ebenfalls für wichtig befunden (Spahn, 2003), und das fehlende oder zumindest stark reduzierte Krankheitsbild der EAMG (Experimentelle Autoimmun-Myasthenia gravis) in LT α -/- bzw. LTß-/- Mäusen deutet in die gleiche Richtung (Goluszko, 2001). Dabei spielt LT α eine wichtigere Rolle als LTß, da bei Ausfall dieses Moleküls sowohl der LT α_3 /TNFRI- als auch der LT α_1 β_2 /LTßR-Signalweg unterbrochen wird und dies zu einer umfassenderen Beeinträchtigung der sekundären lymphatischen Gewebe führt (vgl. oben).

Vor diesem Hintergrund sollte in dieser Arbeit die Rolle der LTßR-Aktivierung im Maus-Modell der akuten bzw. chronischen DSS-induzierten Colitis untersucht und mögliche Wirkmechanismen geklärt werden.

1.2 Colitis Ulcerosa

Die epithelialen Oberflächen des Körpers, wie die Haut und die Epithelzellen, die die tubulären Strukturen unseres Körpers auskleiden, wie etwa das Gastrointestinal-, das Respiratorische- und das Urogenitalsystem, bilden eine schützende physikalische Barriere gegen die meisten Mikroorganismen. Zu einer Infektion kommt es nur, wenn Krankheitserreger diese Barrieren überqueren oder besiedeln. Es gibt auch chemische Barrieren gegen Infektionen, wie beispielsweise der niedrige pH Wert im Magen, die Verdauungssysteme im oberen Gastrointestinaltrakt und saure, hochmolekulare Glykoproteine (Mucine) im Darm. Mucine werden vorwiegend von den in Krypten lokalisierten Becherzellen gebildet und legen sich als Oberflächenschutz vor der hohen Keimdichte im Darmlumen auf das Epithel. Mit einer Oberfläche von 300-400m² stellt der Darm die größte Kontaktfläche des Körpers mit der Außenwelt dar. Im Dickdarm findet man eine Bakteriendichte (überwiegend Anaerobier) von 10¹¹ Bakterien pro g Darminhalt. Der Darm setzt sich aus 4 Wandschichten zusammen (vgl. Abb. 1-2): der Mukosa, der Submukosa, der Muskularis und der Serosa. Die Mukosa besteht aus einer dem Darmlumen zugewandten Epithelschicht und der darunter liegenden Lamina Propria, die durch die

Basalmembran voneinander getrennt sind. Die Lamina Propria sowie die daran anschließende Submukosa stellen normales Stromagewebe dar, das aus einem vaskularisierten Verband immunkompetenter Zellen wie Lymphozyten, Makrophagen, Granulozyten, Mastzellen und Fibroblasten besteht. Beide werden durch die Muskularis mukosa voneinander getrennt. Daran schließt sich die Muskularis an, die aus einem inneren Ring- und einem äußeren Längsmuskel der glatten Muskulatur gebildet wird und für die Mobilität verantwortlich ist. Den Abschluss der Darmwand bildet in den meisten Darmabschnitten die Serosa. (Hollander,1994; Trier, 1993). Der Darm verfügt über ein äußerst effektiv wirkendes immunologisches Abwehrsystem, das mit ca. 50% der lymphatischen Zellen des ganzen Körpers das größte Immunorgan des Gesamtorganismus repräsentiert.

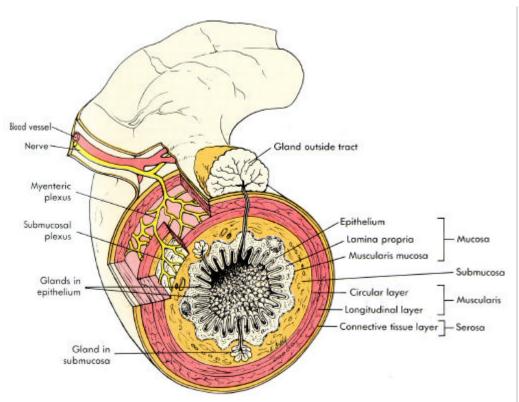


Abbildung 1-2: Aufbau der Darmwand (aus Charles Schauf: "Human Physiology", Times Mirror/Mosby College Publishing, 1990).

Zwei chronisch entzündliche nicht infektiöse Erkrankungen des Darms besitzen große klinische Bedeutung: Colitis Ulcerosa, die ausschließlich auf den Dickdarm (Colon) und dort meist nur auf die Mukosa beschränkt ist und Morbus Crohn, der ausgehend von Entzündungsprozessen der Lamina propria alle Darmwandschichten befällt und von Mundhöhle bis Darmausgang reichen kann (Braegger, 1994; Brandtzaeg, 2001). Die Etiologie dieser chronisch entzündlichen Darmerkrankungen ist bisher nicht geklärt. Es werden verschiedene Entstehungsgründe diskutiert. Bei der Entstehung und Aufrechterhaltung der CED scheinen mehrere Faktoren eine Rolle zu spielen. Die jährliche

Neuerkrankungsrate beträgt epidemiologischen Studien zufolge für Colitis Ulcerosa und Morbus Crohn 2-15 bzw. 1-5 pro 100 000 Einwohner, meist im Alter zwischen 20 und 30 Jahren. Familiäre Untersuchungen lassen auf eine genetische Prädisposition für Morbus Crohn, jedoch weniger für Colitis Ulcerosa schließen. Außerdem werden Umwelteinflüsse, wie z.B. Infektionskrankheiten, Diät, Stress, pathogene Bakterien oder Viren in Betracht gezogen. Es mehren sich aber die Anzeichen, dass die Pathogenese von CED auf eine abnormale und unkontrollierte Immunreaktion gegen eine normalerweise harmlose Darmflora zurückzuführen ist (Wittig, 2001; Shanahan, 2001; Karlinger,2000). Eine Autoimmungenese wird vor allem bei der Colitis Ulcerosa durch die Existenz von Autoantikörpern und durch verstärktes Auftreten weiterer Autoimmunerkrankungen diskutiert.

Das intestinale Immunsystem wird durch den kontinuierlichen Kontakt mit intraluminalen Antigenen vor besondere Aufgaben gestellt. Einerseits muss gegen oral aufgenommene Pathogene eine effiziente Immunantwort eingeleitet werden. Andererseits verhindern jedoch immunregulatorische Mechanismen eine überschießende Immunantwort auf harmlose Antigene aus der Nahrung oder der bakteriellen Darmflora. Physiologisch wird somit gegen die meisten Antigene Toleranz induziert (Kelsall, 1999). Diese Vorgänge werden durch Zytokine gesteuert, und als eine mögliche Urasche für CED gilt die gesteigerte mukosale Immunantwort. Dies zeigt sich in einer Verschiebung des Gleichgewichts zwischen pro- und antiinflammatorischen Zytokinen zugunsten der proinflammatorischen Zytokine. Diese Vermutung wird durch folgende Daten unterstützt: Es wurden systemisch im Serum oder lokal in der Darmschleimhaut von Patienten mit CED erhöhte Konzentrationen der inflammatorischen Zytokine IL-1, IL-6, TNF- α und IFN- γ gefunden. Darüber hinaus wurden gesteigerte Konzentrationen der Chemokine IL-8 und MCP-1 und der Phospholipid-Mediatoren LTB₄, PGE₂ und PAF gemessen (Wittig, 2001; Murata, 1995; Daig, 1996; Baumeister, 1996; Kojouharoff 1997; Obermeier, 1999). Demgegenüber blieben die Mengen an antiinflammatorisch wirkenden Zytokinen wie IL-1RA und IL10 meist unverändert (Casini-Raggi, 1995; Braegger, 1994; Schreiber, 1995). Systemisch erhöhte Zytokinwerte wurden überwiegend bei Morbus Crohn und weniger bei Colitis Ulcerosa Patienten gefunden.

Zur Untersuchung der Pathophysiologie von chronisch entzündlichen Darmerkrankungen, wurden zahlreiche Colitis-Tiermodelle entwickelt (Übersicht bei Elson, 1995). Tiermodelle können Studien am Menschen ergänzen und erweitern, aber nicht ersetzen. Ein ideales Tiermodell chronisch entzündlicher Darmerkrankungen sollte die Pathophysiologie der menschlichen Darmentzündung so exakt simulieren, dass experimentelle Daten aus diesem Modell Rückschlüsse auf Mediatoren der Entzündung sowie immunologische und genetische Grundlagen zulassen, sowie die Möglichkeit zur Untersuchung neuer Therapieformen bieten. Da es leider kein ideales Tiermodell gibt muss man immer mit bestimmten Kompromissen auskommen. Ein Modell das den morphologischen Veränderungen, wie sie bei der Colitis

Ulcerosa beim Menschen gefunden werden, jedoch sehr nahe kommt ist das Dextransulfat (DSS)-Modell. Es basiert auf der Gabe von Dextransulfat, einem sulfatiertem Polysaccharid, im Trinkwasser von Mäusen, wobei durch verschieden lange Anwendung eine akute bzw. chronische Form der Colitis induziert werden kann (Okayasu, 1990). Die pathologischen Veränderungen bei der DSS-induzierten akuten Colitis sind auf die Mukosa des Dickdarms und vor allem auf den distalen und mittleren (transversalen) Darmbereich beschränkt. Im proximalen Darmbereich treten so gut wie keine entzündlichen Veränderungen auf. Histologisch zeigen sich Infiltrationen polymorphkerniger Leukozyten, Erosionen, Dysplasien, Verlust von Becherzellen und Krypten, Schädigung von Epithelzellen, Ulcerationen und eine Ausbildung von Lymphfollikeln (Okayasu, 1990). Es wurde gezeigt, dass DSS von Makrophagen phagozytiert wird, und man vermutet, dass eine andauernde Aktivierung der Makrophagen für die Schädigung des Gewebes mitverantwortlich ist. Ebenfalls wurde auch eine Veränderung der intestinalen Mikroflora mit einem Anstieg der Populationen von Bacteroides distasonis und Clostridium spp. gefunden. (Okayasu 1990). Darüber hinaus wurde in der anfänglichen akuten Phase ein deutlicher Anstieg der Thromboxan (TXB2)-Werte im Plasma, die sich im Verlauf der chronischen Colitis normalisierten, gefunden (Murthy, 1991). Eine Behandlung mit Cyclosporin-A-Einläufen erwies sich in der chronischen Phase als wirksamere Therapie als 5-ASA- oder Glucocorticoid-Behandlung (Murthy, 1993). Für die Entwicklung der DSS-induzierten akuten Colitis scheinen T- oder B-Zellen nicht erforderlich zu sein, da auch in SCID Mäusen eine akute Colitis induziert werden konnte (Dieleman, 1994). Es wurde auch eine Konzentrations-, Zeit- und Zelltyp-abhängige Toxizität von DSS gegen intestinale Maus-Epithelzellen und intraepitheliale Maus-Lymphozyten nachgewiesen (Ni, 1996). Eine Langzeitgabe von DSS (1% DSS über 180 Tage) in Hamstern bewirkte Bildung von Adenokarzinomen (Yamada, 1992). Auch in Ratten führte eine Gabe von DSS über mehrere Monate zu gehäuften Auftreten von intestinalen Tumoren (Tamaru, 1993).

Die Vorteile dieses Colitis-Modells liegen in der einfachen, billigen und kurzen Induzierbarkeit, in der Reproduzierbarkeit und in der Ausbildung ähnlicher Symptome wie bei der Colitis Ulcerosa beim Menschen. Da im DSS-Modell eine akute bzw. chronische Darmentzündung induziert werden kann, eignet es sich auch sehr gut, um Unterschiede der intestinalen Entzündung in verschiedenen Stadien der Entzündung zu untersuchen.

Ziel der vorliegenden Arbeit war es, den Einfluss der LTßR/LT Liganden Systems sowohl in der akuten als auch in der chronischen Form der DSS-induzierten Colitis zu untersuchen. Hierzu wurde ein LTßR:Ig-Fusionsprotein benutzt, um die Aktivierung des LTßR zu blockieren.

1.3 Die Mastzelle

Paul Ehrlich beschrieb 1879 als erster Zellen im humanem Bindegewebe, deren zytoplasmatische Granula sich durch Toluidinblau anfärben ließen, und gab ihnen den Namen "Mastzellen". Er vermutete diese Zellen könnten eine wichtige Rolle bei der Ernährung des Bindegewebes spielen. Außerdem wollte er mit dieser Namensgebung betonen, dass die starke Granulierung den Eindruck von "gemästeten" Zellen erweckt (Ehrlich, 1879).

Erst 1977, also fast ein Jahrhundert später, gelang Hilfe es mit von Knochenmarkstransplantationsversuchen an mastzelldefizienten W/W[∨]-Mäusen. die Abstammung der Mastzellen von pluripotenten, hämatopoetischen Stammzellen des Knochenmarks nachzuweisen (Kitamura, 1978). Mastzellvorläufer werden in die Blutbahn entlassen, wandern in verschiedene Gewebe und differenzieren erst dort unter dem Einfluss des Mikromilieus in morphologisch identifizierbare Mastzellen (Kitamura, 1993). Reife Mastzellen findet man in großer Zahl im Bindegewebe angrenzend an Blutgefäße, Lymphgefäße und Nerven. Auch in der Haut, Schleimhaut des Respirations- und Gastrointestinaltrakts und in Lymphgewebe sind Mastzellen vorhanden. Sie sind unter der epithelialen Oberfläche von Organen anzutreffen, welche Umwelteinflüssen besonders stark ausgesetzt sind, wie beispielsweise im Respirations- und Gastrointestinaltrakt. Auch in serösen Überzügen innerer Organe und in Transsudaten, wie der Peritonealflüssigkeit befinden sich physiologischer weise Mastzellen (Galli, 1990; Galli, 1999). Es wurde auch gezeigt, dass Mastzellen an Orten chronischer Entzündung in enger Nachbarschaft zu T-Zellen zu finden sind (Bhattacharyya, 1998).

In den zytoplasmatischen Granula haben Mastzellen eine Vielzahl von präformierten Mediatoren gespeichert, wie z.B. biogene Amine, neutrale Proteasen, saure Hydrolasen, oxidative Enzyme, Proteoglykane und best. Zytokine (siehe Tabelle 1-2). Daneben können Lipidmediatoren sowie eine Vielzahl von Zytokinen neu synthetisiert werden (Gordon, 1990). Die gespeicherten Mediatoren können nach adäquater Aktivierung durch Degranulation freigesetzt werden, wobei gezeigt werden konnte, dass degranulierte Mastzellen sowohl die Fähigkeit zur Proliferation als auch zur Bildung neuer Granula besitzen (Kuriu, 1989).

Durch die Fähigkeit rasch biologisch aktive Substanzen freizusetzen, sind Mastzellen bei der Pathogenese von Entzündungen und allergischen Reaktionen - vor allem bei Überempfindlichkeitsreaktionen vom Soforttyp - von großer Bedeutung (Scott,1993; Galli, 1996). Auch bei allergischen Reaktionen von verzögerten Typ (delayed type hypersensitivity = DTH) wird den Mastzellen eine entscheidende Rolle zugesprochen. Hierbei findet eine Reaktion zwischen Mastzellen und T-Zellen statt, deren genauer Mechanismus noch unklar ist. Allerdings gibt es auch eine mastzellunabhängige Form der DTH (Torii, 1993; Torii,

2002). Bei Wurminfektionen und anderen parasitären Erkrankungen wird Mastzellen eine entscheidende Schutzfunktion zugesprochen (Nutman, 1993; Galli, 1998; Galli, 1999). Daneben gibt es eine ganze Reihe pathologischer Prozesse, wie z.B. das Wachstum von Mastzelltumoren, aber auch physiologischer Vorgänge, wie z.B. die Angiogenese oder die Entstehung von Narbengewebe, bei denen Mastzellen eine wichtige Rolle spielen (Rothe, 1990; Norrby, 1993; Galli, 1998; Galli, 1999).

Präformierte Mediatoren	
Biogene Amine	Histamin Serotonin
Neutrale Proteasen	Chymasen Tryptasen Carboxypeptidasen
Saure Hydrolasen	ß-Hexosaminidase ß-Glucuronidase ß-D-Galactosidase
Oxidative Enzyme	Superoxid-Dismutase Peroxidase
Proteoglykane	Heparin Chondroitinsulfat
Zytokine	TNF
Chemotaktische Faktoren	ECF
De novo synthetisierte Mediatoren	
Lipidmediatoren	5-Lipoxygenase Produkte: 5-HPETE Leukotriene Cyclooxygenaseprodukte: Prostaglandine Thromboxan Thrombozyten aktivierender Faktor
Zytokine	Nach Aktivierung exprimiert: IL-1, IL-2, IL-3, IL-4, IL-5, IL-6, IL8, IL-9, IL10, IL-12, IL13, TNF, IFN-γ, MIP-1α, MIP-1ß, MIP-2, GM- CSF

Tabelle1-2: Mastzellmediatoren

Eine große Anzahl immunologischer und nicht immunologischer Stimuli können die Freisetzung von Mastzellmediatoren bewirken. Die klassische Aktivierung der Mastzelle erfolgt über eine Quervernetzung des hochaffinen mit Immunglobulin-E besetzten Rezeptors (FcɛRI) auf der Zelloberfläche durch ein multivalentes Antigen, was zu den drei nachfolgenden Antworten führt (Hohman, 1993; Plaut, 1989):

Exozytose der Granula und damit Freisetzung der präformierten Mediatoren Synthese und Freisetzung von Lipidmediatoren Bildung und Sekretion von Zytokinen

Die ersten zwei genannten Ereignisse vollziehen sich innerhalb von Sekunden bis zu wenigen Minuten nach der Stimulierung. Die Neubildung und Sekretion der meisten Mastzell-Zytokinen hingegen benötigt mehrere Stunden.

Neben der FcɛRI Quervernetzung gibt es noch eine Reihe weiterer Induktoren, die eine sehr starke Degranulation der Mastzellen bewirken können (Tabelle 1-3). Auch die Freisetzung von TNF von Mastzellen wurde beobachtet, wenn Mastzellen in Cokultur mit aktivierten T-Zellen gehalten wurden (Bhattacharyya, 1998).

Rezeptoren	CD117, IL3R, IL4-R, FcεRI, FCγRIII
Anaphylotaxine	C3a, C4a, C5a
Neuropeptide	Substanz P, Neurotensin
Zytokine	IL-1, IL-3, IL-10, GM-CSF, KL
Medikamente	Muskelrelaxantien, Antibiotika, Opioide
Ca-lonophore	A23187, Ionomycin
Physikalische Stimuli	Hitze, Kälte, Druck
Histaminfreisetzende Faktoren aus	neutrophilen Granulozyten, eosinophilen
	Granulozyten, Lymphozyten, Thrombozyten,
	Makrophagen, Endothelzellen
Нурохіе	

Tabelle 1-3: Immunologische und nicht immunologische Stimuli, die auf Mastzellen aktivierend wirken (modifiziert nach Hohman, 1993)

Letztlich führen diese Stimulierungen alle zur Freisetzung von intrazellulär gebundenem Kalzium und zum erhöhten Influx von extrazellulärem Ca²⁺ in die Mastzelle. Eine Stimulierung über den IgE-Rezeptor führt außerdem zur Aktivierung der Proteinkinase C (PKC), der Phosphoslipasen A2, C und D, sowie der Adenylatzyklase, welche cAMP als second messenger entstehen lässt (Razin, 1995; Hamawy, 1995; Ravetch, 2001).

Erste Hinweise auf morphologische Unterschiede von Mastzellen in Abhängigkeit ihrer Verteilung in verschiedenen Geweben liegen seit 1906 vor (Maximow, 1906). Doch erst mit detaillierten Untersuchungen der Fixierungs- und Färbemethoden von Mastzellen wurde die heute gebräuchliche Unterteilung der Mastzellen im murinen Sytem möglich. Es handelt sich hierbei einerseits um die atypischen oder mukosalen Mastzellen (MMC= mucosal mast cells) der intestinalen Lamina Propria und andererseits um die Bindegewebsmastzellen (CTMC= connective tissue mast cells), die vorwiegend in der Haut und in der Peritonealflüssigkeit zu finden sind.

<u>Einleitung</u>

Mehreren Arbeitsgruppen gelang es 1981, nahezu reine Mastzellpopulationen durch Kultur normaler muriner Knochenmarkzellen mit Kulturüberständen von Concanavalin Astimulierten T-Zellen *in vitro* herzustellen (Nabel, 1981; Nagao, 1981; Razin, 1981). Diese Mastzellen (BMMC= bone marrow-derived mast cells) werden als relativ unreife Zellen angesehen (Galli, 1982). Sie ähneln phänotypisch MMC verändern jedoch nach Cokultur mit Maus 3T3 Fibroblasten ihren Phänotyp und gleichen dann eher CTMC. Der entscheidende Faktor, welcher in konditionierten Medien die Mastzellen zur Differenzierung und Proliferation anregt, ist das IL-3 (Fung, 1984). Solche, mittels konditionierter Medien bzw. rekombinanten IL-3, aus Knochenmark gezüchteten Zellpopulationen bezeichnet man als primäre Mastzellkulturen. Neben IL-3 sind noch andere Zytokine beschrieben worden, die Mastzellen zur Proliferation und auch zur Differenzierung zu dem einen oder anderen Phänotyp anregen, nämlich: IL-4, IL-9, IL-10, SCF.

Die Abhängigkeit des Mastzell-Phänotyps von der anatomischen Lokalisation wurde 1985 gezeigt (Nakano, 1985). Außer den Unterschieden in morphologischer Hinsicht und der unterschiedlichen Verteilung im Körper gibt es auch Hinweise auf eine Heterogenität in der Zytokinexpression der beiden phänotypischen Erscheinungsbilder der Mastzellen.

Alles bisher geschriebene bezieht sich auf Mastzellen von Nagern. Die meisten Erkenntnisse über humane Mastzellen wurden an *ex vivo* gewonnenen Zellen aus der Lunge, der Bronchiallavage, der Haut und der Schleimhaut des Gastrointestinaltraktes gewonnen. Daneben gibt es seit 1988 eine einzige menschliche Matszelllinie, welche aus dem peripheren Blut eines Patienten mit einer Mastzellleukämie etabliert wurde (Butterfield 1988). Ein mit dem Maussystem vergleichsweise einfaches Kulturverfahren für *in vitro* Experimente an humanen Mastzellen steht nicht zur Verfügung. Es bereitet nach wie vor Schwierigkeiten, Mastzellen in ausreichender Menge und Reinheit aus menschlichem Knochenmark oder fetalem Blut zu generieren.

Darüber hinaus gibt es auch erste Hinweise für Mastzellheterogenität beim Menschen basierend auf deren Zytokingehalt (Bradding, 1995). Die anatomische Lokalisation der humanen Mastzellen korreliert im Gegensatz zu derjenigen der Nager nicht eindeutig mit dem Phänotyp.

Wegen der oben beschriebenen räumlich nahen Lokalisierung von Mastzellen zu T-Zellen bei Entzündungsreaktionen und weil aktivierte T-Zellen sowohl $LT\alpha_1\beta_2$ als auch LIGHT exprimieren und Mastzellen nach Zell-Zell-Kontakt mit aktivierten T-Zellen degranulieren, sollte in dieser Arbeit untersucht werden, ob BMMC LTßR exprimieren. Weiterhin sollte gezeigt werden, ob das LTßR-LT Liganden System eine mögliche Form der Kommunikation zwischen aktivierten T-Zellen und Mastzellen darstellt.

1.4 Ziel der Arbeit

In den letzten Jahren zeigten die Ergebnisse mehrer Arbeitsgruppen, dass LTßR-Aktivierung bei der Ausbildung und Manifestation von entzündlichen Darmerkrankungen eine wichtige Rolle spielt. Die Wirkmechanismen, die dabei eine Rolle spielen, sind aber noch nicht völlig aufgeklärt. Daher war ein Ziel der vorliegenden Arbeit, die Rolle der LTßR-Aktivierung in der akuten und in der chronischen Form der DSS-induzierten Colitis zu charakterisieren und mögliche Wirkmechanismen aufzuzeigen.

Aktivierte T-Zellen exprimieren die Liganden $LT\alpha_1\beta_2$ und LIGHT des LT β R und sind bei Entzündungsreaktionen dicht neben Mastzellen lokalisiert gefunden worden. Die Mechanismen, die bei der Übertragung von Signalen von aktivierten T-Zellen auf Mastzellen eine Rolle spielen, sind jedoch nur in geringem Ma β e erforscht. Daher sollte als zweites Ziel dieser Arbeit die Möglichkeit einer LT β R-Expression auf Mastzellen untersucht werden. Darüber hinaus wurde geprüft, ob dies einen möglichen Kommunikationsmechanismus zwischen T-Zellen und Mastzellen darstellen könnte.

2. Material

2.1 Chemikalien und Reagenzien

2´2-Azino-di(3-ethylbenzthiazolinsulfonsäure(6)) (ABTS) Boehringer Mannheim ABTS Substrat Puffer Boehringer Mannheim

Agarose, electrophoresis grade GIBCO/Invitrogen, Karlsruhe

Acrylamid-Bisacrylamid Lösung Roth, Karlsruhe

Bovine Serum Albumine (BSA) Boehringer, Mannheim Biotinyl-ε-Aminocapronsäure-N-Hydroxysuccinimidester Sigma Aldrich, Steinheim

Chloroform Fluka, Buchs, Schweiz
Coomassie Brilliant Blue R 250 Fluka, Buchs, Schweiz

Dextransulfat (DSS, MG: 36000-50000) ICN Biochemicals, Ohio, USA

Desoxynucleoside Triphosphate Set, PCR Grade Roche Diagnostics, Mannheim

Dimethylsulfoxid (DMSO)

Ethidiumbromid

Sigma Aldrich, Steinheim

Fetales Kälberserum (FCS)

PAN Biotech, Aidenbach

Fluorescein Isothiocyanate (FITC)

Sigma Aldrich, Steinheim

G418 (Geneticin)

PAN Biotech, Aidenbach

Gentamycin ICN, Meckenheim

Giemsa-Staining Modified Sigma Diagnostics, St. Louis, USA

IMDM MediumGIBCO/Invitrogen, KarlsruheIonomycinSigma Aldrich, SteinheimHybridisierungslösung – ULTRAhybAmbion, Huntington, UK

May-Grünwald-Staining Modified Sigma Diagnostics, St. Louis, USA

ß-MercaptoethanolN,N-DimethylformamidNatriumdodecylsulfat (SDS)Sigma Aldrich, SteinheimSigma Aldrich, Steinheim

Ni-NTA-Harz Qiagen, Hilden

PCR-Puffer, 10x conc. Roche Diagnostics, Mannheim

P-Nitrophenyl-N-Acetyl-ß-D-Glucosamin

Penicillin/Streptomycin

Sigma Aldrich, Steinheim

Sigma Aldrich, Steinheim

Sigma Aldrich, Steinheim

Sigma Aldrich, Steinheim

RNA Later

Ambion, Huntington, UK

RPMI 1640-Pulvermedium

Sigma Aldrich, Steinheim

SIGMA 104 Sigma Aldrich, Steinheim
TEMED Sigma Aldrich, Steinheim

TRIzol Reagenz GIBCO/Invitrogen, Karlsruhe

Triton X-100 Serva, Heidelberg

Trypanblau Sigma Aldrich, Steinheim

Trypsin-EDTA-Lösung Tecnomara, Fernwald

Tween 20 Fluka, Buchs, Schweiz

Tyrode's Puffer Sigma Aldrich, Steinheim

Alle nicht aufgeführten Chemikalien wurden von der Firma Merck (Darmstadt) bezogen und

hatten den Reinheitsgrad p.a..

2.2 Verbrauchsmaterial und Geräte

Agilent 2100 Bioanalyzer Agilent, Waldbronn
Agilent Bioanalyzer RNA-Chip Agilent, Waldbronn

Begasungsbrutschrank – Cell Safe Integra Biosciences, Baar, Schweiz

Eppendorfcups (1,5 ml / 2ml) Eppendorf, Hamburg

Eppendorf Plastik-Pistille Eppendorf,Hamburg

ELISA Reader MWG Biotech, Ebersberg
FACS Röhrchen Labor Schubert, Schwandorf

FACScan Flow Cytometer Becton-Dickinson, Heidelberg

Gelelektrophoreseapparaturen BioRad, München

Gewebekulturschalen Becton-Dickinson, Heidelberg

Hyperfilm ECL Amersham, Braunschweig

Inkubatoren Heraeus, Hanau Kryo-Röhrchen Nunc, Naperville

Kryostat - Schneidemaschine Reichert Jung, Nussloch

Laminair Flow HB 2448- Sterilbank Heraeus, Hanau
Light Cycler Roche, Mannheim
Mikroskop Olympus, Hamburg

Mikrospin S – 200HR Säulen Amersham, Braunschweig

Mikrotiterplatten Falcon, Heidelberg

Neubauer Zählkammer Brand, Giessen

Nitrocellulosemembran Osmonics, Minnetonka, USA

Nylon Transfer Memebran Pall GmbH, Dreieich

PCR-Thermocycler Perkin Elmer, Shelton, USA

Polystyrolröhrchen Falcon, Heidelberg
Reaktionsgefässe Eppendorf, Hamburg

Röntgenfilm Biomax

Spannungsgerät: Biorad 200/2,0 Constant Voltage

S-VHS Video Recorder (AG7355)

Ultra Turrax

UV-Schirm (254 nm und 366 nm)

Video Kamera HG 16 PCO

Waagen: Sartorius R16OP

Sartorius L2200S

Whatman Filterpapier

Zeiss Mikroskop

Zellkulturflaschen (70, 250, 750 ml)

Zentrifugen: Beckmann J2-21 M/E Zentrifuge

Beckmann L-70 Ultrazentrifuge

Tischzentrifuge

Zytospin Zentrifuge

Zentrifugenröhrchen (15, 50ml)

MIP-2

Zellsiebe – Cellstrainer

Kodak, Rochester

BioRad, München

Panasonic, Osaka, Japan

IKA Labortechnik, Staufen

Bachhofer, Reutlingen

PCO, Kehlheim

Sartorius, Göttingen Sartorius, Göttingen

Laborcenter, Nürnberg

Leitz, Wetzlar

Falcon Heidelberg

Beckmann, München Beckmann, München Eppendorf, Hamburg

Shandon, Pittsburgh, USA

R&D Systems, Wiesbaden

Falcon, Heidelberg

Falcon, Heidelberg

2.3 Kits

DAB-Substrat kit Becton-Dickinson, Heidelberg

DC Protein Assay BioRad, München

ECL- Western Blot Detection Kit Energene, Regensburg

ELISAs: IL-4 R&D Systems, Wiesba

IL-4 R&D Systems, Wiesbaden IL-6 R&D Systems, Wiesbaden

RANTES R&D Systems, Wiesbaden

TNF R&D Systems, Wiesbaden

Mycoplasma detection kit Roche Diagnostics, Mannheim

QIAshredder Qiagen, Hilden

Prime it II Random Labeling kit Stratagene, Amsterdam,

Niederlande

RNeasy Mini Kit Qiagen, Hilden

Reverse Transcription System Promega, Mannheim

Vector AP Substrate Kit III Vector/Alexis, Grünberg

2.4 Molekulargewichtsstandards

DNA-Längenstandards (II, III, X, XIV)

Roche Diagnostics, Mannheim

SDS-PAGE Molecular Weight Standard, Broad Range

Proteinmolekulargewichtsstandards

BioRad, München

2.5 Antikörper und Enzyme

Antikörper:

FACS: Anti-CD3-PE Becton-Dickinson, Heidelberg

Anti-CD4-PE Becton-Dickinson, Heidelberg

Anti-CD8-PE Becton-Dickinson, Heidelberg
Anti-B220-PE Becton-Dickinson, Heidelberg

Anti-CD117-PE Becton-Dickinson, Heidelberg

Anti- α_4 β_7 -Integrin-PE Becton-Dickinson, Heidelberg

Anti-ß₇-Integrin-PE Becton-Dickinson, Heidelberg

Anti- α_E -Integrin-FITC Becton-Dickinson, Heidelberg

Anti-L-Selectin –PE Becton-Dickinson, Heidelberg

5G11b-FITC vgl. 3.3.8

LTßR:lg-FITC vgl. 3.3.8

5G11b (Ratte-anti-Maus LTßR, IgG_{2a}) Hehlgans, 2003 IC5 (Ratte-anti-Maus LTßR, IgG_{2a}) Hehlgans, 2003

Anti-Maus-FDC-M1 (anti CD21/CD35)

Becton Dickinson, Heidelberg

Anti-Maus-IFNy (Ratten IgG_{2a} – Klon RA-6A2) Kojouharoff, 1997

Anti-Maus-MadCAM-1 (Ratten IgG_{2a}) Becton-Dickinson, Heidelberg

Anti-Maus-PNAd (Ratten IgM) Becton-Dickinson, Heidelberg

Anti-Maus-TNF (V1q, Ratten IgD) Echtenacher, 1990

Anti-Ratten-IgG-POX Sigma Aldrich, Steinheim

Anti-Ratten-IqM biotinyliert Becton-Dickinson, Heidelberg

humanes IgG₁ Sigma Aldrich, Steinheim PNA biotinyliert Vector/Alexis, Grünberg

Ratten IgM monoclonal isotype standard Becton-Dickinson, Heidelberg

Ratten IgG_{2a} monoclonal isotype standard Becton-Dickinson, Heidelberg

Ratten IgG_{2a} –FITC monoclonal isotype standard Dako, Hamburg

Streptavidin-AP Dianova, Hamburg

Streptavidin-POX Dianova, Hamburg

Enzyme:

Taq-DNA-Polymerase

Roche Diagnostics, Mannheim

2.6 Oligonukleotide

Alle verwendeten Oligonukleotide wurden von der Firma metabion (Martinsried) synthetisiert. Alle Sense-Primer für PCR tragen den Zusatz 5´, alle Antisense-Primer tragen den Zusatz 3´.

Oligonukleotid	Sequenz
5´mLTßR extraz. Domäne	5´-GCC GAA GCT TCT GGT GGC CTC TCA
	GCC CCA G-3´
3´mLTßR extraz. Domäne	5'-GCC GGG ATC CGC TCC TGG CTC
	TGG GGG ATT-3′
5´mLTα	5'-GAA GGG GTA TTG GGA AAA GAG
	CTG-3′
3′mLTα	5'-CTC TAG GGG CCC AGG GAC TCT CTG
	G-3′
5´m LTß	5'-CCT GCT GGC TGT GGC AGG AGC
0/1170	TAC-3'
3´mLTß	5'-GTA CCA TAA CGA CCC GTA CCC GAT
F'LOUT	G-3′
5´mLIGHT	5'-GAG AGT GTG GTA CAG CCT TCA
2′mLICUT	GTG-3′ 5′-TGT AAG ATG TGC TGC TGG GTT G-3
3´mLIGHT 5´ß-Aktin	5'-TGA CGG GGT CAC CCA CAC TGT-3'
3 ß-Aktin	5'-CTA GAA GCA TTT GCG GTG GAC-3'
5 is-Aktiri 5 mTNF	5'-GGC AGG TCT ACT TTG GAG TCA TTG
SIIIINF	C-3'
3´mTNF	5'- ACA TTC GAG GCT CCA GTG AAT TCG
	G-3'
5'm IL-6	5'-TGG AGT CAC AGA AGG AGT GGC TAA
	G-3'
3′m IL-6	5'-TCT GAC CAC AGT GAG GAA TGT CCA
	C-3′
5'm IL-1ß	5'-TGA AGG GCT GCT TCC AAA CCT TTG
	ACC-3´
3´mlL-1ß	5'-TGT CCA TTG AGG TGG AGA GCT TTC
	AGC-3´
5′ 18s RNA	5'-TCA AGA ACG AAA GTC GGA-3'
3´ 18sRNA	5'-GGA CAT CTA AGG GCA TCA CA-3'

2.7 Puffer und Lösungen

Beschichtungspuffer für ELISA 50mM NaHCO₃

pH 9.2

Bindungspuffer nativ für Proteinreinigung 500mM NaCl

20mM Na-Phosphat

pH 7,8

Blockierlösung für ELISA 10% Magermilchpulver in PBS

Coomassie-Blau-Lösung 0,25% Coomassie blue R250 in

45% Methanol 10% Essigsäure 45 % H₂O

Coomassie-Entfärbelösung 40% Methanol

10% Essigsäure

50% H₂O

Denaturierungspuffer für Southern Blot 1,5M NaCl

0,5M NaOH

Ethidiumbromid-Stammlösung 10mg/ml Ethidiumbromid in H₂O

FITC-Dialyse-Puffer 0,1M Tris HCL

0,2M NaCl (pH 7,4)

FITC-Labelling-Puffer 0,05M Borsäure

0,2M NaCl (pH 9,2)

FITC-Stock-Lösung 5mg/ml FITC in DMSO

ß-Hexosaminidase Enzym Substrat Lösung 1mM p-Nitrophenyl-N-Acetyl-ß-D-

Glucosmain in

0,1 M Natrium Citrat Lsg.

(pH 4,5)

Imidazol-Elutionspuffer 500 mM Imidazol in

Waschpuffer nativ pH 6,0 für

Proteinreinigung

Laemmli-Elektrodenpuffer (5x) 40mM Tris Base

0,95M Glycin

Neutralisierungspuffer für Southern Blot 1,5M NaCl

0,5M Tris-HCI

(pH8,0)

PBS 150mM NaCl

8mM K₂HPO₄ 2mM KH₂PO₄ (pH 7,3)

0,1% PBS-T 0,1% (v/v) Tween20 in PBS

Sammelgel-Trispuffer 0,5M Tris-HCl

(pH6.8)

SDS-Probenpuffer (2x) 20% Glycerin

1,25M TrisHCI (pH 6,8)

4% SDS

0,02% Bromphenolblau 10% ß-Mercaptoethanol

SSC (20x) 3M NaCl

0,3M Natriumcitrat

(pH 7,2)

Substratlösung für ELISA (AP) 0,06% (w/v) SIGMA104 in Substratpuffer

Substratpuffer für ELISA (AP) 9,8% (v/v) Diethanolamin

24mM MgCl₂

pH 9.8

TAE-Puffer 40mM Tris-HCI

1mM EDTA (pH 8,3)

TBE-Puffer 89mM Tris-HCl

89mM H₂BO₃ 2mM EDTA (pH 8,0)

Transferpuffer A – Western Blot 0,3 M Tris Base in

20% Methanol 80% dem. Wasser

(pH 10,4)

Transferpuffer B – Western Blot 25 mM Tris Base in

20% Methanol 80% dem. Wasser

(pH 10,4)

Transferpuffer C – Western Blot 4mM ϵ -Amino-n-Capronsäure in

20% Methanol 80% dem. Wasser

(pH 7,6)

Trenngel-Trispuffer 1,5M Tris-HCl

(8,8 Hq)

0,5% Triton X-100 Lösung 0,5% Triton X-100 in dem. Wasser

Trypanblau-Lösung 0,15% Trypanblau

150mM NaCl

Waschpuffer nativ für Proteinreinigung 500mM NaCl

20mM Na-Phosphat

pH 6,0

2.8 Zelllinien

BFS1 Maus–Fibrosarkomlinie (Hehlgans, 2002)

EL4 5D3 Maus-T-Zell-Zellinie (Hofmeister, 1997)

ESB Maus-T-Zell-Zellinie

L138.8A Maus-Mastzell-Zellinie (Hültner, 1990)
PMMI Maus-T-Zell-Zellinie (Force, 1995)

X63Ag8-653 Maus-Myelomzelllinie (Herr Dr. L. Hültner

(GSF, München))

2.9 Zytokine

Maus-IL-3 Als Quelle diente Zellkulturüberstand der mit dem IL-3-Gen transfizierten

murinen Myelomzelllinie X63Ag8-653, welche ursprünglich am Institut für Immunologie in Basel etabliert und mir freundlicherweise von Herrn Dr. Lothar

Hültner (GSF, München) zur Verfügung gestellt wurde.

Zellkultur: 5x10⁶ Zellen/ml in RPMI-1640, 10% FCS, 2mM L-Glutamin, 10⁻⁵ M ß-Mercaptoethanol, 100 U/ml Penicillin/Streptomycin, 1mg/ml G418. Der

Einsatz von 1% dieses Zellüberstandes entsprach 20 U/ml IL-3 und somit der proliferativen Aktivität, die von heranwachsenden BMMC benötigt wurde.

SCF In E.-coli exprimierter stem cell factor (SCF, oder Kit-Ligand) wurde am Institut

für Experimentelle Hämatologie des GSF Forschungszentrums für Umwelt und

Gesundheit GmbH, München von Herrn Dr. Lothar Hültner hergestellt und mir

freundlicher Weise zur Verfügung gestellt.

2.10 Tiere

BALB/c Charles River, Sulzfeld

C57BL/6 Wild Typ Charles River, Sulzfeld

C57BL/6 LTßR -/- Prof. Dr. K. Pfeffer, Institut für Med.-

Mikrobiologie/Hygiene und Immunologie,

TU-München

3. Methoden

3.1 Arbeiten mit RNA

Um eine Kontamination mit RNasen zu vermeiden, wurden sämtliche Arbeiten mit RNA mit Handschuhen durchgeführt. Es wurden nur sterile Glaswaren und Plastikreaktionsgefässe sowie autoklavierte Lösungen verwendet. Wasser wurde mit 0,1% Diethylcarbonat versetzt, kräftig geschüttelt, über Nacht stehen gelassen und am nächsten Tag vier Stunden bei 121 °C autoklaviert (DEPC Wasser).

3.1.1 Isolierung von total RNA aus Zellen

Zur Isolierung von total-RNA wurde TRIzol-Reagenz verwendet. Dazu wurden ca. 5x10⁶ Zellen ohne weitere Vorbehandlung in TRIzol aufgenommen und die RNA nach Angaben des Herstellers aufgearbeitet, wobei die Ausbeute etwa 500-1000µg betrug. RNA wurde nach der Präzipitation mit Isopropanol bei –80°C gelagert. RNA, die sofort weiter verwendet werden sollte, wurde nach dem Präzipitationsschritt mit Isopropanol durch Zugabe von Ethanol (75% V/V) gewaschen, an der Luft getrocknet und in RNase-freiem Wasser aufgenommen. Konzentration und Reinheit der RNA wurde mittels Agilent Bioanalyzer RNA-Chips auf einem Agilent 2100 Bioanalyzer, nach Angaben des Herstellers, bestimmt. Hierbei wird RNA auf einem Gel, das sich auf einem Agilent Bioanalyzer RNA-Chip befindet, in die charakteristischen 18s und 28 s Banden aufgetrennt. Anhand der Bandenstruktur kann durch einen internen Standard die Reinheit und Konzentration der eingesetzten RNA errechnet werden.

3.1.2 Isolierung von total RNA aus Darmgewebe

Es wurde aus dem distalen Teil des Dickdarms ein etwa 1 cm langes Gewebestück entnommen und bis zur RNA-Isolation in RNA-Later Lösung bei -80° aufbewahrt. Zur Isolation von total-RNA aus Maus-Dickdarm wurde Qiashredder und nachfolgend RNeasy Mini Kit, nach Angaben des Herstellers, verwendet. Zuerst wurde der Maus-Dickdarm mittels Eppendorf-Pistillen in Eppendorf-Cups mechanisch zerkleinert. Da der Dickdarm nicht vollständig zerkleinert werden konnte, mussten verbleibende Dickdarmstücke durch QIAshredder-Filter zentrifugiert werden, um so von der resultierenden Lösung abgetrennt werden zu können. Aus der erhaltenen Lösung wurde RNA mittels RNeasy Mini Kit isoliert und in RNase freiem Wasser bei -80°C eingefroren. Konzentration und Reinheit der RNA wurden wie in 3.1.1 beschrieben mit dem Agilent 2100 Bioanalyzer ermittelt.

Methoden

3.1.3 Reverse Transkription

Bei der reversen Transkription wird eine RNA-abhängige DNA-Polymerase (reverse Transkriptase; RTase) verwendet. Sie synthetisiert DNA-Kopien eines RNA-Moleküls (=complementary DNA; cDNA). Für die Synthese von cDNA-Molekülen, die komplementär zu mRNA-Molekülen sind, wurden Oligo(dT)-Primer verwendet. Sie hybridisieren mit dem poly-A-Ende der mRNA und dienen so für die RTase als Startbereich.

Für die reverse Transkription wurden pro Ansatz 1µg gereinigte mRNA eingesetzt. Diese wurde zu einem Endvolumen von 19,5µl mit RNase freiem Wasser verdünnt und im folgenden Reaktionsansatz (Reverse Transcription Set, Promega) eingesetzt:

Zusammensetzung des kompletten Reaktionsansatzes (pro Probe):

MgCl ₂	8 µl
10x Puffer	4 µI
dNTPs	4 µl
Oligo (dT)-Primer	2 µl
RNase Inhibitor	1 µl
Reverse Transkriptase	1,5 µl
•	20,5 µl
+RNA in RNase freiem Wasser	19,5µl
	40 µl

Der Ansatz wurde 15 min bei 42°C, 5 min bei 99°C inkubiert und bis zur weiteren Verwendung bei 4°C gelagert. Zur Amplifikation spezifischer cDNA-Fragmente durch PCR wurden 5µl der erhaltenen cDNA-Lösung eingesetzt.

3.2 Arbeiten mit DNA

3.2.1 Polymerase-Kettenreaktion (PCR)

Die spezifische Amplifizierung von DNA-Fragmenten erfolge mit der Polymerase-Kettenreaktion (PCR). Die Reaktion wurde in einem Volumen von 50µl durchgeführt.

cDNA	5 µl
PCR Puffer, 10x conc. (Roche)	5 µl
5´Primer	0,2 µl
3´Primer	0,2 µl
Desoxynucleotidmischung (Roche)	4 µl
Tag DNA Polymerase (Roche)	1 µl
Wasser	34,6 µl
	50 µl

Nach einem Denaturierungsschritt von 5 min bei 95°C wurden üblicherweise 35 Zyklen des nachfolgenden Reaktions-Schemas angewandt:

Denaturierung: 95°C; 30sek Primerannealing: siehe Tabelle 3-1 Elongation: 72°C; 30 sek Methoden

Nach einer abschließenden Elongation für 7 min wurden die amplifizierten PCR-Fragmente auf einem Agarosegel analysiert.

Oligonukleotid	Annealing-Temperatur
mLTBR extraz. Domäne	60°C
mLTα	60°C
mLTß	60,5°C
mLIGHT	60°C
ß-Aktin	58,5°C

Tabelle 3-1: Annealing-Temperaturen der verwendeten Primer.

3.2.2 Agarose Gelelektrophorese

Die elektrophoretische Auftrennung von DNA-Fragmenten unterschiedlicher Länge erfolgte in Agarosegelen, wobei die Agarosekonzentration 1,5% (w/v) betrug. Dazu wurde Agarose in TAE-Puffer aufgekocht, mit Ethidiumbromidstammlösung im Verhältnis 1:10⁴ versetzt und in die Gelapparatur gegossen. Nach dem Abkühlen wurde das Gel mit TAE-Puffer überschichtet. Die DNA-Proben wurden mit Laufpuffer im Verhältnis 1:5 vermischt, in die vorbereiteten Geltaschen pipettiert und durch Anlegen einer elektrischen Spannung (5-10V/cm) aufgetrennt. Zur Bestimmung der Fragment-Länge wurden zusätzlich entsprechende DNA-Standards (DNA-Molekulargewichtsstandard II, III, X, XIV) aufgetragen. Nach der Elektrophorese wurden die DNA-Fragmente auf einem UV-Schirm bei einer Anregungswellenlänge von 254nm sichtbar gemacht und photographiert.

3.2.3 Quantitative RT-PCR mittels Light Cycler

Zur Quantifizierung von mRNA aus Dickdarmgewebe wurde wie folgt vorgegangen: RNA wurde wie in 3.1.2 beschrieben aus Dickdarmgewebe isoliert, wie in 3.2.1 in cDNA umgeschrieben und mittels der Light Cycler Technik, nach Angeben des Herstellers, quantifiziert. Hierzu wurden für jede Probe folgender Ansatz hergestellt:

cDNA	2 µl
5´Primer	2 µl
3´Primer	2 µl
Mastermix (Roche)	2 µl
MgCl ₂	1,6-3,2 µl
Rest RNase freies Wasser	, , ,
_	20 ul

Hierbei wurde von den ursprünglichen Primer-Lösungen eine 1:20 Verdünnung eingesetzt. Beim Umgang mit dem Mastermix musste auf Lichtschutz geachtet werden.

Der Versuchsansatz wurde dann in das Light Cycler Gerät gegeben und durch folgende Zyklenabfolge (45x) amplifiziert:

Denaturierung: 95°C; 5 sek Primerannealing: siehe Tabelle 3-2; 5 sek Elongation: 72°C; 25 sek Methoden

Die Auswertung erfolgte am speziellen Light Cycler Programm.

Oligonukleotid	Annealing-Temperatur	MgCl₂-Konzentration
mTNF	62°C	4mM
mIL-6	62°C	4mM
mIL-1ß	60°C	4mM

Tabelle 3-2: Annealing-Temperaturen und zugehörige MgCl₂-Konzentrationen der verwendeten Primer.

3.2.4 Southern Blot

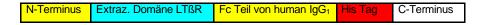
Die in Agarosegelen aufgetrennten DNA-Fragmente wurden mittels Kapillarblot auf eine Nylonmembran übertragen (Southern, 1975). Dazu wurde das Gel nach der Elektrophorese für 30 min in Denaturierungspuffer und anschließend zweimal für je 10 bis 15 min in Neutralisierungspuffer leicht geschüttelt. Anschließend wurde das Gel auf Whatmanpapier, das mit 20x SSC getränkt war, gelegt und mit einer Nylonmembran passender Größe bedeckt. Die Membran wurde wiederum mit in 20x SSC getränktem Whatmanpapier und einem hohen Stapel Fließpapier bedeckt. Der gesamte Aufbau wurde mit einem geeigneten Gewicht beschwert. 20x SSC-Lösung diente als Transfer-Puffer und vermittelte die Übertragung der DNA auf die Membran. Nach ca. 24h wurde die DNA auf der Nylonmembran durch UV-Crosslinken immobilisiert.

Die radioaktive Markierung einer doppelsträngigen DNA-Sonde mit ³²P erfolgte unter Verwendung des Prime It II Random Primer Labeling Kit. Dazu wurden 50 bis 100ng DNA mit 10µl Hexanukleotidlösung (5x) in einem Volumen von 24µl für 5 min bei 95°C denaturiert und dann auf Eis gestellt. Nach Zugabe von Reaktionspuffer (5x), der die Nukleotide dATP, dTTP und dGTP enthielt, wurden $5\mu l$ ^{32}P dCTP sowie $1\mu l$ Klenow-Fragment zugegeben und der Ansatz bei 37°C ca. 30 bis 60 min inkubiert. Abschließend wurden die nicht eingebauten Nukleotide durch MicroSpin S-200 HR Säulen nach Herstellerangaben entfernt und die so präparierte DNA-Sonde mit einem Szintillationszähler auf ihre spezifische Aktivität überprüft. Die Nylonmembranen mit den immobilisierten DNA-Fragmenten wurden ca. 2h bei 42°C in 10 bis 15ml Hybridisierungslösung prähybridisiert. Anschließend wurde eine radioaktiv markierte Sonde dazu pipettiert und über Nacht bei 42°C hybridisiert. Am nächsten Tag wurde die Hybridisierungslösung entfernt und die Membran zweimal 10 min mit einer Lösung aus 2x SSC; 0,1% SDS und anschließend zweimal 10 min mit einer Lösung mit 0,2x SSC; 0,1% SDS bei 42°C gewaschen. Schließlich wurde die spezifisch gebundene Sonde autoradiographisch detektiert. Dazu wurde ein Röntgenfilm auf die Membran gelegt und nach 12 bis 24h entwickelt.

3.3 Proteinchemische Methoden

3.3.1 Das LTBR:Ig-Fusionsprotein

Um die Aktivierung des LTßR zu hemmen wurde ein LTßR:Ig-Fusionsprotein benutzt. Dies besteht aus der Extrazellulärdomäne des mäuslichen LTßR und dem Fc-Teil eines humanen IgG₁. Da LTßR ein Typ I Membranprotein ist, befindet sich der N-Terminus bei der Extrazellulärdomäne und der C-Terminus bei der Intrazellulärdomäne.



Der sogenannte His-Tag besteht aus sechs aufeinander folgenden Histidin-Resten. LTßR:Ig bindet, auf Grund seiner doppelt vorhandenen LTßR Extrazellulärdomäne, an die Liganden $LT\alpha_1\beta_2$ und LIGHT.

3.3.2 Reinigung von LTßR:lg-Fusionsprotein aus Zellkulturüberstand

Rekombinant exprimierte Proteine, die ein sog. HIS-Epitop, 6 Histidinreste am C- oder N-terminalen Ende, besitzen, lassen sich über eine Metallchelat-Affinitätschromatographie reinigen (Staropoli, 1997). Das aufzureinigende Protein wurde dabei in den Kulturüberstand sezerniert.

Es wurde rekombinantes LTßR:Ig-Fusionsprotein aus Schneider S2 Zellkulturüberständen unter nativen Bedingung gereinigt. Dazu wurden Zellen bzw. Zellreste durch zehnminütige Zentrifugation bei 4°C und 12000rpm in einer Beckmann-Zentrifuge aus dem Überstand entfernt. Dieser wurde durch Zugabe von zehnfach konzentriertem Bindungspuffer auf die für die Bindung notwendigen Salz- und pH-Verhältnisse eingestellt. Zur Bindung (20 min bei RT unter vorsichtigem Schütteln, Schaumbildung vermeiden) wurde Ni-NTA-Agarose zugegeben, die mit einfach konzentriertem Bindungspuffer equilibriert worden war. Danach schlossen sich zwei Waschschritte mit einfach konzentriertem Bindungspuffer für je 15min bei RT und drei Waschschritte mit nativem Waschpuffer pH 6,0 für ebenfalls je 15 min bei RT an. Die Elution (20min bei RT unter Schütteln) erfolgte in nativem Waschpuffer pH 6,0 mit 500mM Imidazol. Das Eluat wurde über Nacht bei 4°C gegen PBS dialysiert, aliquotiert und bei –20°C aufbewahrt.

3.3.3 Messung der Proteinkonzentration

Zur Bestimmung von Proteinkonzentrationen wurde der DC Protein Assay Kit verwendet. Hierbei handelt es sich um einen colorimetrischen Nachweis von Proteinkonzentrationen in Anlehnung an den bekannten Lowry-Assay. Der Nachweis erreicht 90% der maximalen Farbentwicklung bereits nach 15 min.

Der Nachweis basiert auf der Reaktion von Protein mit Kupfertartrat-Lösung and Folins-Reagenz. Wie auch beim Lowry-Assay, besteht der BioRad DC Assay Kit aus zwei Stufen, die zur Farbreaktion führen: Die Reaktion zwischen Protein und Kupfer in alkalischer Lösung und die nachfolgende Reduktion von Folins-Reagenz durch das Kupfer behandelte Protein. Die Farbreaktion ist primär abhängig von den Aminosäuren Tyrosin und Tryptophan, und in einem geringerem Maße von Cystin, Cystein und Histidin. Die Proteine verursachen die Reduktion von Folins-Reagenz durch den Verlust von ein, zwei oder drei Sauerstoffatomen. Daher können mehrere reduzierte Spezies entstehen, mit einem Absorptionsmaximum bei 750 nm und einem Absorptionsminimum bei 405 nm.

Vorgehensweise bei der Versuchsdurchführung: Von Proteinstandardlösung bzw. den zu bestimmenden Proben werden 5 µl in Mikrotiterplatten pipettiert. Daraufhin werden 25µl der alkalischen Kupfertartrat-Lösung hinzugefügt. Anschließend werden 200µl Folins Reagenz zugesetzt und für 15 min im Dunkeln stehen gelassen. Die Absorption wurde bei 750 nm bestimmt.

3.3.4 SDS-Polyacrylamid-Gelelektrophorese

Proteine wurden elektrophoretisch nach ihrem Molekulargewicht in SDS-Polyacrylamid-Gelen, die aus Sammel- und Trenngel bestanden, aufgetrennt (Lämmli, 1970). Die Elektrophorese wurde bei 0,8mA/cm² durchgeführt. Anschließend wurde das Gel auf eine Nitrozellulosemembran transferiert.

Sammelgel (3%):	Acrylamid-Stammlösung (30%) Sammelgel-Trispuffer (pH 6.8) H ₂ O SDS (10%) APS (10%) TEMED	0,85ml 1,5ml 3,75ml 60µl 50µl 5µl
Trenngel (6%):	Acrylamid-Stammlösung (30%) Trenngel-Trispuffer (pH 8.8) H ₂ O SDS (10%) APS (10%) TEMED	3,25ml 3,75ml 8ml 150µl 100µl 10µl

3.3.5 Coomassie-Färbung

Zur Detektion von Proteinen in Polyacrylamidgelen oder auf Nitrozellulosemembranen wurde eine Färbung mit Coomassie-Blau durchgeführt. Dazu wurden Gele oder Membranen zunächst für 5 bis 10 min in Färbelösung (0,25% Coomassie Blue R250/L, 45% Methanol, 10% Essigsäure) gelegt und anschließend in Entfärbelösung (40% Methanol, 10% Essigsäure) gewaschen, bis die Proteinbanden deutlich sichtbar waren.

3.3.6 Western Blot

Zur Detektion der in der SDS-PAGE aufgetrennten Proteine mittels Western-Blot, wurden diese auf eine Nitrozellulosemembran transferiert (Western Blot; Towbin, 1979). Dazu wurden je drei Whatmanpapierstücke in Gelgröße in den Transferpuffern A (0.3M Tris Base, pH 10,4; 20% Methanol), B (25mM Tris Base, pH 10,4; 20% Methanol) und C (4mM ε-Aminon-Capronsäure. pH 7,6; 20% Methanol) getränkt. Zunächst wurden Whatmanpapierstücke A und B auf die Anodenplatte der Blotapparatur gelegt. Die Nitrozellulosemembran wurde mit Methanol befeuchtet, in Puffer B gespült und auf Whatmanpapierstücke B ælegt. Anschließend wurde das Gel aufgelegt, mit drei Lagen Whatmanpapier C bedeckt und die Apparatur mit der Kathodenplatte geschlossen. Der Proteintransfer erfolgte durch Anlegen einer elektrischen Spannung für 0,8h bei 1mA/cm². Die auf die Nitrozellulosemembran geblotteten Proteine wurden mit Hilfe spezifischer Antikörper detektiert. Diese wurden mit einem sekundären, Meerrettichperoxidase (HRP)markierten Antikörper nachgewiesen werden. In beiden Fällen wurde die Membran nach dem Proteintransfer in 0,1% PBS-T mit 1% (w/v) Magermilchpulver für 30 min blockiert und anschließend für 1h mit den entsprechenden Antikörpern in der angegebenen Konzentration inkubiert. Nach fünfmaligem Waschen der Membran mit PBS-T und einmaligem Waschen mit PBS, wurde die Membran mit dem sekundären Antikörper versetzt. Vor der Detektion wurde die Membran fünfmal mit PBS-T und mindestens einmal mit PBS gewaschen. Die Detektion des HRP-gekoppelten Antikörpers erfolgte mit dem ECL-Western-Blot-System (EnerGene). Die Nachweisreaktion beruht auf einer Chemolumineszenzreaktion, die durch die HRP-katalysierte Oxidation eines Substrats (Luminol) hervorgerufen wird. Diese Lichtemission kann anschließend auf einem Röntgenfilm (Hyperfilm-ECL) sichtbar gemacht werden.

3.3.7 Biotinylierung von Antikörpern

Zur Biotinylierung von Antikörpern wird ein Biotinyl-ε-Aminocapronsäure-N-Hydroxysuccinimidester (Biotin-X-NHS) eingesetzt, der spontan bei Zugabe zu Proteinen hydrolysiert und dabei das Biotin-X über eine kovalente Peptidbindung an die ε-Aminogruppen der Lysin-Reste koppelt. Der aliphatische ε-Aminocapronsäure-Rest (X) zwischen dem Biotin-Molekül und der reaktiven Gruppe fungiert dabei als "Spacer", um einer sterischen Behinderung zwischen dem IgG-Molekül und dem kleineren Biotin-Molekül entgegenzuwirken.

Das Biotinylierungsreagenz Biotin-X-NHS wird unmittelbar vor der Reaktion in Dimethylformamid (DMF) gelöst, um die Eigenhydrolyse gering zu halten. Zur Biotinylierung werden zu 1mg Antikörper (1mg/ml) 100µl Biotin-X-NHS-Lösung (1mg/ml in DMF)

zugegeben und 30 min bei Raumtemperatur inkubiert. Der Reaktionsansatz wird anschließend über Nacht gegen PBS dialysiert.

3.3.8 FITC-Markierung von Proteinen

Zur direkten Fluoroisothiocyanat (FITC) Markierung von Proteinen wurde folgender Reaktionsansatz verwendet: 1mg Protein wurde mindestens 48 h bei 4°C gegen FITC-Labelling-Puffer dialysiert. Daraufhin wurden zum dialysierten Protein 20 µl einer FITC-Stock Lösung hinzugefügt und 2 h bei RT unter leichtem schwenken inkubiert. Um ungebundenes FITC aus dem Reaktionsansatz zu entfernen wurde der Ansatz viermal jeweils gegen 5 Liter des FITC-Dialyse-Puffers für 2 Tage, bei 4°C, dialysiert . Abschließend wurde das FITC markierte Protein im Dunkeln bei 4°C aufbewahrt.

3.4 Zellbiologische Methoden

3.4.1 Zellkulturbedingungen

Alle zellbiologischen Arbeiten wurden unter einer Sterilbank (Laminair Flow) durchgeführt. Alle verwendeten Zelllinien bzw. Primärkulturen wurden in Kulturflaschen mit dem angegebenen Medium bei 37°C, 5% CO₂-Gehalt und 95% Luftfeuchtigkeit in einem Begasungsbrutschrank (Cell Safe) kultiviert. Falls nicht anders angegeben wurden die Zellen dreimal wöchentlich im Verhältnis 1:5 geteilt. Medienwechsel oder Waschschritte wurden ausgeführt, indem die Zellen in sterilen Falconrörchen 5 min bei 1000 bis 1200 zentrifugiert und anschließend das Zellpellet in der entsprechenden Lösung resuspendiert wurde.

3.4.2 Zellkulturmedien

Die verwendeten Zelllinien wurden in folgenden Medien kultiviert

BFS-1	RPMI 1640, 10% FCS, Gentamycin (50 µg/ml)
EL4 5D3	RPMI 1640, 10% FCS, Gentamycin (50μg/ml), 10 ⁻⁵ M ß-Mercaptoethanol
ESB	RPMI 1640, 10% FCS, Gentamycin (50μg/ml), 10 ⁻⁵ M ß-Mercaptoethanol
L138.8	IMDM, 20% FCS, 100 U/ml Penicillin, 100µg/ml Streptomycin, 20 U/ml IL3 und
	200ng/ml stem cell factor
PMMI	RPMI 1640, 10% FCS, Gentamycin (50μg/ml), 10 ⁻⁵ M ß-Mercaptoethanol
X63Ag8-653	RPMI-1640, 10% FCS, 2mM L-Glutamin, 10 ⁻⁵ M ß-Mercaptoethanol, 100 U/ml
	Penicillin/Streptomycin, 1mg/ml G418

3.4.3 Einfrieren und Auftauen von Zellen

Zellen, die langfristig in flüssigem Stickstoff gelagert werden sollten, wurden zunächst bei 1200rpm pelletiert und in einer Konzentration von ca. 1x10⁶ Zellen/ml in kaltem Einfriermedium (40% RPMI 1640; 50% FCS; 10% Dimethylsulfoxid) resuspendiert. Anschließend wurden Aliquots zu 1,8ml in Kryoröhrchen gefüllt, bei -80°C tiefgefroren und nach einigen Tagen in flüssigen Stickstoff überführt.

Sollten tiefgefrorene Zellen erneut in Kultur genommen werden, wurde die Zellsuspension aufgetaut, in wenig Medium gewaschen und in frisches Kulturmedium überführt.

3.4.4 Bestimmung der Lebendzellzahl

Sollten Zellen in einer definierten Zellzahl in die entsprechenden Kulturgefäße eingesät werden, wurde mittels Trypanblau-Ausschlußtest die Anzahl der lebenden Zellen mit Hilfe einer Neubauer-Zählkammer ermittelt. Dazu wurden 100µl einer Zellsuspension 1:1 mit Trypanblaulösung versetzt. In einer Neubauer-Zählkammer wurde die Zahl an lebenden Zellen, die sich nicht durch Trypanblaulösung anfärben ließen, mikroskopisch ermittelt.

Die Zellkonzentration wurde folgendermaßen berechnet:

Anzahl der Zellen in 16 Kleinquadraten x Verdünnungsfaktor = Zellzahl x 10⁴ / ml

3.4.5 Mycoplasmentest

In regelmäßigen Abständen wurden sämtliche Zelllinien mit Hilfe des Mycoplasma Detection Kits auf einen Mycoplasmenbefall untersucht.

3.4.6 Experimente mit primären vom Knochenmark stammenden polyklonalen Mastzellen (Bone marrow-derived mast cells = BMMC)

Bei allen Experimenten mit BMMC wurden diese bei maximal 700 U für 5 min zentrifugiert.

3.4.6.1 Gewinnung und Kultur primärer von BMMC

Als Spender für das Knochenmark dienten weibliche BALB/c, C57BL/6 WT bzw. C57BL/6 LTßR-/- Mäuse im Alter von etwa 4 Monaten. Die Mäuse wurden durch Genickbruch getötet, das Fell mit Ethanol (70%) desinfiziert und von der betreffenden Körperhälfte abpräpariert. Der Femur wurde unter sterilen Bedingungen stumpf von der Muskulatur befreit, die Diaphyse mit einer Pinzette fixiert und die distale Epiphyse des Femurs durch Drehen der unteren Gliedmasse abgetrennt. Proximal wurde der Femur mittels Scherenschlag abgetrennt.

Zum Entnehmen des Knochenmarks wurde eine Injektionsnadel (21 Gauge) mit angesetzter 5 ml Spritze vorsichtig in die eröffnete Markhöhle unter drehender Bewegung eingeführt und

das Knochenmark durch wiederholtes Spülen mit kaltem (4°C) RPMI-1640 Medium in ein steriles 50 ml Falconröhrchen herausgewaschen. Aus dem so gewonnenen Knochenmark wurde durch wiederholtes vorsichtiges Pipetieren eine homogene Einzelzellsuspension hergestellt.

3.4.6.2 Selektion und Kultur von Mastzellen

Eine definierte Zellmenge (3x10⁶ Zellen/ml) wurde in ein Nährmedium bestehend aus IMDM (GIBCO/Invitrogen), 20% FCS, 100 U/ml Penicillin, 100µg/ml Streptomycin, 20 U/ml IL-3 und 200ng/ml stem cell factor (SCF, c-kit ligand, erhalten von Herrn Dr. Lothar Hültner, GSF, München) gegeben. Nicht adhärente Zellen wurden alle zwei bis drei Tage, für eine Dauer von mindestens 28 Tagen, in frisches Medium gegeben um adhärierende Makrophagen und Fibroblasten abzutrennen. Danach wurde der Anteil der Mastzellen in Zytozentrifugenpräparaten mittels May-Grünwald- bzw. Toluidinblau-Färbung bestimmt.

3.4.6.3 Zytozentrifugenpräparate

Pro Präparat wurden 200 μl Zellsuspension (1x10⁵ Zellen in PBS mit 50% FCS) 5 min lang bei 700 U (Cytospin-Zentrifuge) auf Objektträger zentrifugiert, über Nacht luftgetrocknet, mit verschiedenen Methoden gefärbt und mit Entellan eingedeckt.

Wie unter 3.5.7 dargestellt wurden primäre vom Knochenmark stammende polyklonale Mastzellen zur phänotypischen Charakterisierung mit den nachfolgenden Methoden gefärbt. Grundsätzlich wurden für jede Anzucht drei unabhängige Versuche durchgeführt.

3.4.6.4 May-Grünwald-Giemsa-Färbung

Die Präparate wurden zuerst mit konzentrierter May-Grünwald-Lösung 4 min lang gefärbt, kurz abgetropft und dann für 6 min in Giemsa-Lösung (7% Giemsa in Puffer nach Weise, pH 7,2) gegengefärbt, anschließend 5 min in Weise Puffer gewaschen, an der Luft getrocknet und mit Entellan eingedeckelt.

3.4.6.5 Toluidinblau-Färbung

Die Präparate wurden in der Farbstofflösung (1g Toluidinblau in 100ml Methanol) 5 min lang gefärbt, anschließend mit Leitungswasser für 4 min gewaschen 'luftgetrocknet und mit Entellan eingedeckelt.

3.4.6.6 Induktions experimente

Mit Hilfe dieser Versuche wurden BMMC zur Freisetzung neu sythetisierter Zytokine veranlasst. Ionomycin, ein Kalziumionophor, führt zum Einstrom extrazellulärer Ca²⁺-Ionen und erhöht so den intrazellulären Kalziumspiegel dieser Zellen. Dies spiegelt einen Prozess

wieder, der auch nach physiologischer Aktivierung von Mastzellen mittels Quervernetzung des hoch affinen IgE-Rezeptors (FcɛRI) abläuft. Durch zusätzliche Applikation von 5G11b bzw. mLIGHT wurde die kalziumvermittelte Freisetzung von Zytokine nach LTßR-Stimulation analysiert.

In allen Experimenten wurden 1x10⁶ BMMC pro ml Zellkulturmedium eingesetzt. Die Versuche wurden in 24-well Platten mit 1ml/well durchgeführt. Für jeden Stimulationsansatz wurden Dreifachwerte ermittelt. Nach Ablauf der Inkubationszeit wurden die Kulturüberstände mittels Zentrifugation zellfrei gewonnen und bei -20°C bis zur weiteren Analyse der Zytokinkonzentrationen aufbewahrt.

3.4.6.7 Cokulturexperimente mit aktivierten T-Zellen und BMMC

T-Zellen wurden durch Inkubation mit PMA und Ionomycin (500ng/ml) für 14 h stimuliert und anschließend dreimal mit RPMI-1640 Medium gewaschen um alles PMA und Ionomycin zu entfernen. Daraufhin wurden die so stimulierten T-Zellen in ansteigendem Verhältnis, bei konstanter BMMC Zahl (1x10⁵), für 24 h in RPMI1640 Medium (10% FCS, 100U/ml Penicillin und 100μg/ml Streptomycin) cokultiviert. Die Kulturüberstände wurden für 5 min bei 10 000 U zentrifugiert und auf die Konzentrationen der angegebenen Zytokine mittels ELISA untersucht.

3.4.6.8 ß-Hexosaminidase Freisetzung

BMMC (1x10⁵ Zellen/100μl/well) wurden in Tyrode's Puffer (TB) suspendiert (37°C),mit mLIGHT, 5G11b oder PMA/Ionomycin-aktivierte T-Zellen versetzt und für 10 min bei 37°C inkubiert. Anschließend wurde zur Induktion der Zytokinfreisetzung 0,5μM Ionomycin, in 50 μl TB, zugefügt (außer bei Cokulturexperimenten mit aktivierten T-Zellen und BMMC, hier wurde kein zusätzliches Ionomycin zugegeben), und für weitere 30 min 37°C inkubiert. Daraufhin wurden die Zellen pelletiert (1200 rpm, 4°C) und die Zellkulturüberstände abgenommen. Das Zellpellet wurde mit 200 μl/well 0.5% Triton X-100 Lösung lysiert. Aliquots (20μl) der Zellkulturüberstände oder der Zell-Lysate wurden mit β-Hexosaminidase-Enzym-Substrat-Lösung (50μl pro Ansatz) versetzt und für 60 min bei 37°C inkubiert. Anschließend wurden 250 μl eines 0.1M Na₂CO₃, 0.1 M NaHCO₃ Puffer (pH 10) zugegeben und die Absorption bei 410nm in einem ELISA Reader gemessen. Die Werte geben die Prozentzahl an freigesetzter β-Hexosaminidase an (total β-Hexosaminidase = einzelner Zellkulturüberstand + dazugehörendes Lysat).

3.4.7 Gewinnung einer Zellsuspenion aus mesenterialen Lymphknoten

Mäuse wurden durch Genickbruch getötet und das Fell mit Ethanol (70%) desinfiziert. Die mesenterialen Lymphknoten wurden unter sterilen Bedingungen aus der Bauchhöhle entfernt und in sterilen 50 ml Falconröhrchen, die jeweils 20 ml RPMI-1640 beinhalteten, auf Eis bis zur weiteren Aufbereitung zwischengelagert. Die mesenterialen Lymphkonten wurden unter sterilen Bedingungen durch ein Zellsieb gedrückt, wodurch eine Einzelzellsuspension erhalten wurde. Diese wurde vor weiterer Verwendung nochmals mit 20 ml RPMI-1640 Medium gewaschen.

3.4.8 Durchflußzytometrie

3.4.8.1 Allgemeine Durchflußzytometrie

Alle durchflußzytometrischen Messungen wurden auf einem FACscan Flow Cytometer durchgeführt, als Listmode-Dateien gespeichert und die Auswertung in WinMDI2.8 vorgenommen. Als Fluoreszenzfarbstoffe dienten FITC und PE Farbstoffe. Die Messungen wurden mit 3 bzw. 4 Parametern durchgeführt, die folgendermaßen belegt waren:

1. Forward scatter (FSC) Zellform/Zellgröße

2. Sideward scatter (SSC) Granularität

3. Fluoreszenzkanal 1 (FI1-H) FITC-Fluoreszenzintensität

4. Fluoreszenzkanal 2 (Fl2-H) PE-Fluoreszenzintensität

Alle Parameter wurden bei der Auswertung logarithmisch aufgetragen.

Zur durchflußzytometrischen Untersuchung von Zellen wurden diese mit PBS (10% FCS v/v) gewaschen und auf FACS-Röhrchen verteilt (ca. 1x10⁶ Zellen). Daraufhin wurden die Zellen bei 1200 U pelletiert und der Überstand vorsichtig abgenommen. Die anschließende Inkubation mit den Antikörpern (10µg/ml) fand in einem Reaktionsvolumen von 100 µl statt. Nach Inkubation der Zellsuspension für 30 min wurden die Zellen in 1ml PBS (10% FCS v/v) resuspendiert und bei 1200 U wiederum pelletiert. Es folgte ein weiterer Waschschritt. Nach Abtrennen des Überstandes erfolgte die Inkubation mit dem Sekundärantikörper (10µg/ml) für 30 min. Alle Inkubationen wurden auf Eis und soweit farbstoffmarkierte Antikörper beteiligt waren im Dunkeln durchgeführt. In der Regel wurde jede Inkubation für 30 min durchgeführt und zwischen den einzelnen Inkubationsschritten zweimal mit PBS gewaschen. Alle Antikörperverdünnungen wurden mit PBS, das 10 % FCS beinhaltete, hergestellt.

3.4.8.2 Durchflusszytometrie von BMMC

Die durchflusszytometrischen Untersuchungen an BMMC wurden genauso durchgeführt wie bei anderen Zellsuspensionen auch. Mit Ausnahme eines vorgeschalteten Blockierungsschrittes. Hierzu wurden die BMMC-Suspensionen mit 100 µl einer 1mg/ml Maus IgG Lösung für 30 min auf Eis inkubiert, um Fc-Rezeptoren auf den BMMC zu blockieren.

3.5 Immunologische Methoden

3.5.1 Allgemeine ELISA Methode

In einem ELISA wird das Antigen entweder direkt an eine Mikrotiterplatte gebunden und über einen Antikörper nachgewiesen oder man verfährt nach dem sogenannten "Sandwich"-Prinzip.

Die Mikrotiterplatte wird dazu mit einem "Fang-Antikörper" beschichtet. Nach Inkubation mit der antigenhaltigen Probelösung wird das an den "Fang-Antikörper" gebundene Antigen mit einem zweiten Antikörper, dem sog. Sekundärantikörper, nachgewiesen, wobei der Sekundärantikörper, mit einem Enzym gekoppelt sein kann. Bei unmarkierten Sekundärantikörpern verwendet man einen dritten Antikörper, der den Sekundärantikörper erkennt und eine Enzymmarkierung trägt. Am häufigsten werden Antikörper mit den Enzymen Peroxidase (POX), stammt sie aus dem Meerrettich wird sie mit "HRP" abgekürzt, bzw. alkalische Phosphatase (AP) gekoppelt. Biotinylierte Antikörper werden mit einem Strepavidin-POX- oder Streptavidin-AP-Komplex nachgewiesen. Die Menge an gebundenem, Enzym-markiertem Antikörper ist der Menge an gebundenem Antigen proportional und wird über den Umsatz eines geeigneten chromogenen Substrates photometrisch bestimmt.

3.5.2 ELISA zur Quantifizierung von mLTßR:lg-Titern in Seren

Als "Fang-Antikörper" wurde der monoklonale Antikörper 5G11b, ein Ratte-anti-Maus LTßR Antikörper, in einer Konzentration von 2µg/ml an eine Mikrotiterplatte immobilisiert. Zur Beschichtung der Mikrotiterplatte wurde diese mit 50µl/Napf der 5G11b Lösung entweder über Nacht bei 4°C oder zwei Stunden bei 37°C inkubiert. Danach wurden alle unbesetzten Proteinbindungsstellen mit 200µl Blockierlösung pro Napf für eine Stunde bei Raumtemperatur abgesättigt. Anschließend folgten drei Waschschritte mit 200µl 0,1% PBS-T pro Napf. Nun erfolgte der Probenauftrag mit 50µl/well. Das mLTßR:Ig-Protein wurde aus Kulturüberstand von Schneider S2 Zellen gereinigt wie unter 3.3.2 beschreiben. Die Standardverdünnungsreihe umfasste mLTßR:Ig Konzentrationen von 200; 100; 50; 25; 12,5; 6,25; 3,12 und 1,56ng/ml in PBS. Als Negativkontrolle diente PBS. Die Inkubation mit den

Proben dauerte 1 h bei RT. Vor der Zugabe des Sekundärantikörpers erfolgte ein erneuter dreimaliger Waschschritt mit 0,1% PBS-T. Als Sekundärantikörper wurde ein mit Biotin markierter IC5 Antikörper, ein Ratte anti-Maus-LTßR Antikörper, der ein anderes Epitop als der 5G11b erkennt, in einer Konzentration von 2µg/ml eingesetzt. Nach dreimaligem Waschen mit 0,1% PBS-T wurde mit AP-gekoppeltem Streptavidin für 1 h bei RT inkubiert. Danach wurde die Mikrotiterplatte dreimal gewaschen und jeder Napf mit 50µl Substratlösung (Sigma 104) gefüllt. Nach Entwicklung der Farbreaktion wurde die Absorption der Substratlösung bei 405nm in einem ELISA Reader (MWG Biotech, Ebersberg) gemessen.

3.5.3 ELISA zur Quantifizierung von IL-4, IL-6, MIP-2, TNF und RANTES

Die Quantifizierung wurde mit den entsprechenden ELISA-Kits nach den Vorschriften des Herstellers durchgeführt. Bei diesen ELISAs liegt ebenfalls das "Sandwich"-Prinzip zugrunde. Zur Probenvorbereitung wurde Zellkulturüberstand abgenommen und zentrifugiert, um eventuell verbliebene Zellen zu pellettieren. Der daraus resultierende Überstand wurde für die Quantifizierung eingesetzt. Zur Entwicklung der ELISAs wurde ABTS gelöst in ABTS Puffer verwendet und die Absorption bei 405 nm gemessen.

3.5.4 Serumgewinnung aus Mausblut

Blut aus Mäusen wurde durch retro-orbitales Bluten unter Anästhesie (Ketanest und Rompun) gewonnen. Das Blut wurde 2 h bei 4°C stehen gelassen. Anschließend wurde der Blutkuchen für 5 min bei 10 000 U abzentrifugiert. Der Überstand (Serum) wurde abgenommen und bei -20°C gelagert.

3.6. Immunohistochemische Verfahren

3.6.1 MadCAM-1-Färbung von Mausedickdarm

Hierfür wurden 5-8µm dicke Kryo-Schnitte von distalen Dickdarmstücken angefertigt und luftgetrocknet. Anschließend erfolgte ein Fixierungsschritt mit –20°C kalten Aceton für 20 min. Die Schnitte wurden dreimal mit PBS gewaschen und um endogene Peroxidasen zu blockieren mit einer 3% Wasserstoffperoxidlösung für 10 min inkubiert. Es erfolgte ein erneutes dreimaliges Waschen mit PBS mit nachfolgendem Blockieren von unspezifischen Bindungen mit 10% BSA Lösung (in PBS). Danach wurden die Schnitte dreimal mit PBS gewaschen. Die Inkubation mit dem Erstantikörper erfolgte für 1 h bei RT, wobei MadCAM-1 (1:50)-Antikörper verwendet wurden und als Negativkontrolle Ratten-IgG_{2a}-Antikörper dienten. Vor der Inkubation mit dem Sekundärantikörper wurden die Schnitte dreimal mit PBS gewaschen. Als Sekundärantikörper wurde Kanninchen-anti-Ratten-IgG-Pox Antikörper

verwendet (1:200, 30 min bei RT). Darauf hin wurden die Schnitte dreimal mit PBS gewaschen. Jetzt erfolgte die Peroxidase-Entwicklung mittels DAB-Reagenz (1:50), was zu einer Braunfärbung führte. Die Reaktion wurde durch waschen mit demineralisiertem Wasser abgestoppt. Abschließend wurde mit Hämatoxylin gegengefärbt und die Schnitte mit Entellan eingedeckelt.

3.6.2 PNAd-Färbung von Mausedickdarm

Hierfür wurden bei -80°C gelagerte distale Dickdarmstücke verwendet. Aus diesen wurden, in einer Kryostat-Scheidemaschine, bei -23°C, 5-8µm dicke Schnitte angefertigt und luftgetrocknet. Anschließend erfolgte ein Fixierungsschritt mit -20°C kalten Aceton für 20 min. Die Schnitte wurden dreimal mit PBS gewaschen und um endogene Peroxidasen zu blockieren mit einer 3% Wasserstoffperoxidlösung für 10 min inkubiert. Es erfolgte ein erneutes dreimaliges Waschen mit PBS mit nachfolgendem Blockieren von unspezifischen Bindungen mit 10% BSA Lösung (in PBS). Danach wurden die Schnitte dreimal mit PBS gewaschen. Die Inkubation mit dem Erstantikörper erfolgte für 1 h bei RT, wobei PNAd-Antikörper (1:100) verwendet wurden und als Negativkontrolle Ratten-IgM-Antikörper dienten. Vor der Inkubation mit dem Sekundärantikörper wurden die Schnitte dreimal mit gewaschen. Als Sekundärantikörper wurde Kanninchen-anti-Ratten-IgM-Biotin Antikörper verwendet (1:200, 30 min bei RT). Darauf hin wurden die Schnitte dreimal mit PBS gewaschen, mit Streptavidin-HRP inkubiert (1:500, 30 min bei RT) und dreimal mit PBS gewaschen. Jetzt erfolgte die Peroxidasen-Entwicklung mittels DAB-Reagenz (1:50), was zu einer Braunfärbung führte. Die Reaktion wurde durch Waschen mit demineralisiertem Wasser abgestoppt. Abschließend wurde mit Hämatoxylin gegengefärbt und die Schnitte mit Entellan eingedeckelt.

3.6.3 Follikulär Dendritische Zellen (FDC)-Färbung von Mausmilz

Bei dieser Färbung handelt es sich um eine Doppelfärbung. Daher musste sowohl bei der Zugabe der Erstantikörper als auch bei der Zugabe der Zweitantikörper jeweils zwei verschiedene Antikörper zugleich zugegeben werden. Ebenfalls musste zum Schluss sowohl die AP als auch die HRP getrennt voneinander entwickelt werden.

Es wurden von distalen Dickdarmstückenin einer Kryosatt-Schneidemaschine, bei –23°C, 5-8µm dicke Schnitte angefertigt und luftgetrocknet. Anschließend erfolgte ein Fixierungsschritt mit –20°C kalten Aceton für 20 min. Die Schnitte wurden dreimal mit PBS gewaschen und um endogene Peroxidasen zu blockieren mit einer 3% Wasserstoffperoxidlösung für 10 min inkubiert. Es erfolgte ein erneutes dreimaliges Waschen mit PBS mit nachfolgendem Blockieren von unspezifischen Bindungen mit 10% BSA Lösung (in PBS). Danach wurden die Schnitte dreimal mit PBS gewaschen. Nun erfolgte die Inkubation für 1 h bei RT mit den

Erstantikörpern: PNA-biotinyliert (1:100) zur Detektion der Zentroblasten und Ratte-anti-Maus-CD21/CD35 (1:100) zur Detektion der FDC. Als Negativkontrolle für den Nachweis von FDC wurde Ratten-IgG_{2a} verwendet. Vor der Inkubation mit dem Sekundärantikörpern wurden die Schnitte dreimal mit PBS gewaschen. Als Sekundärantikörper wurden verwendet: Maus-anti-Ratten-IgG POX (1:100) und Streptavidin-AP (1:500), wobei für 30 min bei RT inkubiert wurde. Darauf hin wurden die Schnitte dreimal mit PBS gewaschen. Jetzt erfolgte die HRP-Entwicklung mittels DAB-Reagenz (1:50), was zu einer Braun- bzw. Rotfärbung führte. Die Reaktion wurde durch waschen mit demineralisiertem Wasser abgestoppt. Abschließend erfolgte noch die AP-Entwicklung mit Vector Blue Kit, nach den Vorschriften des Herstellers.

Die oben beschriebene Färbung führt dazu, dass die FDC durch Anlagerung von anti-Maus-CD21/DC35 und daran gebundenem anti-Ratten-IgG-POX, durch DAB-Entwicklung braun bzw. rot angefärbt werden. Wohingegen die Zentroblasten durch Anlagerung von biotinyliertem PNA und weiterem Streptavidin-AP blau angefärbt werden.

3.7 Mäuse

Alle verwendeten Tiere waren entsprechend der Haltungsvorschriften untergebracht, hatten einen 12 Stunden Hell-Dunkel Rhythmus und erhielten die speziesspezifische Standarddiät und Leitungswasser ad libitum.

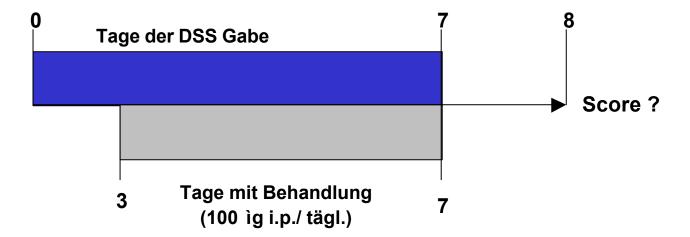
Für Experimente mit experimenteller Colitis wurden weibliche BALB/c , C57BL/6 und LTßR-/-C57BL/6 Mäuse verwendet. Die BALB/c und C57BL/6 Mäuse wurden von Charles River, Sulzfeld bezogen. Die LTßR -/- Mäuse wurden von Herrn Prof. Dr. Klaus Pfeffer, Med. Mikrobiologie/Hygiene und Immunologie, TU-München freundlicherweise zur Verfügung gestellt. Besonders wichtig war, dass Mäuse vor Beginn der Colitis-Induktion mindestens 22 g Gewicht hatten.

Als Spender für das Knochenmark dienten ebenfalls weibliche BALB/c, C57BL/6 Wildtyp bzw. C57BL/6 LTßR-/- Mäuse.

3.8 Induktion einer experimentellen akuten und chronischen Colitis mit Dextransulfat (DSS)

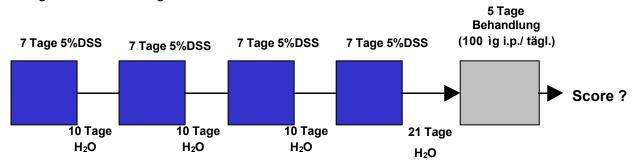
3.8.1 Induktion einer experimentellen akuten Colitis

Zur Induktion einer akuten Colitis wurde weiblichen BALB/c Mäusen (Körpergewicht mindestens 22g) 5% Dextransulfat (DSS, MG 36000-50000) im Trinkwasser über sieben Tage gegeben (Okayasu, 1990). Während dieses Zeitraumes erfolgte auch die Behandlung der Mäuse von Tag drei bis Tag sieben mit den angegebenen Antikörpern i.p.. Die Mäuse wurden an Tag 8 mittels Genickbruch getötet.



3.8.2 Induktion einer experimentellen chronischen Colitis

Zur Induktion einer chronischen Colitis erhielten weibliche BALB/c Mäuse (Körpergewicht mindestens 22g) 4 Zyklen mit 5%iger DSS-Behandlung mit jeweils dazwischenliegenden zehntägigen Gaben von normalen Trinkwasser. Etwa 21 Tage nach der letzten DSS-Gabe erfolgte die Behandlung der Mäuse.



3.9 Bestimmung von Entzündungsparametern des Dickdarmes

3.9.1 Histologischer Score

Am Tag nach der jeweils letzten Behandlung wurden die Mäuse mittels Genickbruch getötet, der Dickdarm herauspräpariert und von Stuhlpellets befreit. Der Dickdarm wurde der Länge nach aufgeschnitten und mit PBS gewaschen. Danach wurde vom distalen Teil des Darmes etwa 1,5 cm abgeschnitten und über Nacht in 10% Formaldehyd (in PBS) fixiert und am nächsten Tag mittels unterschiedlichen Ethanol Konzentrationen entwässert. Am nächsten Tag wurden die Darmstücke in Paraffin eingebettet. Von den paraffinierten Darmstücken wurden je drei 3µm dicke Längsschnitte in Abstand von 100µm angefertigt. Die Schnitte wurden mit Hämatoxylin/Eosin gefärbt und histologisch beurteilt ("verblindet"). Alle drei Schnitte pro Dickdarm erhielten einen Score und der daraus resultierende Mittelwert repräsentierte den jeweiligen histologischen Score des Tieres.

Zur histologischen Beurteilung wurde folgender Score aufgestellt:

Score	Epithelschaden	Infiltrat	
0	Normale Morphologie	Kein Infiltrat	
1	Verlust einzelner Becherzellen	Wenig Infiltrat, an der	
		Kryptenbasis	
2	Flächenhafter Verlust von	Infiltrat zwischen Krypten und	
	Becherzellen	Muscularis Mucosae	
3	Kryptenverlust	Mehr Infiltrat, mit Oedem	
		(Gewebe aufgeschwollen)	
4	Flächenhafter Kryptenverlust	Infiltrat durch Muscularis	
		Mucosae reichend bis in die	
		Submucosa	

Die histologischen Unterscores Epithelschaden und Infiltration wurden einzeln bewertet (jeder einzelne Parameter war von 0 bis 4 abgestuft). Der histologische Gesamtscore einzelner Mäuse wurde aus der Summe der histologischen Unterscores berechnet (Gesamtscore = Epithelschaden + Infiltration). Hieraus ergibt sich ein maximaler Gesamtscore von 8.

3.9.2 Bestimmung des Lymphfollikel-Scores

Zur Bestimmung des Lymphfollikel-Scores wurden die Dickdarmpräparate wie in 3.9.1 aufgearbeitet jedoch mit folgenden Score bewertet, wobei pro Schnitt ein Abschnitt von 1cm bewertet wurde.

Score	Lymphfollikel/Schnitt	
0	Kein Lymphfollikel	
1	1 Lymphfollikel	
2	2 Lymphfollikel	
3	3 Lymphfollikel	
4	4 oder mehr Lymphfollikel	

3.9.3 Gewichtsveränderung

Bei der Induktion der akuten Colitis wurde bei den Tieren täglich das Körpergewicht gemessen und der auftretende Gewichtsverlust in Prozent des anfänglichen Gewichtes ausgedrückt.

3.9.4 Bestimmung der Myeloperoxidase-Aktivität

Zur Bestimmung der Myeloperoxidase (MPO)-Aktivität als Maß für die Neutrophileninfiltration wurden Biopsien von 300mg aus dem mittleren Darmbereich in 500 µl Hexadecyltrimethylammoniumbromidlösung (HTAB-Lsg.: 0,5% HTAB in 50 mM Kalziumphosphatpuffer, pH 6,0) gegeben und bis zur Bestimmung der MPO Aktivität bei –20°C gelagert. Die Biopsien wurden in der HTAB-LSG mittels eines Ultra Turrax Stabes (IKA Labortechnik) homogenisiert (dreimal 30 s) und das Homogenisat drei schnellen Einfrier- und Auftauzyklen (flüssiger Stickstoff und 37°C Wasserbad) unterzogen. Nach einer Zentrifugation (14 000 U, 20 min) wurde im Überstand die MPO-Aktivität gemäß der Methode nach Bradley (1982) mit 0,0005% Wasserstoffperoxid als Substrat gemessen.

3.9.5 Dickdarmlänge

Am Tag nach der jeweils letzten Behandlung wurden die Mäuse mittels Genickbruch getötet, der Dickdarm herauspräpariert und von Stuhlpellets befreit. Da der Darm auf Grund der Präparation und der Stuhlpellets gedehnt war, wurde er zur Entspannung kurze Zeit liegengelassen. Danach wurde die Länge des Darms gemessen. Je länger der Dickdarm ist, desto weniger liegt eine entzündungsverursachte Verkürzung bzw. Ödembildung vor; d.h. je länger der Darm, desto weniger entzündet ist er.

3.10 In Vivo Fluoreszenzmikroskopie

Als Vorbereitung zur in vivo Fluoreszenzmikroskopie wurden die Mäuse nach Prämedikation mit Atropin (0,1mg/kg Körpergewicht s.c.) durch einen konstanten Zufluss von Sauerstoff (33%) mit Isofluran (0,4vol%) und Stickstoff anästhesiert. Die Tiere wurden auf einer Heizplatte platziert um die Körpertemperatur zwischen 36°C und 37°C zu erhalten. Dies wurde durch ein rektal zugeführtes Thermometer überprüft. Die linke Halsvene wurde mit einem feinem Polyethylen Katheter (Innendurchmesser: 0,28mm; Portex Lynthe, Kent, UK) versehen. Dadurch konnte zum einen Substitution von verlorenen Blutvolumen während der Operation erfolgen, durch Zugabe von 40 ml/h/kg Ringer Lösung. Zum anderen wurden über diesen intravenösen Zugang die Fluoreszenz-Marker für die *in vivio* Mikroskopie verabreicht. Danach wurde nach transverser Lapratomie der absteigende bzw. distale Teil des Colons freigelegt.

Ein Teil des freigelegten distalen Colons , ungefähr 1cm Länge, wurde vorsichtig auf eine spezielle Platte, die etwa 0,5cm über der Maus lokalisiert war, gelegt und mit einem Deckglas versehen. Die so präparierte Maus wurde nun mitsamt der Heizplatte unter einem computerkontrolliertem Fluoreszenzmikroskop platziert (Zeiss Mikroskop). Während des Experiments wurde der Darm von außen mit 37°C temperierten Ringer Lösung beträufelt. Die

in vivo Mikroskopie wurde leicht verändert durchgeführt, wie sie bei Gonzalez (1994) beschrieben wurde. Es wurde eine Technische Ausrüstung verwendet wie sie bei Harris (1997) beschrieben wurde. Alle Aufnahmen wurden durch eine Video-Kamera, die an das Fluoreszenzmikroskop angeschlossen war, aufgenommen. Diese Aufnahmen wurden auf einem an die Video-Kamera angeschlossenen S-VHS Video Recorder (Panasonic) aufgenommen.

Die Mikrozirkulation in der Submukosa wurde beobachtet um die Lymphozyten Endothel Interaktionen in zehn zufällig ausgewählten Postkapillar- (PV) und Sammelvenolen (SV) zu untersuchen (Vergrößerung 600x). Lymphozyten wurden durch intravenöse Gabe von 0,02% Acridin-Orange Lösung (0,1mg/kg/min) für die Fluoreszenzmikroskopie sichtbar gemacht. Hierbei wurden die Lymphozyten in rollende, adhärierende und nicht adhärierende klassifiziert. In jedem Gefäß-Segment wurden Lymphozyten als adhärent angesehen, wenn sie sich in einem Beobachtungszeitraum von 30 s nicht vom Endothel ablösten. Die Daten wurden als Zellen pro mm² Endotheloberfläche angegeben. Rollende Lymphozyten werden als sich bewegende Zellen definiert, die sich mit weniger als zwei Drittel der Geschwindigkeit des zentralen Blutstromes fortbewegen. Sie wurden in rollenden Zellen im Verhältnis zum Gesamtlymphozytenstrom in % angegeben.

Für die Visualisation der Mikrozirkulation der Lymphozyten in der Mukosa wurde FITC markiertes Dextran i.v. injiziert. Um die Mikrozirkulation in der Mucosa beobachten zu können musste der Dickdarm der Länge nach aufgeschnitten werden (etwa 2cm) und von eventuellen Stuhlresten durch kräftiges Spülen mit PBS befreit werden. Auf die so freigelegte Mukosa wurde nun wiederum ein Deckglas gelegt um die markierten Lymphozyten besser beobachten zu können. Der Anteil an, in die Mukosa extravasierten, Lymphozyten wurde durch Angabe von Zellen pro mm² Mukosa angegeben. Ebenfalls wurden die an den Endothelien der Mukosa adhärierenden Lymphozyten in Zellen pro mm² Mukosa angegeben. Der gesamte Vorgang der in vivo Fluoreszenzmikroskopie dauerte pro Tier in etwa 120 min. Am Ende des Experiments wurden die Mäuse durch Genickbruch getötet und Dickdarmgewebe für weitere Versuche entnommen.

3.11 Statistik

Ergebnisse sind als Mittelwerte ± Standardabweichungen (SD) angegeben. Statistisch signifikante Unterschiede in Dickdarmlängen, Gewichtsverlust, MPO-Aktivität, histologischen Score, Lymphfollikel Score und bei den *in vivo* Fluoreszenzmikroskopie-Experimenten wurden mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test bestimmt. Mit dem Student's T-Test wurden signifikante Unterschiede bei Zellkulturexperimenten mit BMMC und bei Zytokinexpressions-Experimenten von mesenterialen Lymphozyten bestimmt.

4.1 Reinigung und Test der biologischen Aktivität des LTßR:lg-Fusionsproteins

4.1.1 LTBR:Ig-Fusionsprotein

Um die Aktivierung des LTßR *in vivo* zu hemmen, wurde ein LTßR:Ig-Fusionsprotein aus der Extrazellulärdomäne des mäuslichen LTßR und dem Fc-Teil eines humanen Ig G_1 hergestellt. LTßR:Ig bindet auf Grund seiner doppelt vorhandenen LTßR-Extrazellulärdomäne and die Liganden LT α_1 β_2 und LIGHT und verhindert so die LTßR-Aktivierung (Abb. 4-1).

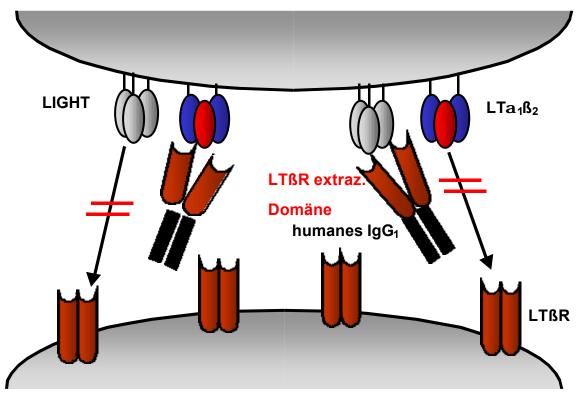


Abbildung 4-1: Blockade der LTßR-Aktivierung durch LTßR:Ig-Gabe.

4.1.2 Reinigung

Das LTßR:Ig wurde in Schneider Zellen (Drosophila Zellen) exprimiert und durch eine eingebaute leader-Sequenz in den Zellkulturüberstand sezerniert. Um das Fusionsprotein besser reinigen zu können, war es C-terminal mit einem His-tag, d.h. 6 aufeinanderfolgende Histidinreste, versehen. Aus einer Kooperation mit Achim Möller (Neuroscience Research Abbott GmbH, Ludwigshafen) erhielt ich S2-Zellkulturüberstand, aus dem das Fusionsprotein gereinigt wurde. LTßR:Ig wurde an Ni-NTA Agarose gebunden und anschließend mit Imidazol, das höhere Affinität zu Ni-NTA Agarose besitzt als Histidin, eluiert, und gegen PBS dialysiert. Molekulargewicht und Reinheit des gereinigten Proteins wurden durch SDS Gel-Chromatographie, Western Blot und Coomassie-Färbung geprüft (Abb. 4-2). Sowohl in der

Coomasie-Färbung als auch im Western Blot war die LTßR:Ig spezifische Bande bei 65kD. Die Reinheit des aufgereinigten Fusionsproteins lag bei etwa 95%.

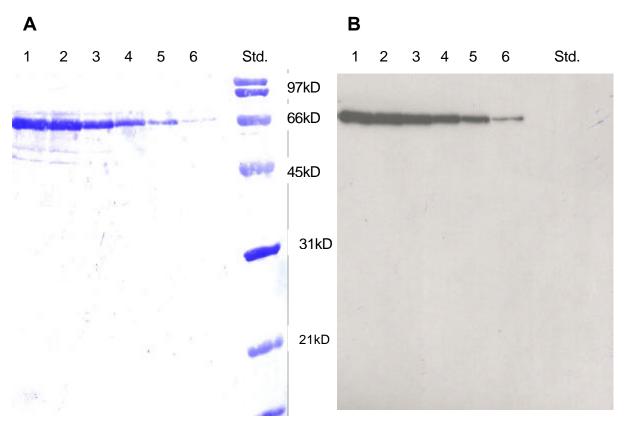


Abbildung 4-2:

Überprüfung der Reinheit des gereinigten LTßR:Ig durch A)Coomassie Färbung und B)Western Blot. Auftrennung erfolgte unter reduzierenden Bedingungen. Beim Western Blot wurde als Erstantikörper 5G11b (1μg/ml) und als Sekundärantikörper (Ziege anti-Ratten IgG POX, 1μg/ml) verwendet. Spur 1-6 :Fraktionen 1-6 der Elution.

In den gereinigten Fraktionen wurde die Proteinkonzentration bestimmt. Zusätzlich wurde der Gehalt an Fusionsprotein über den LTßR:Ig-spezifischen ELISA (3.5.2) quantifiziert, die Proben aliquotiert und bei –20°C bis zur weiteren Verwendung gelagert.

4.1.3 Bindungsfähigkeit an aktivierte T-Zellen in vitro

Um die Bindungsfähigkeit von LTßR:Ig an die Liganden des LTßR *in vitro* zu überprüfen, wurden PMMI Zellen mit PMA und Ionomycin für 16 h stimuliert. Es war bekannt, dass PMMI Zellen die Liganden LT α_1 ß $_2$ und LIGHT unter diesen Inkubations-Bedingungen auf der Zelloberfläche exprimieren (Force, 1995). Die Bindungsfähigkeit von LTßR:Ig an aktivierte PMMI erfolgte mittels Durchflußzytometrie. Dafür wurde das Fusionsprotein biotinyliert. Wie Abb. 4-3 zeigt bindet LTßR:Ig spezifisch an PMA/Ionomycin aktivierte PMMI, wohingegen keine Bindung an unstimulierte PMMI erfolgt.

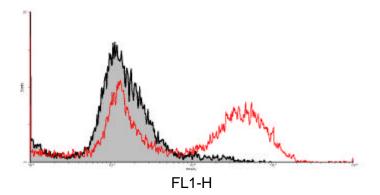


Abbildung 4-3:

Bindung von LTßR:Ig and aktivierte PMMI. FACS Analyse von mit PMA/Ionomycin (je 10μg/ml) stimulierten PMMI. Als Erstantikörper wurde biotinyliertes LTßR:Ig verwendet (10μg/ml), als Sekundärantikörper Streptavidin-FITC (10μg/ml)

3/43/43/43/4 unstimulierte PMMI

PMA und Ionomycin (jeweils 10µg/ml)-stimulierte PMMI

4.1.4 Biologische Aktivität

Die biologische Aktivität des LTßR:Ig wurde in einem in vivo Experiment getestet:

Die Aktivierung des LTßR auf Stromazellen spielt eine wichtige Rolle bei der Bildung und beim Strukturerhalt von FDC. Hemmung der LTßR-Aktivierung durch LTßR:Ig-Gabe (100µg i.p., einmalig) in Mäusen zeigte, dass sich das bestehende FDC-Netzwerk der in der Milz zurückbildet (Koni, 1999; Mackay, 1998; Mabbott, 2000). In Abbildung 4-4 A ist eine typische Färbung von FDC-Strukturen in der Milz zu sehen. Hierbei sind die FDC rot gefärbt und befinden sich in enger Nachbarschaft zu Zentroblasten, die blau angefärbt sind. Im Gegensatz dazu kann man in der Milz von Mäusen die mit LTßR:Ig behandelt wurden so gut wie kein FDC-Netzwerk mehr erkennen, Abb. 4-4 B.

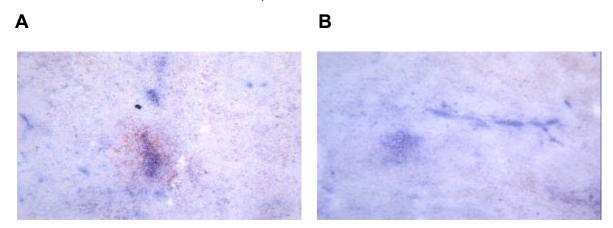


Abbildung 4-4:

Test der biologischen Aktivität des LTßR:Ig anhand der Rückbildung des FDC-Netzwerks in der Milz. Mäuse erhielten einmalig 100µg LTßR:Ig oder human IgG(neg Kontrolle) i.p.. Nach 3 Tagen wurde die Milz entnommen und das FDC Netzwerk angefärbt. A) Human IgG behandelt; B) LTßR:Ig behandelt.

Dieses Experiment zeigt eindeutig, dass das verwendete LTßR:Ig nicht nur in der Lage ist an die Liganden das LTßR *in vitro* zu binden sondern auch *in vivo* die Aktivierung des LTßR zu inhibieren.

4.1.5 Pharmakokinetik

Es wurde untersucht, wie lange LTßR:Ig nach einmaliger Gabe i.p. im Serum von Mäusen nachweisbar war. Hierzu wurden 12 Mäusen jeweils 100µg LTßR:Ig i.p. gespritzt. Daraufhin wurde jeden Tag zwei Mäusen Blut entnommen, daraus Serum gewonnen und mittels LTßR:Ig-spezifischen ELISA auf das Vorhandensein von LTßR:Ig untersucht. Wie Abbildung 4-5 zeigt, fällt die Serumkonzentration von LTßR:Ig nach zwei Tagen rapide ab, war jedoch im ELISA bis zu vier Tage nach Behandlung noch nachweisbar (Tag 4: 3 pg/ml).

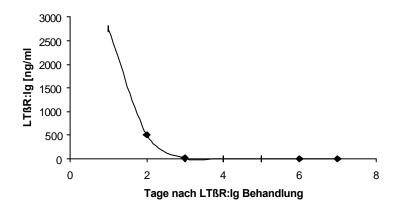


Abbildung 4-5: Pharmakokinetik des LTßR:Ig. 12 Mäusen wurde am Tag 0 100µg LTßR:Ig i.p. gespritzt. Daraufhin wurde jeden Tag 2 Mäusen Blut entnommen, und dieses zur LTßR:Ig-ELISA Untersuchung gepoolt.

Auf Grund der schnellen Abnahme von LTßR:lg im Blut der Mäuse wurde in späteren Versuchen das Fusionsprotein an fünf aufeinanderfolgenden Tagen jeweils täglich verabreicht, um ausreichend hohe Serumspiegel zu erhalten.

4.2 Hemmung der LTßR-Aktivierung bei gesunden Mäusen

Bevor der Effekt von LTßR:Ig-Gabe bei Mäusen, die an einer akuten bzw. chronischen Colitis leiden, getestet wurde, wurde zuerst die Wirkung dieser Behandlung an gesunden Mäusen untersucht.

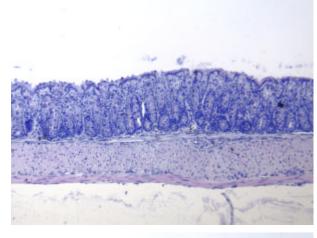
4.2.1 Einfluss auf die Entzündungsparameter des Dickdarms

Es wurden weibliche BALB/c Mäuse mit einem Gewicht von 22-24g an fünf aufeinanderfolgenden Tagen mit LTßR:Ig bzw. human IgG (jeweils 100µg, i.p.) behandelt. Am Tag nach der letzten Behandlung wurden die Tiere durch Genickbruch getötet und der Dickdarm entnommen, um die Entzündungsparameter zu bestimmen.

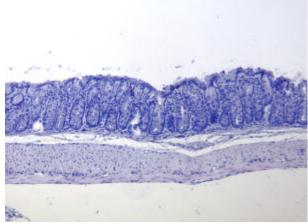
4.2.1.1 Histologie und histologischer Score

In der Histologie (Abb. 4-6 A) findet man keine Unterschiede zwischen beiden Gruppen. Die Krypten sind normal ausgeprägt, Becherzellen sind in normalem Umfang vorhanden und es ist kaum entzündliches Infiltrat feststellbar.

Hemmung der LTßR Aktivierung in gesunden Mäusen führte zu einer leichten, aber nicht signifikanten, Verringerung des histologischen Scores (Abb. 4-6 A). Es muss hier auch beachtet werden, dass die gesunden Mäuse ein sehr geringes Niveau im histologischen Score zeigten, das messtechnisch kaum noch erniedrigt werden konnte.



LTßR:Ig



human IgG

В

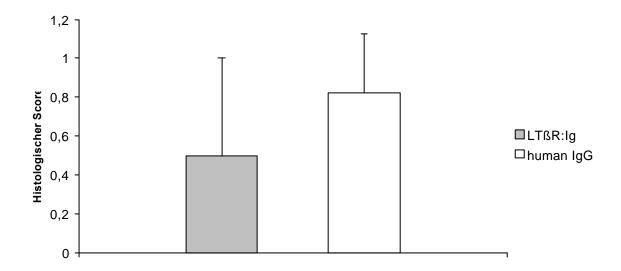


Abbildung 4-6:

Histologie und histologischer Score. A) Histologie der Dickdarmes (distaler Teil) von Mäusen(n=5), die an fünf aufeinanderfolgenden Tagen mit entweder LTßR:lg oder human IgG behandelt wurden. B) Histologischer Score der Mäuse aus A). Aufgetragen sind die Mittelwerte ± Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für drei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.2.1.2 Lymphfollikel-Score

Blockade der LTßR-Aktivierung durch LTßR:Ig bei gesunden Mäusen führte zu einer Verringerung der Lymphfollikelanzahl im distalen Dickdarm im Vergleich zu human IgG behandelten Mäusen (Abb. 4-7). Diese Verringerung war jedoch nicht signifikant.

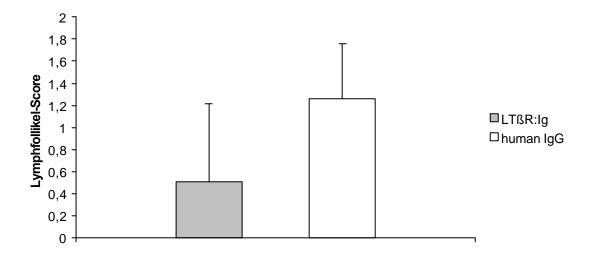


Abbildung 4-7: Lymphkfollikel-Score von gesunden Mäusen (n=10), die an fünf aufeinanderfolgenden Tagen mit LTßR:lg bzw. human lgG behandelt wurden. Aufgetragen sind die Mittelwerte \pm Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für drei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.2.1.3 Gewichtsverlust

Bei der Behandlung von gesunden Mäusen mit LTßR:Ig zeigt sich keine Veränderung des Gewichtes im Vergleich zu einer human IgG-Behandlung (nicht gezeigt). Auch absolut gesehen wurde keine Veränderung des Gewichtes der Mäuse durch die beiden Behandlungen festgestellt.

4.2.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität

Als Maß für die Infiltration von neutrophilen Granulozyten in die Mukosa des Dickdarmes wurde die Myeloperoxidase-Aktivität der Biopsien bestimmt. Es wurde kein Unterschied in der MPO-Aktivität in Dickdarm-Biopsien von LTßR:Ig- bzw. human IgG-behandelten Mäusen gefunden (Abb. 4-8).

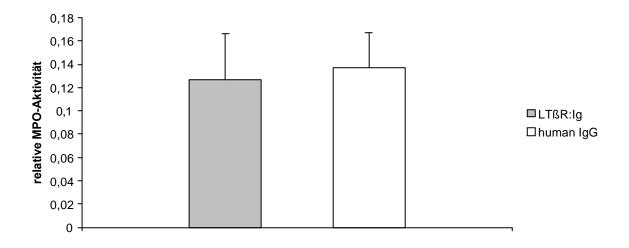


Abbildung 4-8:

Relative MPO Aktivität in Biopsien von LTßR:Ig bzw. human IgG behandelten Mäusen (n=5). Aufgetragen sind die Mittelwerte ± Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für drei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.2.1.5 Dickdarmlänge

Durch Behandlung von gesunden Mäusen mit LTßR:Ig war eine sehr geringe Zunahme der Dickdarmlänge im Vergleich zur human IgG-Behandlung festzustellen (10 cm im Vergleich zu 9,7), siehe Abb. 4-9.

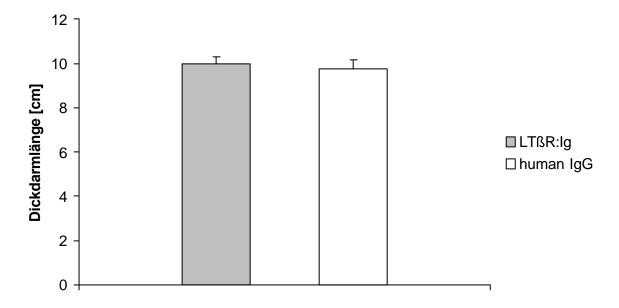


Abbildung 4-9:

Dickdarmlängen der LTßR:Ig bzw. human IgG behandelten Mäuse (n=10). Aufgetragen sind die Mittelwerte ± Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für drei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

Zusammenfassend konnte festgestellt werden, dass Gabe von LTßR:Ig bei gesunden Mäusen die Basiswerte der Entzündungsparameter des Dickdarmes nur in geringem Maße beeinflusst. Nur der histologische Score und der Lymphfollikel-Score wurden jeweils durch LTßR:Ig-Gabe leicht jedoch nicht signifikant verringert. Die anderen Parameter wie Gewichtsverlust, Dickdarmlänge und relative Myeloperoxidase-Aktivität wurden nicht beeinflusst.

4.2.2 LTa₁β₂/LIGHT Expression von mesenterialen Lymphozyten

Um die Expression von LT $\alpha_1\beta_2$ /LIGHT auf Lymphozyten, die aus mesenterialen Lymphknoten stammen, zu untersuchen, wurde Durchflußzytometrie mit einem FITC-markiertem LTßR:Ig eingesetzt. Die Ergebnisse sind in Abb. 4-10 A-D dargestellt, wobei Abb. 4-10 A zeigt, dass rund 20% aller Zellen aus den mesenterialen Lymphknoten die Liganden des LTßR exprimieren. Hierbei war es sehr interessant zu beobachten, dass nur ein kleiner Teil der CD4+ T-Zellen, nämlich 4,5% (Abb. 4-10 B), LT $\alpha_1\beta_2$ /LIGHT positiv waren. Ebenfalls war nur ein verschwindend kleiner Teil der CD8+ T-Zellen positiv für die Expression von LTßR-Liganden (0,3%, Abb. 4-10 C). Die weitaus größte LT $\alpha_1\beta_2$ /LIGHT-Positivität zeigten B220/CD45R+ Zellen, welche B-Zellen, die noch nicht zu Plasmazellen ausdifferenziert sind, darstellen (Abb. 4-10 D). Jedoch muss beachtet werden, dass anti-B220-PE mit T-Zellen kreuzreagiert. In 4-10 D zeigten alle Zellen die LTßR:Ig-FITC positiv waren auch B220-Positivität. Daher muss aus diesem Gesamtkollektiv die Zahl der CD4+ und CD8+ T-Zellen, die LTßR:Ig-FITC positiv waren, subtrahiert werden, um die Menge an B220-positiven Zellen, die gleichzeitige LTßR:Ig-FITC Anfärbung zeigen, zu ermitteln.

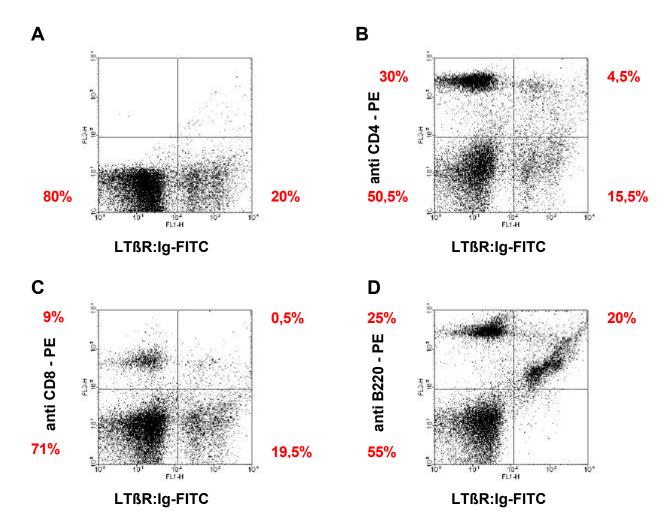


Abbildung 4-10:

FACS von mesenterialen Lymphozyten auf LTa₁ß₂/LIGHT Expression mit A) LTßR:lg-FITC; B) LTßR:lg-FITC und anti CD4-PE; C) LTßR:lG-FITC und anti CD8-PE; und D) LTßR:lg-FITC und anti B220/CD45R-PE. Die mesenterialen Lymphozyten wurden von 5 verschiedenen Mäusen gepoolt und anschließend mittels Durchflußzytometrie analysiert. Die angegebenen Daten sind repräsentativ für drei unabhängige Experimente.

4.2.3 Zytokinexpression von mesenterialen Lymphozyten

Aus jeder Gruppe (LTßR:Ig und human IgG behandelt) wurden jeweils fünf Mäuse verwendet und die mesenterialen Lymphozyten herauspräpariert. Anschließend wurden sie für 24h in Medium kultiviert, die Überstande abgenommen und die Konzentration der Zytokine bestimmt. Dabei wurden pro Gruppe fünf Werte erhalten und daraus der Mittelwert gebildet. Bei den gesunden Mäusen wurde keine IL-4, MIP-2 bzw. TNF Produktion der mesenterialen Lymphozyten nachgewiesen werden (nicht gezeigt). Wie Tab. 4-1 zeigt, ergibt sich durch die LTßR:Ig-Behandlung bei der gesunden Maus ein nicht signifikanter Unterschied in der IL-6 Produktion.

	LTßR:Ig		human IgG	
	Mittelwert [pg/ml]	SD	Mittelwert [pg/ml]	SD
IL-6	142	35	175	25

Tabelle 4-1:

Zytokinsekretion von mesenterialen Lymphozyten aus LTßR:lg behandelten Mäusen. Mäuse wurden entweder mit human IgG oder LTßR:lg behandelt und die mesenterialen Lymphknoten entnommen. Nach dem Herstellen einer Zellsuspension aus den mesenterialen Lymphozyten, wurden 5x10⁶ Lymphozyten/ml für 24 h inkubiert. Anschließend wurde der Zellkulturüberstand mittels ELISA auf die Konzentration von IL-6 untersucht. Die angegebenen Werte sind repräsentativ für zwei unabhängig voneinander durchgeführte Experimente.

4.3 Hemmung der LTßR-Aktivierung bei Mäusen mit akuter DSSinduzierter Colitis

Um die Rolle der LTßR Aktivierung in der akuten, durch DSS Gabe ausgelösten, Colitis zu erforschen, wurde das bereits beschriebene LTßR:Ig-Fusionsprotein, durch das alle LT α_1 β_2 oder LIGHT vermittelten Funktionen unterbunden werden, benutzt.

4.3.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms

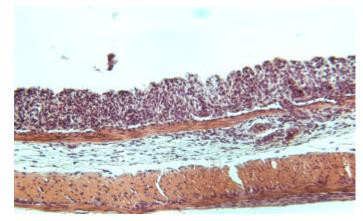
Mäuse wurden während der Induktion einer akuten Colitis von Tag 3-7 mit 100µg (5mg/kg Körpergewicht) LTßR:Ig, human IgG oder anti-TNF-Antikörpern (V1q; Echtenacher, 1990) behandelt. In der akuten Phase der DSS-induzierten Colitis hat die Neutralisation von inflammatorischen Zytokinen wie z.B. TNF gezeigt, dass dies zu einer Verschlimmerung des Entzündungsgeschehens im Dickdarm führt (Kojouharoff, 1997). Es wurden in den folgenden Versuchen die möglichen Effekte einer LTßR:Ig-Behandlung mit der einer anti-TNF-Behandlung verglichen.

4.3.1.1 Histologie und histologischer Score

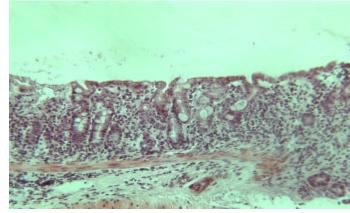
Die charakteristischen Zeichen einer akuten intestinalen Entzündung, wie z.B. Krypten- und Becherzellverlust und neutrophiles Granulozyten-Infiltrat in die Mucosa wurden durch DSS Gabe in BALB/c Mäusen ausgelöst. Darmwände von human IgG-behandelten Mäusen mit akuter Colitis wiesen einen Verlust einzelner Krypten und Becherzellen und ein entzündliches Infiltrat, das bis in die Lamina muscularis mucosae reichte, auf (Abb. 4-11 A, unten). Die LTßR:Ig-Behandlung von Mäusen mit akuter Colitis führte zu einer deutlichen Verschlechterung der Darmhistologie: Im distalen Bereich des Dickdarms war eine deutliche Zerstörung der Kryptenarchitektur mit einem flächigen Verlust von Krypten und Becherzellen,

ein ausgedehntes entzündliches Infiltrat, das bis in die Submucosa reichte, und eine leichte Verdickung der Mucosa mit Oedemen zu sehen (Abb. 4-11 A, Mitte). Das entzündliche Infiltrat bestand zum größten Teil aus neutrophilen Granulozyten und in sehr geringem Maße aus Lymphozyten (Abb. 4-11 A, Mitte, oben). Die anti-TNF-Behandlung führte zu einer weiteren Verschlechterung der Darmhistologie: Hier war ein kompletter Verlust der Kryptenstruktur und von Becherzellen feststellbar. Ebenfalls zeigte sich hier ein großflächiges entzündliches Infiltrat, das bis in die Submucosa reichte (Abb. 4-11 A, oben). Diese Beobachtungen wurden durch den histologischen Score bestätigt: Die LTßR:Ig-Behandlung von Mäusen mit akuter Colitis führte zu einer signifikanten Erhöhung des histologischen Scores (Abb. 4-11 B) im Vergleich zu human IgG-behandelten Mäusen. Hierbei waren auch die Einzel-Scores wie Epithelschaden und entzündliches Infiltrat signifikant erhöht (nicht gezeigt). Neutralisierung von TNF erhöhte ebenfalls den histologischen Score. Diese Erhöhung war sogar noch signifikanter als nach LTRR:lg-Behandlung. Auch bei der anti-TNF-Behandlung zeigten sich signifikant erhöhte Werte in den Einzel-Scores Epithelschaden und entzündliches Infiltrat im Vergleich zu human IgGbehandelten Mäusen mit akuter Colitis (nicht gezeigt).

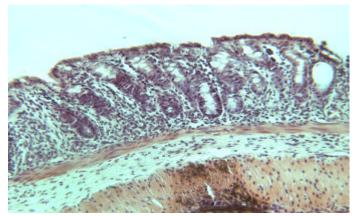
Α



anti-TNF



LTßR:Ig



human IgG

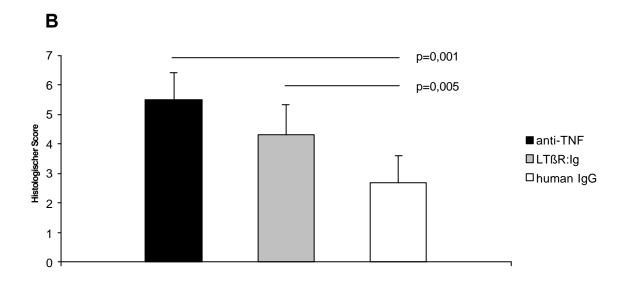


Abbildung 4-11:

Effekt einer LTßR:Ig-Behandlung auf Histologie und den histologischen Score in der DSS-induzierten akuten Colitis. A) Histologie der Dickdarmschnitte von Mäusen (n=8) mit akuter DSS-induzierter Colitis nach Behandlung mit anti-TNF, LTßR:Ig bzw. human IgG, nach Anfärbung mit Eosin-Hämatoxylin. B) Der histologische Score wurde im distalen Darmbereich von Mäusen, die wie in A) behandelt waren gemessen. Statistische Signifikanz wurde mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test ermittelt. Die Balken repräsentieren Mittelwerte ± Standardabweichung. Die angegebenen Daten sind repräsentativ für zwei unabhängig voneinander durchgeführte Experimente.

4.3.1.2 Lymphfollikel-Score

LTßR:Ig-Behandlung in der akuten DSS-induzierten Colitis führte zu einer signifikanten (p=0,05) Erhöhung des Lymphfollikel-Scores im Vergleich zur human IgG-Gabe (Abb. 4-12). Durch Neutralisation von TNF wurde ebenfalls eine signifikante Erhöhung des Lymphfollikel-Scores gefunden (Abb. 4-12).

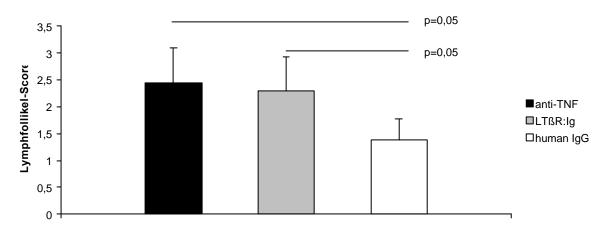


Abbildung 4-12:

Lymphfollikel-Score von Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis nach LTßR:lg Behandlung. Mäuse (n=8) wurden entweder mit anti-TNF, LTßR:lg oder human lgG behandelt. Aufgetragen sind die Mittelwerte ± Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für zwei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.3.1.3 Gewichtsverlust

Im Vergleich zu den Kontrollmäusen (human IgG behandelt) mit akuter Colitis war der Allgemeinzustand der LTßR:Ig- bzw. anti-TNF-behandelten Mäuse mit akuter Colitis schlechter (struppigeres Fell, makroskopisch mehr Blut im Stuhl; nicht gezeigt). Außerdem konnte bereits vom dritten Tag an, nach Beginn der DSS-Behandlung ein signifikant höherer Gewichtsverlust der anti-TNF- und LTßR:Ig-behandelten Mäuse mit akuter DSS-induzierter Colitis im Vergleich zu den mit human IgG behandelten Mäusen festgestellt werden (Abb. 4-13). Die Differenz im Gewichtsverlust zwischen den Gruppen nahm bis zum siebten Tag sogar noch zu und betrug am Ende des Experiments 15%.

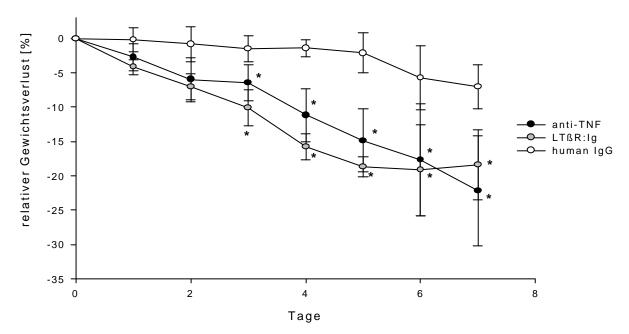


Abbildung 4-13:

Effekt einer LTßR:Ig-Behandlung auf den Gewichtsverlust während der DSS-induzierten akuten Colitis. Der Gewichtsverlust; angegeben in % des ursprünglichen Gewichts, von Mäusen (n=8) wurde während der Induktion einer akuten DSS Colitis nach Behandlung mit anti-TNF, LTßR:Ig bzw. human IgG gemessen. Statistische Signifikanz wurde mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test ermittelt. Die angegeben Daten sind repräsentativ für zwei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente. Die Balken repräsentieren Mittelwerte ± Standardabweichung. * p<0,05

4.3.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität

Die Behandlung von Mäusen mit akuter Colitis mit LTßR:Ig resultierte in einer signifikant höheren MPO-Aktivität in Dickdarm-Biopsien im Vergleich zu Mäusen mit akuter Colitis, die human IgG erhielten (Abb. 4-14). Die Neutralisierung von TNF führte zu einer weiteren Erhöhung der MPO-Aktivität im Vergleich zu Mäusen, die mit human IgG behandelt wurden (Abb. 4-14).

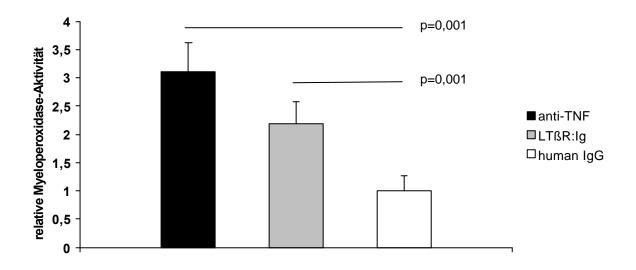


Abbildung 4-14:

Relative Myeloperoxidase-Aktivität der LTR:Ig behandelten Mäuse. Die Aktivität der Myeloperoxidase in Dickdarmbiopsien von Mäusen, angegeben in relativer Einheit bezogen zur human IgG Behandlung, von Mäusen (n=8) wurde während der Induktion einer akuten DSS Colitis nach Behandlung mit anti-TNF, LTR:Ig bzw. human IgG gemessen. Statistische Signifikanz wurde mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test ermittelt. Die Balken repräsentieren Mittelwerte \pm Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für zwei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.3.1.5 Dickdarmlänge

In der akuten DSS-induzierten Colitis führte eine Behandlung mit LTßR:Ig zu einer signifikanten Verkürzung des Dickdarmes verglichen mit einer human IgG-Behandlung (Abb. 4-15). Die Neutralisation von TNF führte im Vergleich dazu, zu einer minimal stärkeren Verkürzung der Dickdarmlänge (Abb. 4-15).

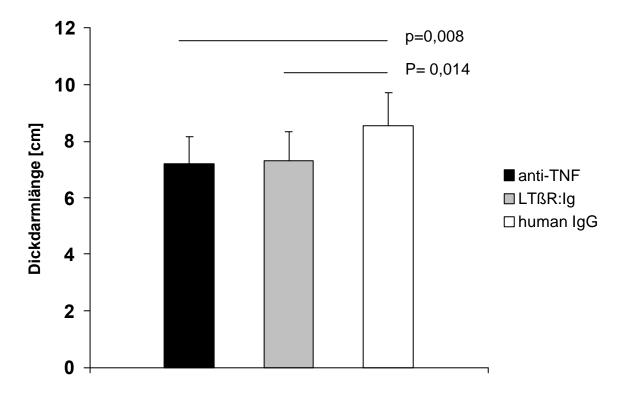


Abbildung 4-15: Dickdarmlängen der LTßR:Ig behandelten Mäuse mit akuter DSS-induzierter Colitis. Die Dickdarmlängen, angegeben in cm, von Mäusen (n=8) wurde nach der Induktion einer akuten DSS Colitis nach Behandlung mit anti-TNF, LTßR:Ig bzw. human IgG gemessen. Statistische Signifikanz wurde mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test ermittelt. Die Balken repräsentieren Mittelwerte \pm Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für zwei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.3.2 LTBR/LT-Liganden Expression im Dickdarm

Die Expression von LTßR und seinen Liganden im Dickdarmgewebe in der akuten DSS-induzierten Colitis wurde durch semiquantitativen PCR analysiert. Hierfür wurden aus dem distalem Dickdarmbereich von Mäusen mit akuter Colitis bzw. von gesunden Mäusen Darmgewebe entnommen und daraus RNA isoliert. Daraufhin wurden gleiche Mengen an RNA mittels RT-PCR in cDNA umgeschrieben und in einer PCR-Analyse amplifiziert, durch Gelelektrophorese auf Agarosegelen aufgetrennt, unter UV-Licht sichtbar gemacht und gemessen. Der Vergleich von RNA aus Dickdärmen von Mäusen mit akuter Colitis mit Colitis-freien Mäusen zeigte, dass weder die Expression des LTßR, noch die der Liganden LTα, LTß bzw. LIGHT in signifikantem Maße messbar verändert war (Abb. 4-16).

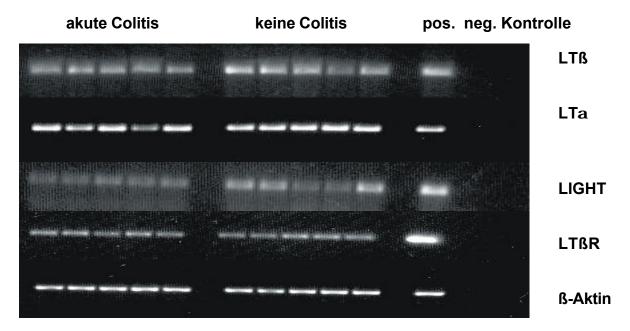


Abbildung 4-16:

Semiquantitative PCR für LTßR/LT-Liganden, aus Darmgewebe von gesunden Mäusen bzw. Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis (n=5). Als positiv Kontrolle für LTß, LTα und LIGHT diente mRNA aus PMMI Zellen, als positiv Kontrolle für LTßR diente mRNA aus BFS-1 Zellen. Negativ Kontrolle wurde bei jedem Experiment mit Wasser anstelle von cDNA durchgeführt. Die abgebildeten Banden sind repräsentativ für 3 unabhängig voneinander durchgeführte Experimente.

4.3.3 LTa₁β₂/LIGHT Expression von mesenterialen Lymphozyten

Die Expression von LT $\alpha_1\beta_2$ /LIGHT auf Lymphozyten aus mesenterialen Lymphknoten, die aus Mäusen mit einer DSS-induzierten akuten Colitis stammten, wurde untersucht. Dazu wurden mesenteriale Lymphozyten gewonnen und mit einem FITC-markiertem LTßR:Ig mittels Durchflußzytometrie analysiert. Die Ergebnisse sind in Abb. 4-17 A-D dargestellt: Abb. 4-17 A, zeigt dass rund 21,5% aller Zellen aus den mesenterialen Lymphknoten von Mäusen mit akuter DSS-induzierten Colitis angefärbt wurden. Nur ein kleiner Teil der CD4 $^+$ T-Zellen, nämlich 4,5% (Abb. 4-17 B), waren LT $\alpha_1\beta_2$ /LIGHT-positiv. Ebenfalls war nur ein verschwindend kleiner Teil der CD8 $^+$ T-Zellen positiv (0,5%, Abb. 4-17 C). Der weitaus größte Anteil an LT $\alpha_1\beta_2$ /LIGHT-Positivität zeigten die B220/CD45R $^+$ Zellen (Abb. 4-17 D). Auch hier ist, wie in 4.2.2, eine Kreuzreaktion von CD4 $^+$ /CD8 $^+$ T-Zellen in der B220 $^+$ -Färbung zu beobachten. Dies entspricht genau den Färbeergebnissen bei gesunden Mäusen (Abb. 4-10).

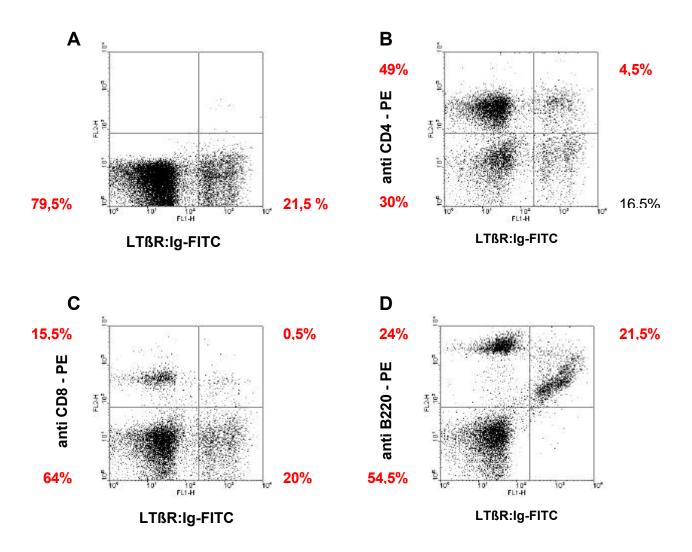


Abbildung 4-17:
FACS von mesenterialen Lymphozyten von Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis auf LTa₁ß₂/LIGHT Expression mit A) LTßR:Ig-FITC; B) LTßR:Ig-FITC und anti CD4-PE; C) LTßR:Ig-FITC und anti CD8-PE; und D) LTßR:Ig-FITC und anti B220/CD45R-PE. Die mesenterialen Lymphozyten wurden von 5 verschiedenen Mäusen gepoolt und anschließend mittels Durchflußzytometrie analysiert. Die angegebenen Daten sind repräsentativ für drei unabhängige Experimente.

4.3.4 Expression von proinflammatorischen Zytokinen im Dickdarmgewebe

Um lokale Veränderungen der Zytokinproduktion im Dickdarm von Mäusen mit akuter DSS-induzierten Colitis durch LTßR:Ig-Gabe zu untersuchen, wurde die Methode der quantitativen PCR mittels Light Cycler benutzt. Hierzu wurde aus dem distalen Dickdarmabschnitten von Mäusen mit akuter Colitis, entweder LTßR:Ig- oder human IgG-behandelt, RNA isoliert. Anschließend wurde die mRNA Expression von IL-1ß, IL-6 und TNF bestimmt, die als "Schlüsselzytokine" bei Entzündungsreaktionen gelten. Die Behandlung mit LTßR:Ig in der akuten DSS-induzierten Coltis erhöhte die Transkription von allen drei untersuchten Zytokinen (Tabelle 4-2). Die Expression der mRNA für IL-6 war etwa 90-fach erhöht, die der

mRNA für TNF etwa 20-fach und die für IL-1ß etwa 7-fach im Vergleich zu Mäusen, die mit human IgG behandelt wurden (Tabelle 4-2).

	LTßR:Ig		human IgG	
	Mittelwert	SD	Mittelwert	SD
IL-1ß	4,03x10 ⁻⁴	2,6x10 ⁻⁴	5,37x10 ⁻⁵	3,1x10 ⁻⁵
IL-6	3,59x10 ⁻²	3,7x10 ⁻²	3,90x10 ⁻⁴	4,1x10 ⁻⁴
TNF	1,34x10 ⁻³	1,1x10 ⁻³	6,51x10 ⁻⁵	6,2x10 ⁻⁵

Tabelle 4-2:

Quantitative PCR von mRNA aus Darmgewebe von Mäusen mit akuter DSS-inuzierter Colitis. Angegebenen ist die mRNA Expression von IL-1ß, IL-6 und TNF, aus Mäusen (n=5), die mit LTßR:Ig bzw. human IgG behandelt wurden. mRNA Expression wurde mittels Light Cycler Technik quantifiziert. Angegebene Werte sind Mittelwerte von relativen Einheiten.

4.3.5 Zytokinsekretion von mesenterialen Lymphozyten

Um die Auswirkungen einer LTßR:Ig Behandlung auf die mesenterialen Lymphozyten zu untersuchen, wurde deren Fähigkeit zur Zytokinsekretion gemessen. Dazu wurden den Mäusen nach der Induktion der akuten Colitis durch DSS am Tag 8 die mesenterialen Lymphknoten entnommen und hieraus eine Zellsuspension hergestellt. Die Überstände der Zellkulturen wurden dann nach 24 h Inkubation auf die Konzentration von IL-6, TNF und MIP-2 untersucht. Im Zellkulturüberstand von den mesenterialen Lymphozyten aus LTßR:Igbehandelten Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis war signifikant (p=0,03) mehr IL-6, TNF und MIP-2 messbar im Vergleich zu human IgG-behandelten Mäusen (Tabelle 4-3). Sowohl im Zellkulturüberstand von LTßR:Ig- bzw. human IgG-behandelten Mäusen war kein IL-4 feststellbar (nicht gezeigt).

	LTßR:Ig		human IgG	
	Mittelwert [pg/ml]	SD	Mittelwert [pg/ml]	SD
IL-6	93,8	44,1	17,5	10,6
TNF	133,8	15,9	53,8	30,05
MIP-2	702,5	31,8	137,5	10,6

Tabelle 4-3:

Zytokinsekretion von mesenterialen Lymphozyten aus LTßR:lg behandelten Mäusen. Am Tag 8 nach Induktion der akuten Colitis durch DSS wurden Mäusen, entweder human IgG oder LTßR:lg behandelt, die mesenterialen Lymphknoten entnommen und 5x10⁶ Lymphozyten/ml für 24 h inkubiert. Anschließend wurde der Zellkulturüberstand mittels ELISA auf die Konzentration von IL-6, TNF bzw. MIP-2 untersucht. Die angegebenen Werte sind repräsentativ für zwei unabhängig voneinander durchgeführte Experimente.

4.4 Akute DSS-induzierte Colitis in LTBR -/- Mäusen

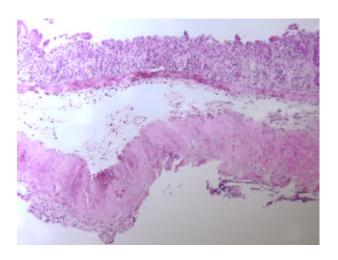
In den folgenden Experimenten wurden LTßR -/- Mäuse mit Wildtyp (WT) Mäusen verglichen (beide Mauspopulationen haben genetisch den C57BL/6 Hintergrund). Bei den Versuchen mit C57BL/6 Mäusen konnte jedoch nur 2% DSS verwendet werden, da dieser Mausstamm viel empfindlicher auf DSS reagiert als BALB/c Mäuse.

4.4.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms

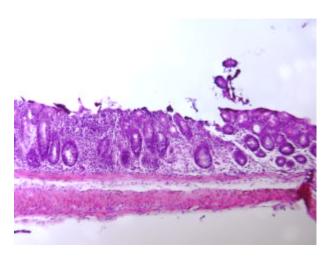
4.4.1.1 Histologie und histologischer Score

Auch in C57BL/6 Mäusen wurden die charakteristischen Zeichen einer akuten intestinalen Entzündung, wie z.B. Krypten- und Becherzellverlust und entzündliches Infiltrat von neutrophilen Granulozyten in die Mucosa durch DSS Gabe ausgelöst. Die Biopsien von WT Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis wiesen einen Verlust von Krypten und Becherzellen und ein entzündliches Infiltrat, das bis in die Lamina muscularis mucosae reichte, auf (Abb. 4-18 A, unten). Die Induktion einer akuten Colitis in LTßR-/- Mäusen führte zu einer deutlichen Verschlechterung der Darmhistologie. Im distalen Dickdarmbereich war eine vollständige Zerstörung der Kryptenarchitektur mit einem großflächigen Verlust von Krypten und Becherzellen, ein ausgedehntes entzündliches Infiltrat, das bis in die Submucosa reichte, und eine leichte Verdickung der Mucosa mit Oedemen zu sehen (Abb. 4-18 A, oben). Das entzündliche Infiltrat bestand zum größten Teil aus neutrophilen Granulozyten (Abb. 4-18 A). Diese Beobachtungen wurden durch den histologischen Score bestätigt: LTßR-/- Mäuse mit akuter Colitis zeigten eine signifikante Erhöhung des histologischen Scores (Abb. 4-18 B) im Vergleich mit zu WT Mäusen.

A



LTßR-/-



WT

В

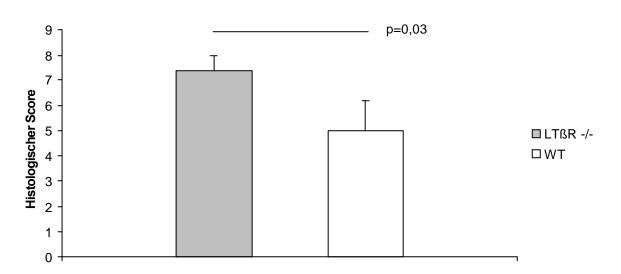


Abbildung 4-18:

Effekt einer DSS-induzierten akuten Colitis auf die Histologie und den histologischen Score in LTßR -/- Mäusen. A) Histologie der Dickdarmschnitte von Mäusen (n=5), entweder LTßR-/- oder WT, mit akuter DSS-induzierter Colitis nach Anfärbung mit Eosin-Hämatoxylin. B) Der histologische Score wurde im distalen Darmbereich von Mäusen wie in A). Statistische Signifikanz wurde mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test ermittelt. Die Balken repräsentieren Mittelwerte ± Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für zwei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.4.1.2 Lymphfollikel-Score

Die Induktion einer akuten DSS-induzierten Colitis führte zu einer signifikanten (p=0,04) Erhöhung des Lymphfollikel-Scores in LTßR-/- Mäusen im Vergleich WT Mäusen (Abb. 4-19).

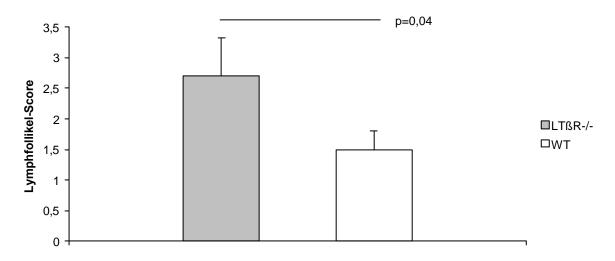


Abbildung 4-19: Lymphfollikel-Score von LTßR-/- Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis. Von Mäusen (n=5), entweder LTßR-/- oder WT, wurde der Lymphfollikel-Score von Dickdarmbiopsien bestimmt. Aufgetragen sind die Mittelwerte ± Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für zwei voneinander unabhängig durchgeführten Experimenten

4.4.1.3 Gewichtsverlust

Im Vergleich zu den Kontrollmäusen mit akuter DSS-induzierten Colitis war der Allgemeinzustand der LTßR-/- Mäuse mit akuter Colitis weitaus schlechter (struppigeres Fell, makroskopisch mehr Blut im Stuhl; nicht gezeigt). Außerdem konnte am Tag sechs und sieben nach Beginn der DSS-Behandlung ein signifikant höherer Gewichtsverlust der LTßR-/- Mäuse mit akuter DSS-induzierter Colitis im Vergleich zu den mit WT Mäusen festgestellt werden (Abb. 4-20). Die Differenz im Gewichtsverlust zwischen den Gruppen nahm am siebten Tag drastisch zu und betrug am Ende des Experiments 20%.

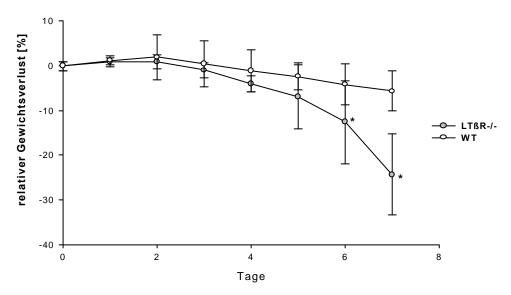


Abbildung 4-20:

Gewichtsverlust von LT α R-/- Mäusen während der DSS-induzierten akuten Colitis. Der Gewichtsverlust; angegeben in % des ursprünglichen Gewichts, von Mäusen (n=5) wurde bei LT α R-/- und WT Mäusen während der Induktion einer akuten DSS Colitis gemessen. Statistische Signifikanz wurde mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test ermittelt. Die Balken repräsentieren Mittelwerte \pm Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für drei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.4.1.4 Dickdarmlänge

Die Dickdarmlänge nach Induktion der akuten Colitis bei LTßR-/- Mäusen führte zu einer signifikanten Verkürzung im Vergleich zur Dickdarmlänge von WT Mäusen (Abb. 4-21).

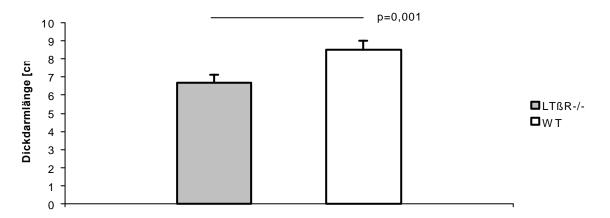


Abbildung 4-21:

Dickdarmlängen von LTßR-/- Mäusen mit akuter DSS Colitis. Die Dickdarmlängen, angegeben in cm, von Mäusen (n=5), entweder LTßR-/- oder WT, wurden nach Induktion einer akuten DSS Colitis gemessen. Statistische Signifikanz wurde mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test ermittelt. Die Balken repräsentieren Mittelwerte ± Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für zwei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.4.2 LTa₁β₂/LIGHT Expression von mesenterialen Lymphozyten

Die LT α_1 ß₂/LIGHT Expression von mesenterialen Lymphozyten aus LTßR-/- Mäusen konnte nicht untersucht werden, da LTßR-/- Mäuse keine mesenterialen Lymphknoten besitzen.

4.4.3 Expression von proinflammatorischen Zytokinen im Dickdarmgewebe

Die Methode der quantitativen PCR mittels LIGHT Cycler wurde benutzt, um lokale Veränderungen der Zytokinproduktion im Dickdarm von Mäusen mit akuter DSS-induzierten Colitis zu untersuchen. Hierzu wurde aus den distalen Dickdarmabschnitten von Mäusen mit akuter Colitis, entweder LTßR-/- oder WT, RNA isoliert und die mRNA Expression von IL-1ß, IL-6 und TNF bestimmt. In der akuten Colitis bei LTßR -/- Mäusen erhöhte sich die Transkription von IL-6 im Vergleich zu WT Mäusen dramatisch (Tabelle 4-4). Interessanterweise war die Expression der mRNA IL-1ß in beiden Mausgruppen fast gleich. Die Menge an mRNA für TNF war erstaunlicher Weise in WT Mäusen erhöht, im Vergleich zu den LTßR-/- Mäusen. Da TNF normaler Weise die Produktion von IL-6 induziert ist dieses Ergebnis umso erstaunlicher. Die angegebenen Werte sind jedoch statistisch nicht signifikant, da die Unterschiede zwischen den Tieren innerhalb einer Gruppe zu groß waren. Die angegebenen Werte können daher nur als Trend angesehen werden.

	LTßR-/-		WT	
	Mittelwert	SD	Mittelwert	SD
IL-1ß	4,3x10 ⁻³	1,3x10 ⁻³	5,7x10 ⁻³	5,1x10 ⁻³
IL-6	5,3x10 ⁻³	5,3x10 ⁻³	1,8x10 ⁻⁴	3,8x10 ⁻⁴
TNF	2,0x10 ⁻³	1,7x10 ⁻³	1,9x10 ⁻²	3,2x10 ⁻²

Tabelle 4-4:

Quantitative PCR von mRNA aus Darmgewebe von Mäusen (n=5) mit akuter DSS-induzierter Colitis. Angegebnen ist die mRNA Expression von IL-1ß, IL-6 und TNF, aus Mäusen, LTßR-/- oder WT, die mittels Light Cycler Technik quantifiziert wurde. Angegebene Werte sind Mittelwerte von relativen Einheiten.

4.4.4 Zytokinsekretion von mesenterialen Lymphozyten aus LTßR-/- Mäusen

Die Bestimmung der Zytokinsekretion aus mesenterialen Lymphknoten bei LTßR-/- Mäusen konnte nicht durchgeführt werden, da diese Mäuse keine mesenterialen Lymphknoten besitzen.

4.5 Hemmung der LTßR-Aktivierung bei Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis

Um die Hemmung der LTßR-Aktivierung in der chronischen DSS-induzierten Colitis zu untersuchen, wurde wiederum das bereits beschriebene LTßR:Ig-Fusionsprotein benutzt.

4.5.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms

Mäuse wurden 14-21 Tage nach der Induktion einer chronischen Colitis an fünf aufeinanderfolgenden Tagen mit jeweils 100µg i.p. (5mg/kg Körpergewicht) LTßR:Ig, human IgG oder anti-TNF-Antikörpern behandelt. In der chronischen Phase der DSS-induzierten Colitis hat die Neutralisation von inflammatorischen Zytokinen, wie z.B. TNF, gezeigt, dass dies zu einer Verminderung der Entzündung im Dickdarm führt (Kojouharoff, 1997). In den folgenden Versuchen wurden die möglichen Effekte einer LTßR:Ig-Behandlung mit der einer anti-TNF-Behandlung verglichen.

4.5.1.1 Histologie und histologischer Score

Etwa 2-3 Wochen nach Beendigung des letzten DSS-Zykluses zeigte sich bei den Mäusen folgendes Bild: etwa 70 % der Mäuse hatten einen weichen Stuhl und 30% der Mäuse hatten Diarrhö. Es war makroskopisch kein Blut im Stuhl feststellbar (nicht gezeigt). Histologisch war bei allen Mäusen eine chronische Colitis feststellbar, mit Verlust von Becherzellen und Krypten und entzündlichem Infiltrat, das vor allem aus Lymphozyten bestand, feststellbar. Nach Kontroll-Behandlung der Mäuse mit human IgG zeigte sich in der Histologie ein flächenhaft auftretender Verlust von Becherzellen und Krypten. Darüber hinaus waren auch Ulcerationen in der Mukosa zu beobachten. Ebenfalls war ein starkes Maß an entzündlichem Infiltrat in der Mukosa feststellbar (Abb. 4-22 A, unten). In der chronischen Form der DSSinduzierten Colitis zeigte sich die Epithelschicht des Darms weniger angegriffen. Sowohl die LTßR:lg- als auch anti-TNF-behandelten Gruppen zeigten eine, verglichen zur human IgGbehandelten Gruppe, signifikant verbesserte Histologie. Dies spiegelte sich in einer regenerierten Becherzell- und Kryptenarchitektur wieder. Auch das Ausmaß des entzündlichen Infiltrates war in den LTßR:Ig- bzw. anti-TNF-behandelten Mäusen weniger stark ausgeprägt als in den Kontrollmäusen (Abb. 4-22, A oben, Mitte). Diese Beobachtungen wurden durch den histologischen Score bestätigt: Die LTßR:lg- bzw. anti-TNF-Behandlung von Mäusen mit chronischer Colitis führte zu einer signifikanten Verminderung des histologischen Scores (Abb. 4-22 B) im Vergleich zu human IgGbehandelten Mäusen. Hierbei war der Einzel-Score entzündliches Infiltrat signifikant erniedrigt. (nicht gezeigt).

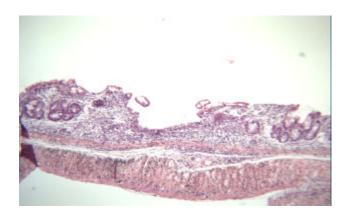
A



anti-TNF



LTßR:Ig



human IgG

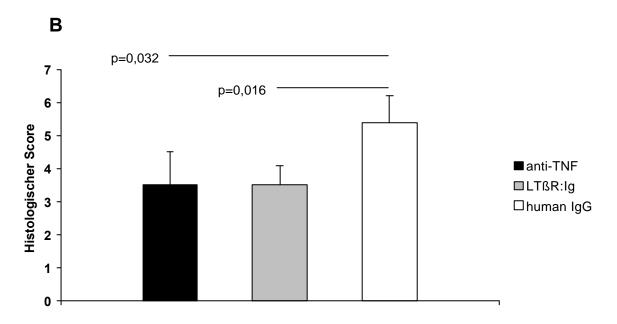


Abbildung 4-22:

Effekt einer LTßR:Ig-Behandlung auf die Histologie und den histologischen Score bei Mäusen mit DSS-induzierten chronischen Colitis. A) Histologie der Dickdarmschnitte von Mäusen (n=6), entweder anti-TNF, LTßR:Ig oder human IgG behandelt, nach Anfärbung mit Eosin-Hämatoxylin. B) Der histologische Score wurde im distalen Darmbereich von den Mäusen aus A) gemessen. Statistische Signifikanz wurde mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test ermittelt. Die Balken repräsentieren Mittelwerte ± Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für drei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.5.1.2 Lymphfollikel-Score

Neutralisation von TNF verringert weder die Größe noch die Anzahl an "colonic patches" verglichen mit der human IgG-Gabe in der chronischen Form der Colitis (Abb. 4-23). Demgegenüber reduziert die Behandlung mit LTßR:Ig während der chronischen Colitis signifikant den Lymphfollikel.Score (Abb. 4-23), was sich histologisch in einer geringeren Anzahl und Größe von "colonic patches" manifestiert (nicht gezeigt).

.

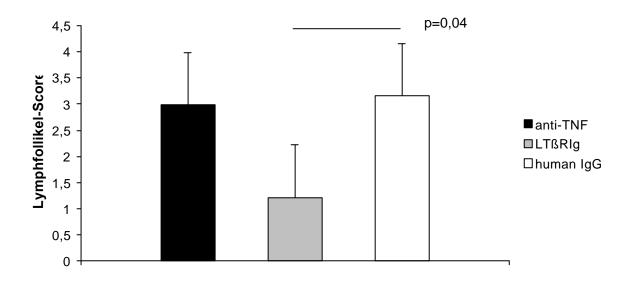


Abbildung 4-23:

Lymphfollikel-Score von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis. Die Mäuse (n=6) wurden entweder mit anti-TNF, LTßR:lg oder human lgG behandelt. Aufgetragen sind die Mittelwerte ± Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für drei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.5.1.3 Gewichtsverlust

Bei der chronischen DSS-induzierten Colitis kann auf Grund des kurzen Behandlungsschemas und der weitaus geringeren Diarrhö, als bei der akuten Colitis, keine Gewichtsveränderung gemessen werden (nicht gezeigt).

4.5.1.4 Myeloperoxidase-Aktivität

Abb. 4-24 zeigt, dass eine Behandlung sowohl mit anti-TNF als auch mit LTßR:Ig die MPO-Aktivität im distalen Dickdarmbereich von Mäusen mit chronischer Colitis signifikant verringert, verglichen zur human IgG-Behandlung. Jedoch ist zu bemerken, dass es sich hierbei um relative Werte der MPO handelt, die absoluten Werte der MPO-Aktivität in der chronischen Colitis sind weitaus geringer als in der akuten Phase der Colitis (nicht gezeigt).

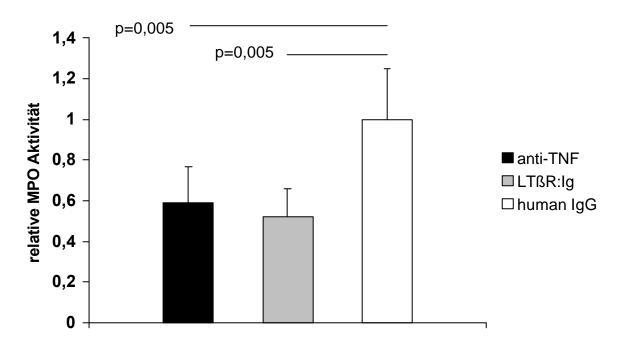


Abbildung 4-24:

Relative Myeloperoxidase-Aktivität der LTR:lg behandelten Mäuse mit chronischer DSS-induzierter Colitis. Die Aktivität der Myeloperoxidase, angegeben in relativer Einheit bezogen zur human IgG Behandlung, von Mäusen (n=6) wurde nach der Induktion einer chronischen DSS Colitis nach Behandlung mit anti-TNF, LTR:lg bzw. human IgG gemessen. Statistische Signifikanz wurde mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test ermittelt. Die Balken repräsentieren Mittelwerte \pm Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für drei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.5.1.5 Dickdarmlänge

Es zeigt sich nach LTßR:Ig-Behandlung eine signifikant erhöhte Dickdarmlänge von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis verglichen mit Dickdärmen von Mäusen nach human IgG-Behandlung (Abb. 4-25). Auch in Mäusen, die eine anti-TNF-Behandlung erhalten haben, zeigte sich eine signifikante Verlängerung des Dickdarmes (Ab 4-25).

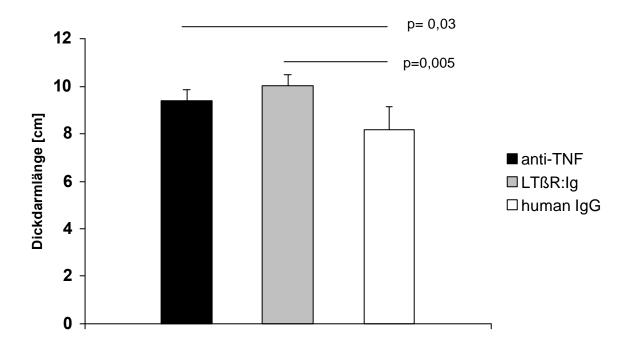


Abbildung 4-25:
Dickdarmlängen der LTßR:Ig behandelten Mäuse mit chronischer DSS-induzierter Colitis. Die Dickdarmlänge, angegeben in cm, von Mäusen (n=6) wurde nach der Induktion einer chronischen DSS-induzierten Colitis nach Behandlung mit anti-TNF, LTßR:Ig bzw. human IgG gemessen. Statistische Signifikanz wurde mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test ermittelt. Die Balken repräsentieren Mittelwerte ± Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für drei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

4.5.2 LTBR/LT-Liganden Expression im Dickdarm

Um die Regelung der Expression von LTßR und dessen Liganden in der chronischen DSS-induzierten Colitis zu untersuchen, wurde die Methode der semiquantitativen PCR benutzt. Hierfür wurden aus dem distalen Dickdarmbereich von Mäusen mit chronischer Colitis bzw. von gesunden Kontroll-Mäusen Darmgewebe entnommen und daraus RNA isoliert. Der Vergleich von mRNA aus Dickdärmen von Mäusen mit chronischer Colitis mit denen ohne Colitis zeigte, dass weder die Transkription des LTßR-Gens noch die Gene der Liganden LT α bzw. LIGHT in signifikantem Maße reguliert war (Abb. 4-26). Im Gegensatz dazu war die LTß mRNA-Expression in allen fünf Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis, verglichen mit gesunden Mäusen, signifikant erhöht (Abb. 4-26). Dieses Ergebnis zeigt eine Korrelation der chronisch entzündlichen Manifestation der Colitis in Mäusen mit der Transkription des LTß-Genes, welches essentielle Proteinsequenz des heterotrimeren LT α_1 ß $_2$ kodiert.

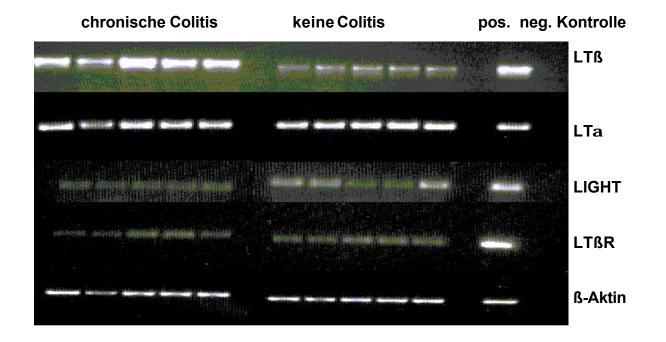


Abbildung 4-26:

Semiquantitative PCR für LTßR/LT-Liganden, aus Darmgewebe von gesunden Mäusen bzw. Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis (n=5). Als positiv Kontrolle für LTß, LTα und LIGHT diente mRNA aus PMMI Zellen, als positiv Kontrolle für LTßR diente mRNA aus BFS-1 Zellen. Negativ Kontrolle wurde bei jedem Experiment mit Wasser anstelle von cDNA durchgeführt. Die abgebildeten Banden sind repräsentativ für 3 unabhängig voneinander durchgeführten Experimenten.

4.5.3 LTa₁β₂/LIGHT Expression auf mesenterialen Lymphozyten

Die Expression von LT α_1 β_2 /LIGHT auf Lymphozyten aus mesenterialen Lymphknoten, die aus Mäusen mit einer DSS-induzierten chronischen Colitis stammten, wurde untersucht. Dazu wurden mesenteriale Lymphozyten gewonnen und mit einem FITC-markiertem LTßR:lg mittels Durchflußztometrie analysiert. Die Ergebnisse sind in Abb. 4-27 A-D dargestellt: Abb. 4-27 A zeigt dass rund 32% aller Zellen aus den mesenterialen Lymphknoten, von Mäusen mit chronischer DSS-induzierten Colitis, die Liganden des LTßR exprimieren. Etwa ein fünftel der CD4 $^+$ T-Zellen, nämlich 8 % (Abb. 4-27 B), und 2% der CD8 $^+$ T-Zellen (Abb. 4-27 C) färbten positiv für die Expression von LTßR-Liganden. Den weitaus größten Anteil an LT α_1 β_2 /LIGHT-Positivität zeigten die B220/CD45R $^+$ Zellen, nämlich 22% (Abb. 4-27 D). Wieder wurde, die in 4.2.2 beschriebene Kreuzreaktion der CD4 $^+$ und CD8 $^+$ T-Zellen gefunden. Verglichen mit den Ergebnissen von gesunden Mäusen oder Mäusen mit akuter Colitis wird deutlich, dass in der chronischen Form der DSS-induzierten Colitis die Liganden des LTßR vermehrt auf den mesenterialen Lymphozyten exprimiert werden.

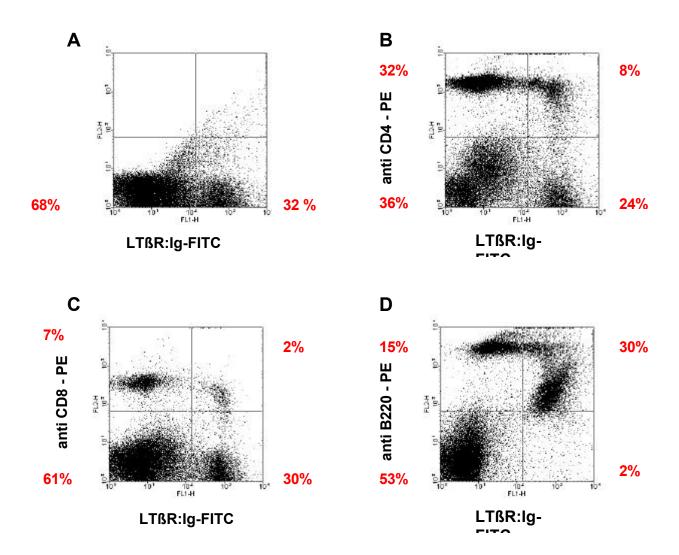


Abbildung 4-27: FACS von mesenterialen Lymphozyten von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis auf LTa₁ß₂/LIGHT Expression mit A) LTßR:Ig-FITC; B) LTßR:Ig-FITC und anti CD4-PE; C) LTßR:Ig-FITC und anti CD8-PE; und D) LTßR:Ig-FITC und anti B220/CD45R-PE. Die mesenterialen Lymphozyten wurden von 5 verschiedenen Mäusen gepoolt und anschließend mittels Durchflußzytometrie analysiert. Die angegebenen Daten sind repräsentativ für drei unabhängige Experimente.

4.5.4 Expression von proinflammatorischen Zytokinen im Dickdarmgewebe

Um lokale Veränderungen der Zytokinproduktion im Dickdarm von Mäusen mit chronischer DSS-induzierten Colitis durch LTßR:Ig Gabe zu untersuchen, wurde wieder die Methode der quantitativen PCR mittels Light Cycler benutzt. Hierzu wurde aus dem distalen Dickdarmabschnitten von Mäusen mit chronischer Colitis, entweder LTßR:Ig- oder human IgG-behandelt, RNA isoliert. Anschließend wurde die mRNA Expression von IL-1ß, IL-6 und TNF bestimmt. Die Behandlung mit LTßR:Ig in der chronischen DSS-induzierten Colitis verringerte die Transkription von allen drei untersuchten Zytokinen (Tabelle 4-5). Nur etwa 10% der IL-1ß mRNA, 2% der IL-6 mRNA und 37% der TNF mRNA, die in Dickdarmgewebe von Mäusen mit human IgG-Behandlung gemessen wurden, waren in den Dickdarmgewebe von LTßR:Ig behandelten Tieren zu beobachten (Tabelle 4-5).

	LTßR:Ig		human IgG	
	Mittelwert	SD	Mittelwert	SD
IL-1ß	1,29x10 ⁻⁵	1,17x10 ⁻⁵	1,26x10 ⁻⁴	1,05x10 ⁻⁴
IL-6	1,70x10 ⁻⁴	1,39x10 ⁻⁴	4,50x10 ⁻⁴	4,60x10 ⁻⁴
TNF	1,31x10 ⁻³	1,71x10 ⁻⁴	6,19x10 ⁻³	3,50x10 ⁻⁴

Tabelle 4-5:

Quantitative PCR von mRNA aus Darmgewebe von Mäusen mit chronischer DSS-inuzierter Colitis. Angegebnen ist die mRNA Expression von IL-1ß, IL-6 und TNF, aus Mäusen (n=6), die mit LTßR:Ig bzw. human IgG behandelt wurden. mRNA wurde mittels Light Cycler Technik quantifiziert. Angegebene Werte sind Mittelwerte von relativen Einheiten.

4.5.5 Zytokinsekretion von mesenterialen Lymphozyten

Um die Auswirkungen einer LTßR:Ig-Behandlung auf die Zytokinsekretion von mesenterialen Lymphozyten zu untersuchen, wurden Mäusen nach LTßR:Ig-. bzw. human IgG-Behandlung der chronischen DSS-induzierten Colitis die mesenterialen Lymphknoten entnommen und hieraus eine Zellsuspension hergestellt. Die Überstände der Zellkulturen wurden nach 24 h Inkubation auf die Konzentration von IL-6, TNF und MIP-2 untersucht. Im Zellkulturüberstand von den mesenterialen Lymphozyten aus LTßR:Ig-behandelten Mäusen war signifikant weniger IL-6 (p=0,05), TNF (p=0,005) und MIP-2 (p=0,04) messbar im Vergleich zu denen aus human IgG-behandelten Mäusen (Tabelle 4-6). Weder im Zellkulturüberstand LTßR:Ig- noch human IgG-behandelter Mäuse war IL-4 feststellbar (nicht gezeigt).

	LTßR:Ig		human IgG	
	Mittelwert [pg/ml]	SD	Mittelwert [pg/ml]	SD
IL-6	161,7	40,1	248,7	100,1
TNF	10,1	3,4	37,5	11,3
MIP2	342,6	143	668,8	166,8

Tabelle 4-6:

Zytokinsekretion von mesenterialen Lymphozyten aus LTßR:lg behandelten Mäusen. Nach Behandlung der chronischen DSS-induzierten Colitis, entweder human IgG oder LTßR:lg, wurden Mäusen die mesenterialen Lymphknoten entnommen und 5x10⁶ Lymphozyten/ml für 24 h inkubiert. Anschließend wurde der Zellkulturüberstand mittels ELISA auf die Konzentration von IL-6, TNF bzw. MIP-2 untersucht. Die angegebenen Werte sind repräsentativ für zwei unabhängig voneinander durchgeführte Experimente.

4.5.6 Expression von Adhäsionsmolekülen nach LTßR:lg-Behandlung im Dickdarm von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis

4.5.6.1 Expression von MadCAM-1 im Dickdarm nach LTßR:Ig Behandlung

In gesunden Mäusen, die entweder mit LTßR:Ig- oder human IgG-behandelt wurden, war nur eine geringe Expression von MadCAM-1 zu beobachten (nicht gezeigt). Bei Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis findet man eine verstärkte Expression von MadCAM-1 (braun-gefärbt) im distalen Dickdarmbereich von Mäusen, die mit human IgG behandelt wurden (Abb. 4-28 A). Dabei wurde MadCAM-1 vor allem auf dem Endothel von Gefäßen der Lamina Propria und auf Gefäßen mit hohem Endothel (high endothelial venules, HEV) der colonic patches gefunden. Die LTßR:Ig-Behandlung von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis führte zu einer deutlich verminderten Expression von MadCAM-1 in distalen Dickdarmbereichen, was sich vor allem auf den HEV der colonic patches aber auch auf den Gefäßen der Lamina Propria zeigte (Abb. 4-28, B).

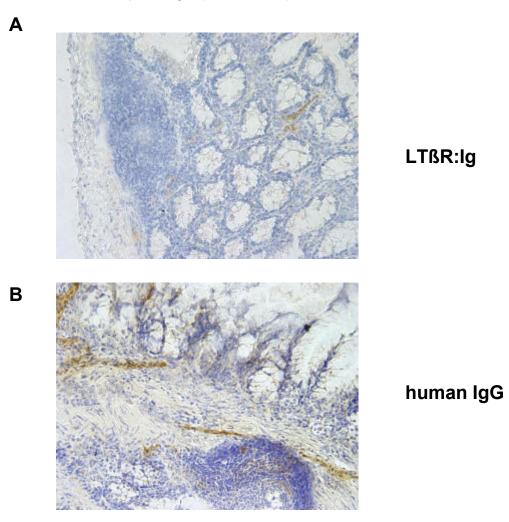
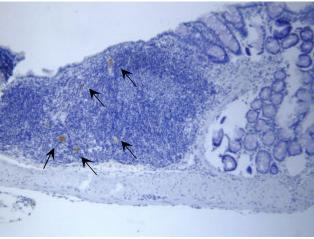


Abbildung 4-28:

MadCAM-1-Expression im distalen Dickdarm nach LTßR:lg-Behandlung von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis. Aus dem distalen Teil des Dickdarmes wurde Gewebe entnommen und auf MadCAM-1 gefärbt (braun). Die Mäuse waren entweder A) LTßR:lg oder B) human IgG behandelt. Gezeigt sind repräsentative Bilder aus drei unabhängig voneinander durchgeführten Experimenten.

4.5.6.2 Expression von PNAd im Dickdarm nach LTBR:lg Behandlung

In gesunden Mäusen, die entweder mit LTßR:Ig oder human IgG behandelt wurden, war so gut wie keine Expression von peripheral node addressin (PNAd) zu beobachten (nicht gezeigt). Bei Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis wurde in Mäusen, sowohl mit human IgG als auch mit LTßR:Ig behandelt, eine leichte Expression von PNAd (braungefärbt) auf den HEV der colonic patches gefunden. Zwischen beiden Gruppen bestand jedoch kein Unterschied im Ausmaß der Expression von PNAd (Abb. 4-29, A und B).



LTBR:Ig

В

Α



human IgG

Abbildung 4-29:

PNAd-Expression im distalen Dickdarm nach LTßR:lg-Behandlung von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis. Aus dem distalen Teil des Dickdarmes wurde Gewebe entnommen und auf PNAd gefärbt (braun). Die Mäuse waren entweder A) LTßR:Ig oder B) human IgG behandelt. Gezeigt sind repräsentative Bilder aus drei unabhängig voneinander durchgeführte Experimente.

4.5.7 Expression der Liganden der Adhäsionsmoleküle auf mesenterialen Lymphozyten nach LT&R:Ig Behandlung

LTßR -/- Mäuse besitzen einen sehr geringen Anteil an $\alpha_E \beta_7^{high}$ -Integrin-positiven Lymphozyten (Fütterer, 1998). Daher sollte im Folgenden untersucht werden, ob sich durch

die Behandlung mit LTßR:Ig die Expression von $\alpha_4\beta_7$ -Integrin (MadCAM-1-Ligand) beeinflussen lässt. Weiterhin wurde noch überprüft, ob die LTßR:Ig-Gaben zu einer reduzierten Expression von L-Selectin, dem Liganden von PNAd, führen. Wie Abbildung 4-30 A zeigt, hat die Behandlung von Mäusen mit LTßR:Ig keinen Einfluss auf die Expression von $\alpha_4\beta_7$ -Integrin auf mesenterialen Lymphozyten, denn es wurde für beide Gruppen, human IgG- und LTßR:Ig-behandelt, die gleich hohe Expression dieses Moleküls in der Durchflußzytometrie gemessen. Zusätzlich hatte die Behandlung mit LTßR:Ig keinen Einfluss auf die Expression von β_7 -Integrin bzw. α_E -Integrin allein (nicht gezeigt). Auch war die Expression von L-Selectin nicht durch die Gabe von LTßR:Ig beeinflussbar, da sich kein Unterschied im Expressionsverhalten auf mesenterialen Lymphozyten aus human IgG- bzw. LTßR:Ig-behandelten Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis zeigte (Abb. 4-30 B).

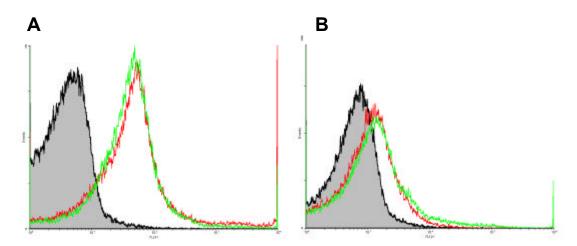
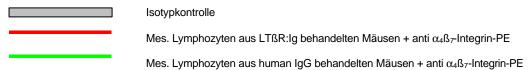


Abbildung 4-30:

Expression von $a_4\beta_7$ -Integrin und L-Selectin auf mesenterialen Lymphozyten nach LTßR:lg Behandlung. Mesenteriale Lymphozyten aus Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis, die entweder LTßR:lg oder human IgG behandelt waren, wurden auf die Expression von A) $\alpha_4\beta_7$ -Integrin und B) L-Selectin durch FACS Analyse untersucht. Hierzu wurden die mesenterialen Lymphozyten von 5 Mäusen gepoolt. Die angegebenen Ergebnisse sind repräsentativ für drei voneinander unabhängig durchgeführten Ergebnissen



4.5.8 "rolling", "sticking" und Extravasation von Lymphozyten nach LTßR:lg-Behandlung

Um zu untersuchen, ob die verminderte MadCAM-1-Expression im distalen Dickdarm von Mäusen, mit chronischer DSS-induzierter Colitis, nach LTßR:Ig-Behandlung zu einem verminderten Rollen ("rolling"), Anhaften ("sticking") oder Extravasieren von Lymphozyten in der Mucosa führt, wurde die Methode der *in vivo* Fluoreszenzmikroskopie verwendet, mit der die Lymphozyten-Endothel Interaktionen und die Lymphozyten Extravasation in die entzündete Mucosa des Dickdarms guantifiziert werden kann.

4.5.8.1 "rolling" und "sticking" von Lymphozyten in Sammelvenolen nach LTßR:Ig Behandlung

Die Bewegungen von Acridinorange-angefärbten Lymphozyten in Sammelvenolen der Dickdarm-Mukosa bzw. -Submukosa und deren Interaktionen mit dem Gefäßendothel der Sammelvenolen wurden untersucht. In LTßR:Ig behandelten Mäusen mit chronischer Colitis war die Anzahl von Lymphozyten, die an der Endothelwand der Sammelvenolen entlang rollten, signifikant verringert verglichen mit denen in human IgG-behandelten Mäusen (Abb. 4-31 A). Zusätzlich war auch das Anhaften von Lymphozyten an die Gefäßwand der Sammelvenolen in der LTßR:Ig behandelten Gruppe vermindert (Abb. 4-31 B). Die in Abb. 4-31 A und B dargestellten Daten sind in Abb. 4-31 C und D als Bilder zu sehen. Hierbei handelt es sich jeweils um Aufnahmen von Sammelvenolen der Submucosa. Zusätzlich wurden Videoaufnahmen gemacht, die auf einer CD beigefügt sind (Abb. 4-31 E) LTßR:Ig ; Abb. 4-31 F) human IgG).

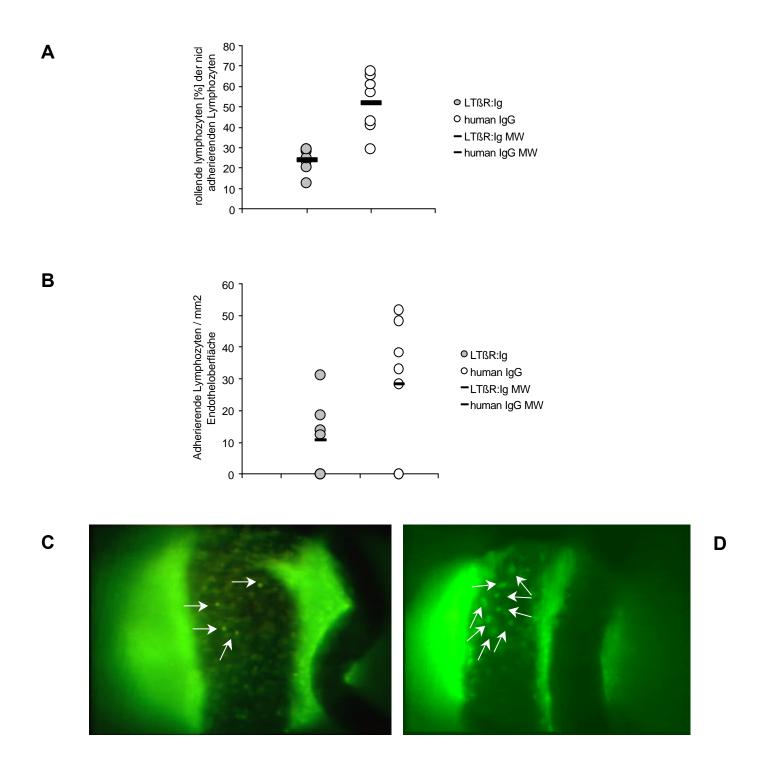


Abbildung 4-31: In vivo Mikroskopie der Mikrozirkulation von Lymphozyten in Sammelvenolen der Submucosa. In Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis, die entweder mit LTßR:lg oder human IgG behandelt waren, wurde A) das Rollen und B) das Anheften von Lymphozyten an den Endothelien von Sammelvenolen untersucht. Gezeigt sind Dot Plots. In C) ist ein Bild einer Sammelvenole von einer mit LTßR:lg behandelten Maus dargestellt in D) die einer mit human IgG behandelten Maus.

4.5.8.2 "rolling" und "sticking" von Lymphozyten in Postkapillarvenolen nach LTßR:lg-Behandlung

Wie in den Sammelvenolen war auch in Postkapillarvenolen der Dickdarm-Mukosa bzw. –Submukosa in LTßR:Ig-behandelten Mäusen mit chronischer Colitis die Anzahl von Lymphozyten, die an der Endothelwand der Postkapillarvenolen entlang rollten ("rolling"), signifikant verringert, verglichen mit denen aus human IgG-behandelten Mäusen (Abb. 4-32 A). Auch war das Anhaften ("sticking") von Lymphozyten an die Gefäßwand der Postkapillarvenolen in der LTßR:Ig-behandelten Gruppe signifikant vermindert (Abb. 4-32 B). Die Daten, die in Abb. 4-32 A und B dargestellt wurden, sind in Abb. 4-32 C und D als Bilder zu sehen. Hierbei handelt es sich jeweils um Aufnahmen von Postkapillarvenolen der Dickdarmmukosa. Zusätzlich sind auch Videoaufnahmen auf der CD beigefügt (Abb. 4-32 E) LTßR:Ig; Abb. 4-32 F) human IgG).

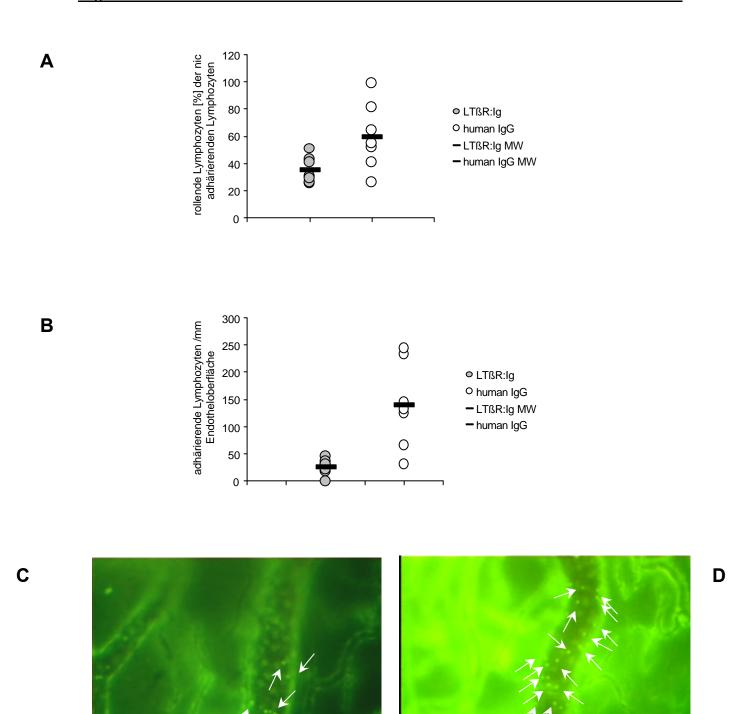


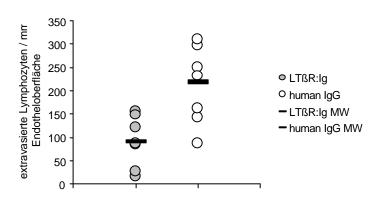
Abbildung 4-32: In vivo Mikroskopie der Mikrozirkulation von Lymphozyten in Postkapillarvenolen der Submucosa. In Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis, die entweder mit LTßR:Ig oder human IgG behandelt waren, wurde A) das Rollen und B) das Anheften von Lymphozyten an den Endothelien von Postkapillarvenolen untersucht. Gezeigt sind Dot Plots. In C) ist ein Bild einer Postkapillarvenole von einer mit LTßR:Ig behandelten Maus dargestellt in D) die einer mit human IgG

behandelten Maus.

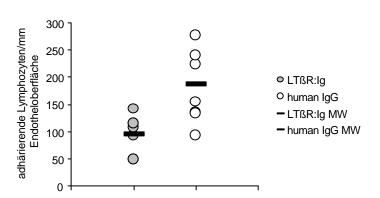
4.5.8.3 Anhaften und Extravasieren von Lymphozyten in der Mucosa nach LTßR:lg-Behandlung

Bei der Untersuchung der Lymphozyten-Extravasation in der Dickdarmmukosa war die Anzahl der anhaftenden bzw. extravasierenden Lymphozyten in den mit LTßR:Igbehandelten Mäusen wiederum signifikant vermindert (Abb. 4-33 A, B). In Abb. 4-33 C, D sind Aufnahmen aus der Dickdarmmukosa mit anhaftenden und extravasierten Lymphozyten gezeigt.

Α



В



D

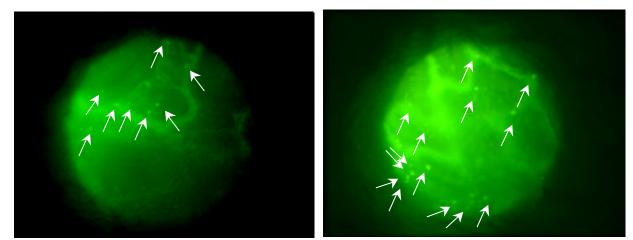


Abbildung 4-33:

 \mathbf{C}

In vivo Mikroskopie der Extravasation und Adhäsion von Lymphozyten in der Dickdarmmukosa. In Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis, die entweder mit LTßR:Ig oder human IgG behandelt waren, wurde A) das Extravasieren und B) das Anheften von Lymphozyten an den Endothelien in der Dickdarmmukosa untersucht. Gezeigt sind Dot Plots. In C) ist ein Bild der Mucosa von einer mit LTßR:Ig behandelten Maus dargestellt in D) die einer mit human IgG behandelten Maus.

4.5.9 Kombinationsbehandlung mit LTBR:Ig und anti-IFNg

Obwohl in einem TNBS-induzierten Colitis-Modell in Mäusen war nur ein geringer positiver Effekt einer LTßR:Ig-Behandlung messbar war senkte die zusätzliche Neutralisierung von IFNγ den histologischen Score signifikant (Dohi, 2001). Daher sollte im DSS-induzierten Model der chronischen Colitis auch diese Kombinationstherapie untersucht werden. Wie Abb. 4-34 zeigt, war bereits durch eine anti-IFNγ-Behandlung eine signifikante Verringerung des histologischen Scores zu erzielen, der vergleichbar einer LTßR:Ig-Behandlung war. Die kombinierte Gabe von anti-IFNγ und LTßR:Ig senkte jedoch die Entzündung im Dickdarm nochmals signifikant, was sich in einem zusätzlich erniedrigten histologischen Score wiederspiegelt. Dies zeigt einen additiven Therapie-Effekt der anti-IFNγ-Therapie zur LTßR:Ig-Gabe in der chronischen Form der DSS-induzierten Colitis.

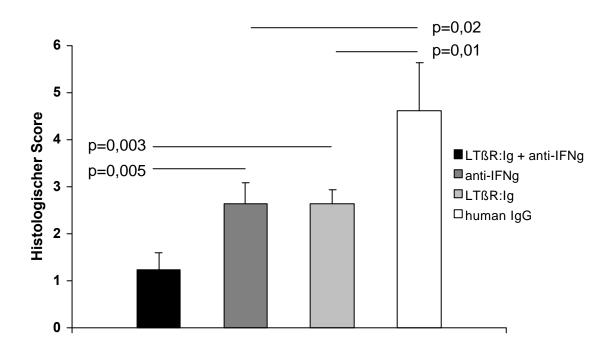


Abbildung 4-34:

Kombinationstherapie mit LTßR:Ig und anti-IFNg in der chronischen DSS-induzierten Colitis. Mäuse (n=7) mit chronischer DSS-induzierter Colitis wurden mit human IgG, LTßR:Ig, anti-IFNγ oder mit LTßR:Ig+anti-IFNγ behandelt. Angegeben ist der histologiche Score. Die angegebenen Daten sich repräsentativ für zwei voneinander unabhängige Experimente. Die statistische Signifikanz wurde mit dem Mann Whitney Rank Sum Test ermittelt.

4.6 Chronische DSS-induzierte Colitis in LTBR -/- Mäusen

In LTßR-/- Mäusen wurde eine chronische Colitis durch DSS-Gabe induziert und mit WT-Mäusen verglichen.

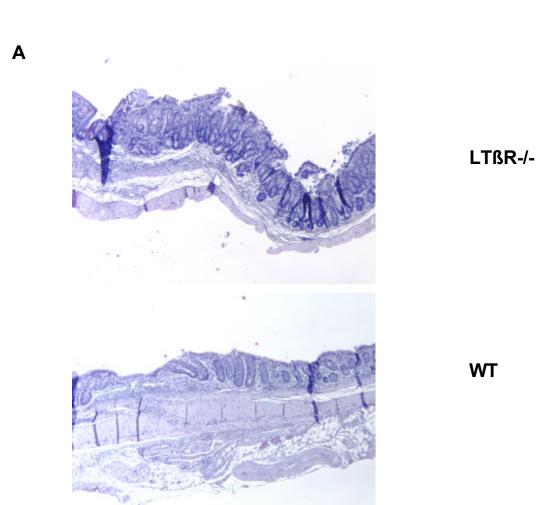
4.6.1 Einfluss auf Entzündungsparameter des Dickdarms

Um Auswirkungen des Fehlens von LTßR in Mäusen mit chronischer DSS-induzierten Colitis zu analysieren, wurden Mäuse, sowohl LTßR-/- als auch WT, 14-21 Tage nach Beendigung des letzten DSS-Zykluses auf das Ausmaß der entwickelten Dickdarmentzündung hin untersucht.

4.6.1.1 Histologie und histologischer Score

Etwa 2-3 Wochen nach Beendigung des letzten DSS-Zykluses zeigte sich bei den Mäusen folgendes Bild: In den LTßR-/- Mäusen zeigten sich Anzeichen einer milden chronischen Colitis, was sich in einem geringem Verlust von Krypten und Becherzellen bzw. einem

mäßigen entzündlichen Infiltrat zeigte. Es waren vor allem Lymphozyten, die den Hauptteil des entzündlichen Infiltrates stellten (Abb. 4-35 A, oben). Im Gegensatz dazu zeigte sich im distalen Abschnitt des Dickdarmes von WT Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis folgendes Bild: Es konnte ein größerer Verlust von Becherzellen und Krypten verglichen mit den LTßR-/- Mäusen beobachtet werden. Und mehr Lymphozyten waren in die Mukosa eingewandert (Abb. 4-35, A, unten). Zusätzlich war die Mukosa von WT Mäusen mit chronischer Colitis aufgeschwollener, d.h. oedematöser, als die von LTßR-/- Mäusen. Diese Beobachtungen wurden durch den histologischen Score bestätigt: Die LTßR-/- Mäuse mit chronischer Colitis hatten einen signifikant verminderten histologischen Score (Abb. 4-35 B) im Vergleich zu WT Mäusen. Hierbei waren vor allem das entzündliche Infiltrat signifikant erniedrigt. (nicht gezeigt).



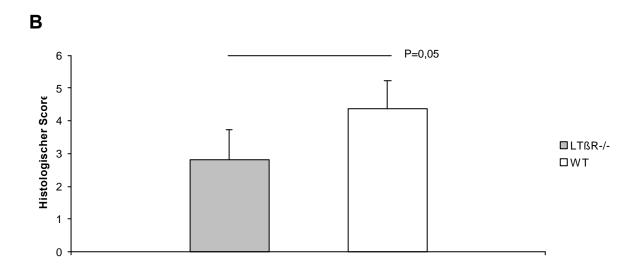


Abbildung 4-35:

Histologie und histologischer Score bei LTßR-/- Mäusen mit DSS-induzierten chronischen Colitis. A) Histologie der Dickdarmschnitte von LTßR-/- bzw. WT Mäusen nach Anfärbung mit Eosin-Hämatoxylin. B) Der histologische Score wurde im distalen Darmbereich von Mäusen (n=9), entweder LTßR-/- oder WT, mit chronischer DSS-induzierter Colitis gemessen. Statistische Signifikanz wurde mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test ermittelt. Die Balken repräsentieren Mittelwerte ± Standardabweichung.

4.6.1.2 Lymphfollikel-Score

In LTßR-/- Mäusen mit chronischer DSS-induzierten Colitis konnten keine colonic patches gefunden werden, wohingegen in WT Mäusen lymphoide Strukturen im Dickdarm vorhanden waren (Abb. 4-36)

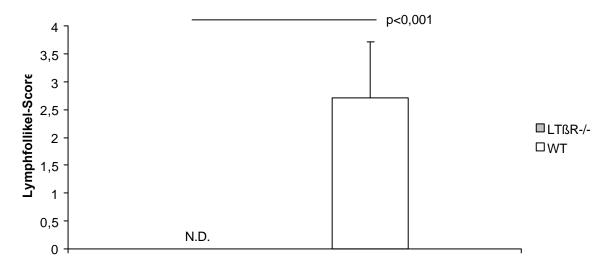


Abbildung 4-36:

Lymphfollikel-Score LTßR-/- Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis. Von Mäusen (n=9), entweder LTßR-/- oder WT, wurden der Lymphfollikel- Score nach Induktion einer chronischen Colitis durch DSS Gabe ermittelt. Aufgetragen sind die Mittelwerte ± Standardabweichung. Die angegeben Daten sind repräsentativ für zwei voneinander unabhängig durchgeführten Experimenten.

4.6.1.3 Dickdarmlänge

LTßR-/- Mäuse mit chronischer DSS-induzierter Colitis hatten eine signifikant erhöhte Dickdarmlänge verglichen mit WT Mäusen (Abb. 4-37).

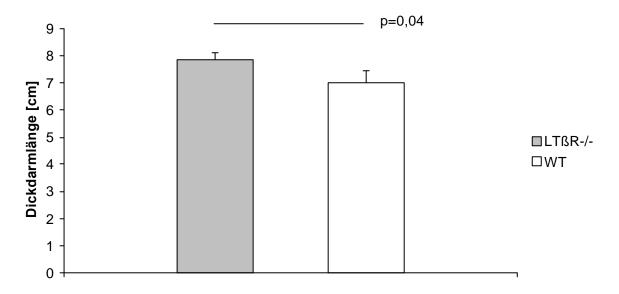


Abbildung 4-37:

Dickdarmlängen der LTßR-/- Mäuse mit chronischer DSS-induzierter Colitis. Die Dickdarmlängen, angegeben in cm, von LTßR-/- oder WT Mäusen (n=9) wurde nach der Induktion einer chronischen DSS-induzierten Colitis gemessen. Statistische Signifikanz wurde mit dem Mann-Whitney Rank Sum Test ermittelt. Die Balken repräsentieren Mittelwerte \pm Standardabweichung.

4.6.2 MadCAM-1 Färbung

Wie bei BALB/c Mäusen haben auch C57Bl/6 Mäuse mit chronischer DSS-induzierter Colitis eine verstärkte Expression von MadCAM-1 (braun-gefärbt) im distalen Dickdarmbereich (Abb. 4-38 B), wobei MadCAM-1 vor allem auf Endothel von Gefäßen der Lamina Propria gefärbt wird. Die Färbung von MadCAM-1 in Dickdarmbiopsien von LTßR-/- Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis dagegen zeigt deutlich weniger MadCAM-1 in distalen Dickdarmbereichen, besonders auf den HEV der colonic patches aber auch auf den Gefäßen der Lamina Propria (Abb. 4-38, A). Die Expression von MadCAM-1 wird durch das Fehlen von LTßR jedoch nicht völlig unterbunden, sondern nur reduziert.

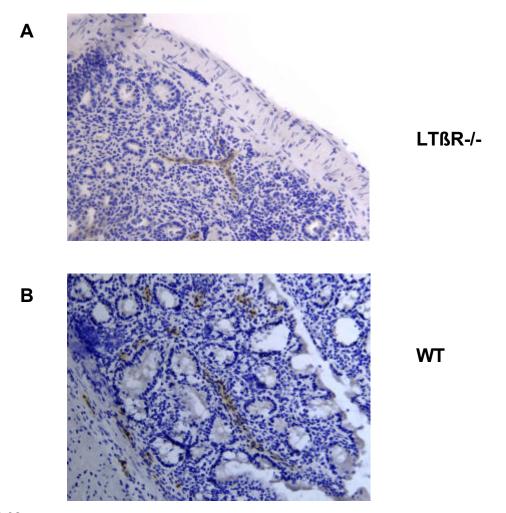


Abbildung 4-38:
MadCAM-1-Expression im distalen Dickdarm von LTßR-/- Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis. Aus dem distalen Teil des Dickdarmes wurde Gewebe entnommen und auf MadCAM-1 gefärbt (braun). Die Mäuse waren entweder A) LTßR-/- oder B) WT. Gezeigt sind repräsentative Bilder aus zwei unabhängig voneinander durchgeführten Experimenten.

4.7 Expression und Funktionalität des LTBR auf BMMC

4.7.1 Mastzellspezifität der BMMC

BMMC wurden aus Knochenmarkstammzellen herangezogen. Hierfür wurden als Knochenmarkspender C57BL/6 WT (LTßR+/+) oder LTßR-/- Mäuse verwendet. Auch von Knochenmarkstammzellen aus BALB/c Mäusen wurden BMMC herangezogen. Besonders wichtig ist die Anwesenheit von IL-3 und SCF im Kulturmedium, damit sich die Knochenmarkstammzellen zu BMMC differenzieren.

4.7.1.1 May-Grünwald- und Toluidinblau-Färbung

Zur phänotypischen Bestimmung der BMMC wurde May-Grünwald- und Toluidinblau-Färbung verwendet, wodurch die für Mastzellen charakteristischen Granula angefärbt werden. Nach sechswöchiger Kultur zeigten sowohl die LTßR+/+ als auch die LTßR-/-BMMC die charakteristische May-Grünwald-Färbung der Granula. Es war kein Unterschied zwischen den WT und LTßR-/- BMMC zu erkennen (Abb. 4-39 A, B). Durch mikroskopische Auswertung der erhaltenen BMMC konnte eine Reinheit von etwa 98% festgestellt werden. Bei der Toluidinblau-Färbung zeigte sich das gleiche Ergebnis (nicht gezeigt), mit einer Reinheit der BMMC von etwa 98%.

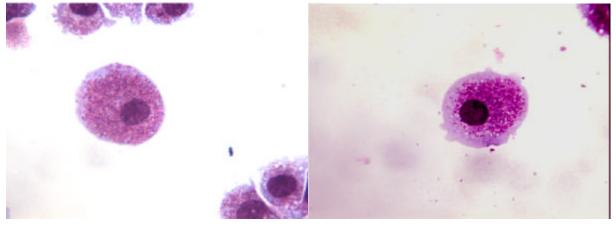


Abbildung 4-39:
May-Grünwald-Färbung von BMMC. A) LTßR +/+ und B) LTßR-/- BMMC wurden nach May-Grünwald angefärbt.

4.7.1.2 FACS-Analyse der BMMC auf CD117 Expression

CD117, auch bekannt als c-kit oder SCF-Rezeptor, ist ein charakteristischer Marker für Mastzellen, da diese die einzigen Zellen hämatopoetischen Ursprungs sind, die CD117 als reife Zellen noch exprimieren (Karimi, 1999). Daher wurden die BMMC, entweder LTßR+/+ oder LTßR-/-, auf die Expression von CD117 mit Hilfe von Durchflußzytometrie untersucht. Dabei zeigte sich nach sechswöchiger Kultur der BMMC kein Unterschied zwischen den LTßR+/+ und LTßR-/- BMMC in deren CD117 Expression. Bei beiden Mastzell-Populationen war eine hohe Expression von c-kit feststellbar (Abb. 4-40).

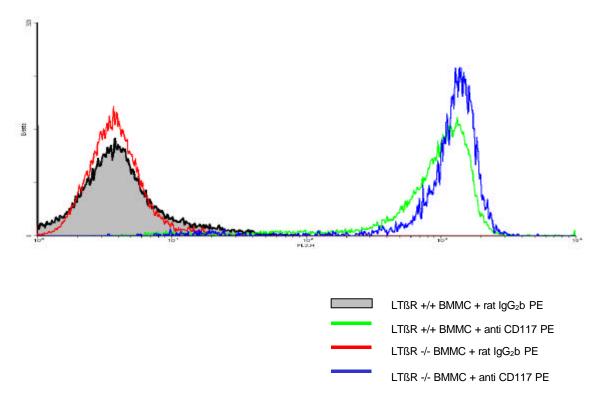


Abbildung 4-40:

FACS der BMMC auf CD117 Expression. Die sechs Wochen in IL-3 und SCF kultivierten BMMC, entweder LTßR+/+ oder LTßR -/-, wurden auf die Expression von CD117 mit Hilfe von FACS Analyse untersucht.

4.7.2 Nachweis der LTßR-Expression von BMMC

4.7.2.1 FACS-Analyse

Um zu untersuchen, ob BMMC LTßR auf ihrer Oberfläche exprimieren, wurde zunächst die Methode der Durchflußzytometrie gewählt, wobei BMMC, entweder LTßR +/+ oder LTßR-/-, mit dem spezifischen anti-Maus LTßR monoklonalen Antikörper 5G11b (Hehlgans, 2003) in der FACS-Analyse getestet wurden. Die Durchflußzytometrie zeigte deutlich, dass LTßR -/-BMMC kein LTßR-Protein auf ihrer Oberfläche tragen, denn es war kein Unterschied in der Fluoreszenzintensität zwischen der Isotypkontrolle und der 5G11b behandelten Proben zu erkennen (Abb. 4-41). Bei LTßR+/+ BMMC war jedoch eine deutliche Expression von LTßR auf der Zelloberfläche zu beobachten, was durch den Fluoreszenzunterschied zwischen Isotypkontrolle und 5G11b behandelten BMMC klar sichtbar wurde (Abb. 4-41). Für BMMC, die aus Knochenmarkstammzellen von BALB/c Mäusen generiert wurden, konnte der LTßR-Expression mittels Durchflußzytometrie nachgewiesen werden (nicht gezeigt). Auf der Mastzell-Zellinie L138.8A zeigte sich keine Expression von LTßR auf der Zelloberfläche (nicht gezeigt).

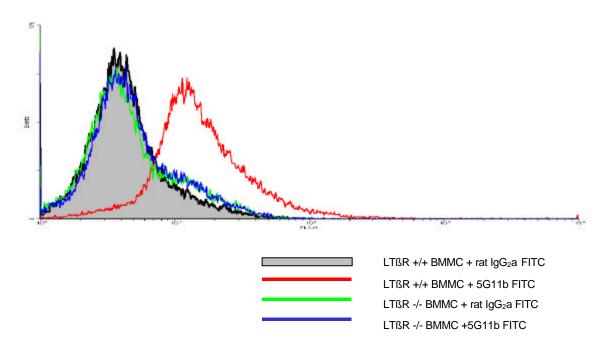


Abbildung 4-41:

FACS Analyse der BMMC auf LTßR Expression. BMMC, entweder LTßR+/+ oder LTßR-/-, wurden auf die Expression von LTßR auf der Zelloberfläche mittels Durchflußzytometrie untersucht. Die Daten sind repräsentativ für vier voneinander unabhängige Experimente.

4.7.2.2 PCR-Analyse

Um das Vorkommen von mRNA für LTßR in Mastzellen zu untersuchen, wurde mRNA von LTßR+/+ BMMC bzw. der Mastzell-Zellinie L138.8A verwendet. Als Positivkontrolle diente mRNA von BFS-1 Zellen (Hehlgans, 2002). Als Negativkontrolle wurde mRNA aus PMMI Zellen verwendet. Als zusätzliche Negativkontrolle wurde beim Ansatz der PCR noch Wasser anstatt von cDNA verwendet. Abb. 4-42 zeigt deutlich, dass BMMC mRNA für LTßR produzieren. Als Kontrolle für die aufgetragenen cDNA Mengen diente ß-Aktin. Diese Ergebnisse bestätigten sich auch im Southern Blot (nicht gezeigt).

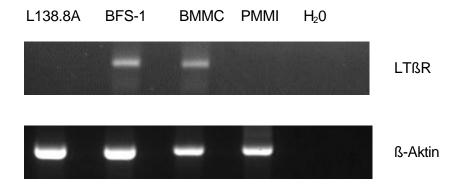


Abbildung 4-42:

PCR Analyse der LTßR Expression von BMMC. Aus den Zelllinien L138.8A, BFS-1 und PMMI und aus BMMC, die aus LTßR+/+ Mäusen generiert wurden, wurde mRNA isoliert, in cDNA umgeschrieben und durch PCR Analyse die Expression von LTßR untersucht. Die Daten sind repräsentativ für drei voneinander unabhängig durchgeführte Experimente.

Diese Ergebnisse verdeutlichen zum ersten Mal, dass BMMC LTßR tragen. Bis jetzt war nur bekannt, dass LTßR auf Stromazellen und auf Monozyten exprimiert ist (Crowe, 1994; Force, 1995; Browning, 1997; Browning, 2002)

4.7.3 mLIGHT- und 5G11b- Stimulierung von Ionomycin aktivierten BMMC

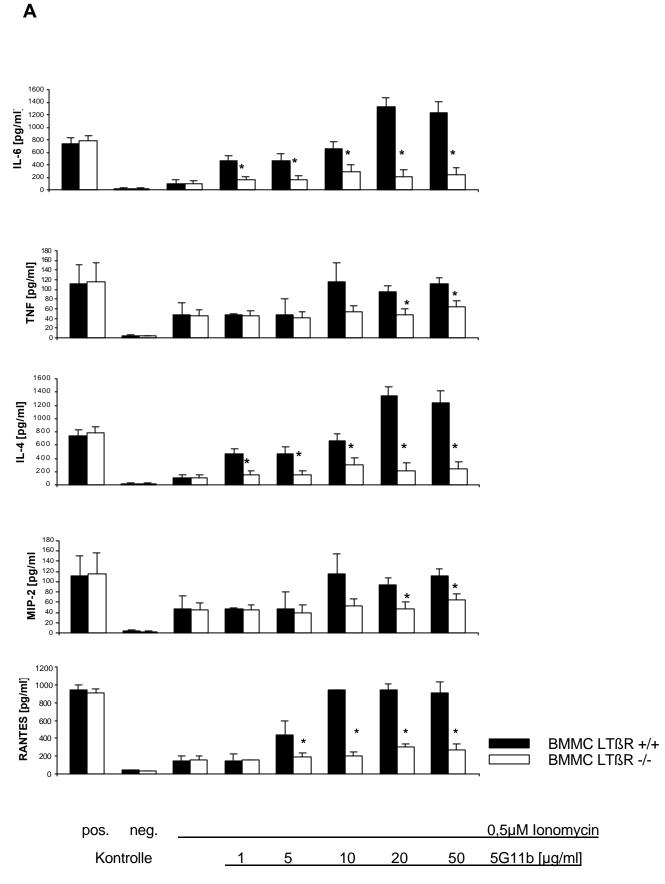
Es wurde untersucht, ob selektive Stimulierung des LTßR auf BMMC zur Freisetzung von Zytokinen führt. Denn es ist seit längerem bekannt, dass Aktivierung von Mastzellen nicht nur zur schnellen Freisetzung von Histamin und anderen präformierten Mediatoren führt, sondern auch zur Produktion von verschiedenen Zytokinen wie TNF, IL-6 oder Chemokinen wie RANTES (Henz, 2001).

4.7.3.1 Zytokinfreisetzung

BMMC, entweder aus LTßR+/+ oder LTßR-/- Mäusen stammend, wurden in Anwesenheit von 0,5µM Ionomycin mit anti-Maus LTßR monoklonalen Antikörper 5G11b aktiviert. Nach 24 h Kultivierung unter den angegebenen Bedingungen wurde im Zellkulturüberstand die Konzentration von verschiedenen Zytokinen bzw. Chemokinen (IL-4, IL-6, TNF, MIP-2 und RANTES) mit der Hilfe von spezifischen ELISAs quantifiziert. Abb. 4-43 A zeigt, dass zwischen den BMMC aus LTßR-/- bzw. LTßR+/+ Mäusen kein Unterschied in der generellen Fähigkeit zur Zytokinsekretion besteht. Hier konnten gleich hohe Zytokinkonzentrationen in den Zellkulturüberständen der BMMC, die mit der Positivkontrolle (2µM PMA und Ionomycin) behandelt wurden, festgestellt werden. Die Anwesenheit von 0,5µM Ionomycin war ausreichend, um BMMC zur Freisetzung von signifikant mehr IL-4, IL-6, TNF, MIP-2 und RANTES zu stimulieren, als diese spontan produzierten (Abb. 4-43 A). Durch gleichzeitige Zugabe von 5G11b und 0,5µM Ionomycin zu den BMMC, wurde eine dosisabhängige Zytokinfreisetzung von IL-4, IL-6, TNF, MIP-2 und RANTES aus den LTßR+/+ BMMC festgestellt. Dem gegenüber enthielten die Zellkulturüberstände der LTßR-/- BMMC bei gleicher Stimulation signifikant weniger der angegebenen Zytokine bzw. Chemokine (Abb. 4-43 A). Jedoch wurden die einzelnen Zytokine/Chemokine nicht in gleichem Maße freigesetzt. Vor allem MIP-2 wurde nur wenig von BMMC nach LTßR Aktivierung sezerniert (110-115 pg/ml nach Stimulation mit 20 und 50 µg/ml 5G11b); IL-4, IL-6, TNF und RANTES wurden in weit höherer Konzentration im Zellkulturüberstand gefunden. In der Abwesenheit von Ionomycin konnten BMMC durch 5G11b Stimulierung nicht zur Freisetzung von Zytokinen aktiviert werden (nicht gezeigt).

Fast das gleiche Ergebnis wie in 4-43 A zeigte sich in 4-43B. Hier wurden BMMC durch die Zugabe von mLIGHT, anstatt von 5G11b, bei gleichzeitiger Gabe von 0,5μM Ionomycin zur Freisetzung der Zytokine IL-4, IL-6, TNF und der Chemokine MIP-2 und RANTES aktiviert.

Auch hier zeigte sich, dass in der Abwesenheit von Ionomycin, keine Zytokinfreisetzung von BMMC durch die alleinige Gabe von mLIGHT zu erreichen war (nicht gezeigt).



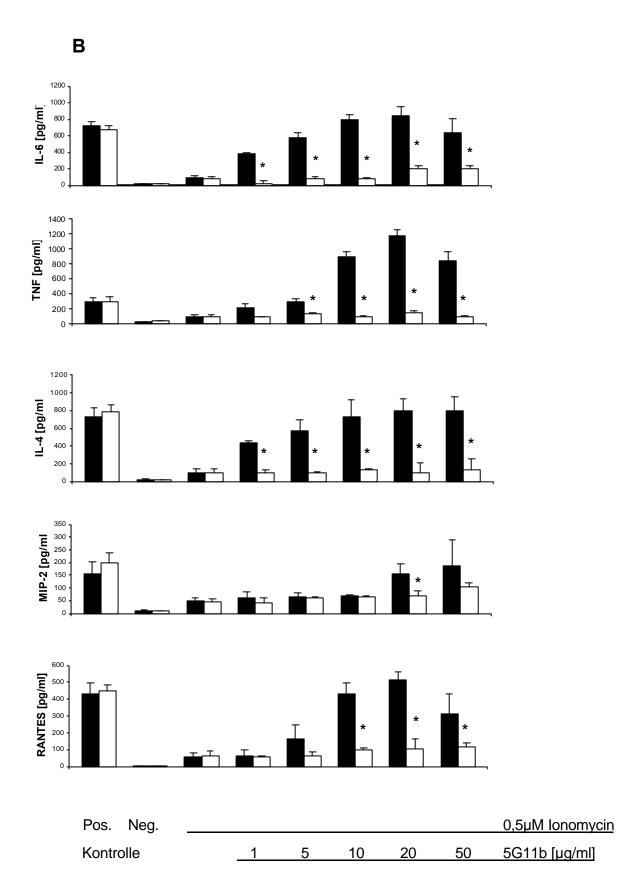


Abbildung 4-43: Zytokinsekretion von BMMC nach LTßR Stimulierung. BMMC, entweder LTßR+/+ oder LTßR-/-, wurden in der Gegenwart von $0.5\mu M$ lonomycin und steigenden Mengen an A) 5G11b bzw. B) mLIGHT stimuliert. Die freigesetzten Zytokine/Chemokine wurden mit Hilfe von ELISAs quantifiziert.

Die angegebenen Ergebnisse sind repräsentativ für vier voneinander unabhängig durchgeführte Experimente. Angegeben sind die Mittelwerte \pm STABW (n=3) der gemessenen Zytokinkonzentrationen. Statistische Signifikanz wurde mit dem Student's T-Test ermittelt.

4.7.3 Degranulation

Zur Untersuchung des Degranulationsverhaltens von BMMC nach LTßR-Stimulierung in Anwesenheit von 0,5µM Ionomycin wurde die Freisetzung von ß-Hexosaminidase gemessen, was einen sehr guten Marker für die schnelle, d.h. innerhalb von Minuten ablaufende, Freisetzung von präformierten Mediatoren aus BMMC darstellt.

Hierzu wurden BMMC, aus LTßR-/- oder LTßR+/+ Mäusen generiert, mit zunehmenden Mengen an 5G11b in der Anwesenheit von 0,5μM Ionomycin stimuliert. Die Stimulierung mit 5G11b hatte keinen Effekt auf die Freisetzung von β-Hexosaminidase aus BMMC. Es konnte bei allen Konzentrationen von zugesetztem 5G11b nur das Ausmaß an freigesetzter β-Hexosaminidase gemessen werden, das bereits durch 0,5μM Ionomycin allein ausgeschüttet wurde (Abb. 4-44). Jedoch wurde durch die Zugabe von 2μM PMA und Ionomycin, was als Positivkontrolle verwendet wurde, eine fast vollständige Degranulation der BMMC, sowohl LTßR+/+ als auch LTßR-/-, gemessen (Abb. 4-44). Dies zeigt, dass das Fehlen von LTßR auf BMMC nicht zu einem grundsätzlich verminderten Freisetzungsvermögen der BMMC von präformierten Mediatoren führt.

Die Zugabe von steigenden Mengen an mLIGHT zu BMMC, entweder LTßR+/+ oder LTßR-/-, in der Gegenwart von 0,5µM Ionomycin konnte keine LTßR spezifische Degranulation der BMMC induzieren (nicht gezeigt).

Die Stimulierung von BMMC mit 5G11b oder mLIGHT ohne zusätzliches Ionomycin führte zu keiner messbaren Degranulation von BMMC (nicht gezeigt).

Ergebnisse

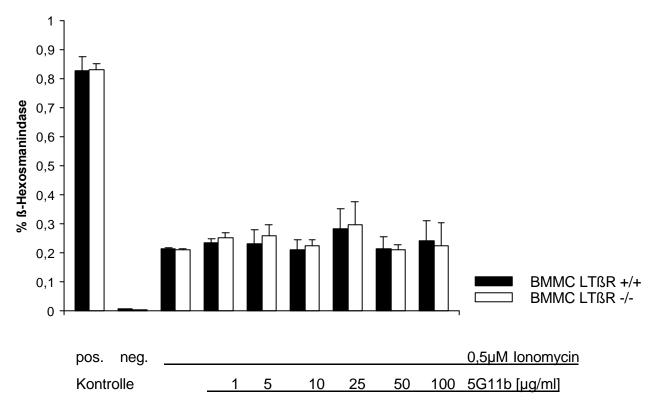


Abbildung 4-44:

4.7.4 Cokulturexperimente von BMMC mit aktivierten T-Zellen

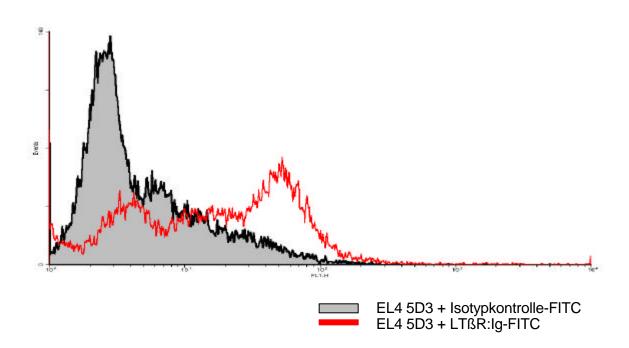
4.7.4.1 Zytokinfreisetzung aus BMMC

Die folgenden Experimente wurden immer in Cokultur von BMMC mit T-Zellen durchgeführt. Als T-Zellen wurden EL4 5D3, eine Maus T-Zelllinie, verwendet und zur Expression von LTα₁β₂/LIGHT für 14 h mit PMA und Ionomycin stimuliert (Browning, 1997). EL4 5D3 zeigten in der FACS Analyse mit LTßR:Ig-FITC zu 48% eine positive Expression der Liganden des LTßR nach 14stündiger Stimulation mit PMA und Ionomycin (Abb. 4-45 A). Die aktivierten EL4 5D3 wurden zu den BMMC, entweder aus LTßR+/+ oder LTßR -/- Mäusen, gegeben, und nach 24stündiger Cokultur wurde der Zellkulturüberstand auf die Zytokinkonzentration hin untersucht. Bei diesem Experiment wurden die aktivierten EL4 5D3 zusätzlich separat kultiviert um die Zytokinfreisetzung der aktivierten T-Zellen alleine messen zu können. Das Ausmaß an freigesetzten Zytokinen aus den separat kultivierten aktivierten EL4 5D3 wurde von den Zytokinkonzentrationen der Cokultur subtrahiert und nur die Differenz wurde in Abb. 4-45 B aufgetragen. Die aktivierten EL4 5D3 induzierten die Freisetzung von IL-4, IL-6, TNF, MIP-2 und RANTES aus den LTßR+/+ BMMC. Aber auch LTßR-/- BMMC konnten ein bestimmtes Ausmaß an Zytokinen nach Stimulierung mit aktivierten EL4 5D3 produzieren

Ergebnisse

(Abb. 4-45 B). Jedoch zeigte sich in der Zytokinfreisetzung der LTßR+/+ gegenüber den LTßR-/- BMMC ein signifikanter Unterschied von etwa 30-40%.

Α



В

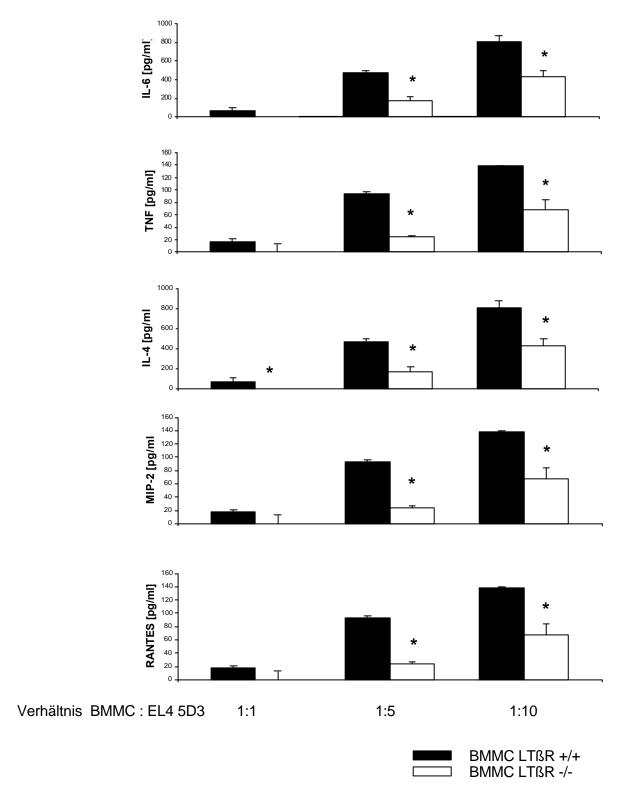


Abbildung 4-45:

Zytokinfreisetzung von BMMC nach Cokultur mit aktivierten EL4 5D3. A) FACS-Analyse von EL4 5D3, stimuliert mit je 500 ng/ml PMA und Ionomycin, auf Expression von LT α_1 β_2 /LIGHT mit LT β_2 R:Ig-FITC. B) Zytokinfreisetzung von BMMC nach 24stündiger Cokultur mit PMA/Ionomycin aktivierten EL4 5D3. Gezeigt sind Mittelwerte \pm STABW (n=3) der gemessenen Zytokinkonzentrationen. Die angegebenen Daten sind repräsentativ für drei unabhängig voneinander durchgeführte Experimente. Statistische Signifikanz wurde mit dem Student's T-Test ermittel.*p<0,05

Ergebnisse

4.7.4.2 Degranulation von BMMC

EL4 5D3 wurden mit PMA und Ionomycin stimuliert und anschließend mit Hilfe der Durchflußzytometrie mit LTßR:Ig-FITC auf die Expression der Liganden des LTßR untersucht. Dabei zeigte sich ein ähnliches Bild wie in Abb. 4-46 A. Die EL4 5D3 wurden mit BMMC, aus LTßR+/+ oder LTßR-/- Mäusen stammend, für 30 min cokultiviert und im Zellkulturübertand die Konzentration an freigesetzter ß-Hexosaminidase bestimmt. Der Vergleich an freigesetzter ß-Hexosaminidase aus LTßR+/+ bzw. LTßR-/- BMMC zeigte, dass der LTßR auf den BMMC keine Rolle bei der Degranulation der Mastzellen nach Zell-Zell Kontakt mit aktivierten T-Zellen spielt (Abb. 4-46). Der direkte Kontakt zwischen T-Zellen und BMMC führte zu keiner bedeutenden Degranulation, da nur 10% der gespeicherten ß-Hexosaminidase freigesetzt wurde.

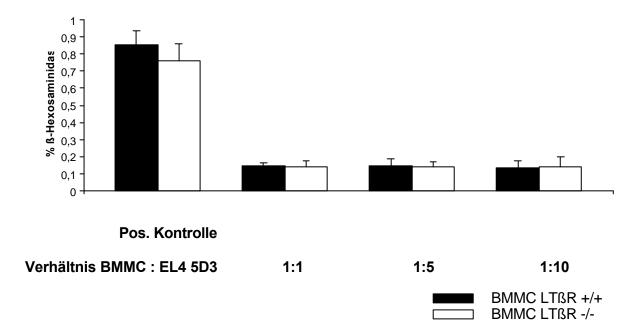


Abbildung 4-46:

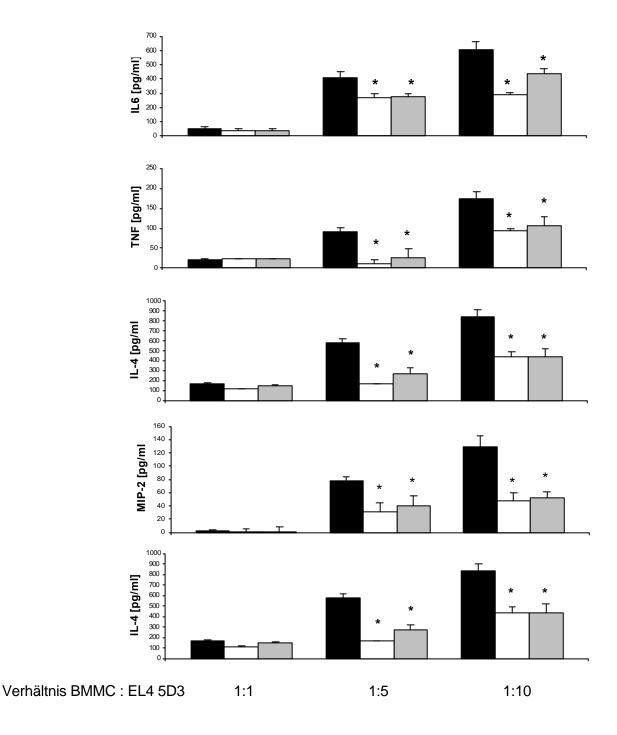
β-Hexosaminidase Freisetzung von BMMC nach Cokultur mit aktivierten EL4 5D3. BMMC, LT Ω R+/+ oder LT Ω R-/-, wurden mit EL4 5D3, die mit je 500ng/ml PMA und lonomycin für 14 h stimuliert wurden, im angegebenen Verhältnis für 30 min cokultiviert und die freigesetzte Ω -Hexosaminidase im Zellkulturüberstand gemessen. Als Positivkontrolle wurden die BMMC mit je 2 μ M PMA und lonomycin stimuliert. Angegeben ist die Freisetzung an Ω -Hexosaminidase in Ω 0 vom Gesamtgehalt an gespeicherter Ω -Hexosaminidase. Gezeigt sind Mittelwerte Ω 1 bie Daten sind repräsentativ für zwei unabhängig voneinander durchgeführte Experimente.

Ergebnisse

4.7.4.3 Zytokinfreisetzung von BMMC nach Blockade von LTa₁β₂/LIGHT auf der Oberfläche von aktivierten T-Zellen

EL4 5D3 Zellen wurden mit PMA und Ionomycin für 14 h stimuliert um die Expression von $LT\alpha_1\beta_2/LIGHT$ auf der Zelloberfläche zu induzieren, und anschließend für 4h mit $LT\beta R:Ig$ inkubiert, um das neu exprimierte $LT\alpha_1\beta_2/LIGHT$ selektiv zu blockieren. Nach sorgfältigen Waschen der EL4 5D3 wurden diese für 24 h mit $LT\beta R$ +/+ BMMC cokultiviert und der Zellkulturüberstand auf freigesetzte Zytokine untersucht. Parallel wurden PMA/Ionomycin aktivierte EL4 5D3, ohne $LT\beta R:Ig$ Inkubation, mit BMMC, sowohl $LT\beta R+/+$ als auch $LT\beta R-/-$, als Kontrolle cokultiviert. Abb. 4-47 zeigt, dass aktivierte EL4 5D3, die vor der Cokultur mit $LT\beta R+/+$ BMMC mit $LT\beta R:Ig$ inkubiert wurden, fast zur gleich niedrigen Zytokinfreisetzung aus BMMC führen, wie die Cokultur von aktivierten EL4 5D3 mit $LT\beta R-/-$ BMMC.

<u>Ergebnisse</u>



BMMC LTßR +/+ in Cokultur mit EL4 5D3

BMMC LTßR -/- in Cocultur mit EL4 5D3

BMMC LTßR +/+ in Cokultur mit LTßR:Ig inkubierten EL4 5D3

Abbildung 4-47:

Vorbehandlung von aktivierten EL4 5D3 mit LTßR:lg vor der Cokultur mit BMMC führt zu einer verminderten Zytokinfreisetzung von BMMC. EL4 5D3 Zellen werden für 14 h mit jeweils 500 ng/ml PMA und lonomycin zur Expression von LT α_1 β_2 /LIGHT aktiviert. Die so aktivierten EL4 5D3 werden entweder zu LTßR+/+ (Positivkontrolle) oder LTßR-/- (Negativkontrolle) BMMC gegeben. Zusätzlich werden aktivierte El4 5D3 für 4 h mit LTßR:lg (20ng/ml) vorinkubiert und anschließend für 24 h mit LTßR+/+ BMMC cokultiviert. Die Zytokinkonzentrationen wurden durch spezifischen ELISAs gemessen. Angegeben sind Mittelwerte \pm STABW (n=3) der Zytokinkonzentrationen. Die angegebenen Daten sind repräsentativ für zwei unabhängig voneinander durchgeführte Experimente.*p<0,05.

5.1 Auswirkungen einer LTßR:lg- Behandlung bei gesunden Mäusen

Eine fünftägige Behandlung mit LTßR:lg von Mäusen mit akuter bzw. chronischer DSSdurchgeführt, induzierter Colitis wurde um zu untersuchen, wie sich Entzündungsparameter des Darmes verhalten. Bei gesunden Mäusen verursachte die Behandlung mit LTßR:Ig im Vergleich zur Gabe von humanem IgG keine signifikanten Unterschiede hinsichtlich Histologie, histologischen Scoring, Gewichtsverlust, MPO-Aktivität oder Dickdarmlänge. Der histologische Score bzw. die MPO-Aktivität befanden sich auf einem sehr niedrigen Niveau, verglichen mit Werten, die bei Mäusen mit akuter bzw. chronischer Colitis gefunden wurden. Lediglich der Lymphfollikel-Score ließ eine Tendenz zur Verringerung durch LTßR:Ig-Gabe finden, die statistisch jedoch nicht signifikant war. Auch eine verminderte IL-6-Produktion von mesenterialen Lymphozyten wurde nach LTßR:lg-Behandlung gefunden, die jedoch auch nicht signifikant war.

Etwa 20% der mesenterialen Lymphozyten gesunder Mäuse waren positiv für LTßR-Liganden. Interessanterweise waren vor allem B-Zellen LT α_1 ß $_2$ -bzw. LIGHT-positiv, was zu dem Befund passt, dass die Interaktion von LT α_1 ß $_2$ auf B-Zellen mit LTßR auf Stromazellen für die Wanderung von B-Zellen in die Lamina Propria verantwortlich ist (Newberry, 2002). Dies erklärt auch, warum eine LTßR:Ig-Behandlung zu einer Verringerung der Zahl und Größe der Darm-Lymphfollikel führt, die im wesentlichen aus B-Zellen bestehen (Spahn, 2003).

5.2 Die Rolle der LTßR- Aktivierung in der DSS- induzierten Colitis

Mit dem Modell der DSS induzierbaren Colitis in der Maus (Okayasu, 1990), durch das entweder eine akute oder chronische Form der Colitis in Mäusen induziert werden kann, wurde die Rolle der LTßR-Aktivierung untersucht.

5.2.1 Die Rolle der LTßR-Aktivierung in der akuten Phase der DSSinduzierten Colitis

Die akute Phase der DSS-induzierten Colitis ist vor allem durch eine Konzentrations- und Zeit-abhängige Toxizität von DSS gegen intestinale Epithelzellen (Ni, 1996) gekennzeichnet. Normalerweise stellt das intakte Darmepithel eine relativ undurchdringliche Barriere dar; eine Verletzung der Epithelzellen durch DSS resultiert jedoch in einer Permeabilitätserhöhung. Bakterien und bakterielle Produkte können dann in die verletzte Mukosa und Submukosa einwandern und eine Entzündung auslösen, die im akuten Fall überschießen bzw. aus noch

nicht geklärten Gründen, chronisch werden kann. Dieser Vorgang der unkontrollierten Immunantwort gilt als einer der wesentlichen auslösenden Gründe für die akute DSS-induzierte Colitis. Es gibt Hinweise, dass die intestinale bakterielle Flora eine entscheidende Rolle bei der Initiation und Perpetutation entzündlicher Darmerkrankungen spielt (Sartor, 1990,1992, 1997, 1997), und dass Colitis Ulcerosa nicht durch pathogene Organismen ausgelöst wird, sondern aus einer abnormalen Immunantwort auf einen ansonsten nichtpathogegen Stimulus resultiert (Sartor, 1997; Sartor, 1997).

In der vorliegenden Arbeit wurde gezeigt, dass die Hemmung der LTßR-Aktivierung in der akuten DSS-induzierten Colitis zu einer signifikanten Verschlimmerung der Entzündung führte. Sowohl eine fünftägige Behandlung mit LTßR:Ig während der Induktion der Colitis, als auch die Verwendung von LTßR -/- Mäusen im Modell der akuten DSS-induzierten Colitis, zeigten, dass gemessen an verschiedenen Parametern wie Histologie, histologischen Score, Lymphfollikel-Score, Gewichtsverlust, MPO-Aktivität und Dickdarmlänge, die Hemmung von LTßR-Aktivierung bzw. die LTßR-Abwesenheit mit einer verstärkten akuten Entzündungsreaktion einhergeht.

Die Verschlimmerung der Entzündung nach Hemmung der LTßR-Aktivierung konnte besonders histologisch sehr gut festgestellt werden. Dabei wurde als Kontroll-Behandlung humanes IqG und als Positiv-Kontrolle anti-TNF-Therapie verwendet. Von der anti-TNF-Therapie war die Auswirkung in der akuten DSS-induzierten Colitis bereits bekannt. Neutralisierung von TNF erhöhte den Schweregrad der akuten Entzündung signifikant (Kojouharoff, 1997). Die schützende Wirkuna in der akuten Phase Entzündungsreaktion, die auf inflammatorischen Zytokinen wie z.B. TNF beruht, zeigt sich auch darin, dass eine Hemmung der Produktion von inflammatorischen Zytokinen durch Steroide ebenfalls zu einer signifikanten Verschlimmerung der Entzündung führte (Kojouharoff, 1997). Murthy et al (1993) kamen zu ähnlichen Ergebnissen: Mäuse mit akuter DSS-induzierter Colitis wurden mit Cyclosporin A-Einläufen, behandelt was wiederum zu einer Erhöhung des Schweregrades der Colitis führte. Zusammenfassend zeigt dies die Wichtigkeit der geregelten Produktion von proinflammatorischen Zytokinen in der akuten Phase der Colitis.

Der vorherrschende Zelltyp bei dem akuten Entzündungsprozess sind dabei polymorphkernige neutrophile Granulozyten, die nicht nur für die Aufnahme und Zerstörung von extrazellulären Mikroorganismen, vor allem Bakterien, sondern auch für die Aktivierung anderer Zellen des Immunsystems verantwortlich sind (Domek, 1995). Ein Maß für die Neutrophileninfiltration ist die MPO-Aktivität (Bradley, 1982). Wie die erhöhte MPO-Aktivität in Darmbiopsien von Mäusen mit akuter Colitis verglichen mit gesunden Mäusen zeigt, ist die Neutrophileninfiltration in das Dickdarmgewebe ein charakteristisches Merkmal der DSS-induzierten akuten Colitis bei der Maus. Sowohl durch eine Behandlung mit LTßR:lg wie mit

anti-TNF konnte eine signifikante Zunahme der MPO-Aktivität beobachtet werden, was die Ergebnisse der Histologie bestätigte.

Die Wichtigkeit der neutrophilen Granulozyten in der akuten Phase der Colitis zeigt sich darin, dass sich auch in SCID Mäusen, denen reife T- und B-Zellen fehlen, eine DSS-induzierte akute Colitis entwickelt (Dieleman, 1994; Axelsson, 1996). Im distalen Dickdarm von Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis wurde auch keine vermehrte Expression von LTα/LTβ/LIGHT, was normalerweise für aktivierte T- und B-Zellen charakteristisch ist, im Vergleich zu gesunden Mäusen gefunden (Agyekum, 2003; Browning, 1995; Browning, 1997; Gramaglia, 1999).

Die Expression von LTßR scheint während der akuten Phase der Colitis ebenfalls nicht reguliert zu sein. Dies stimmt mit Daten aus der Literatur überein, wo der Einfluss von IFNy auf die LTßR-Expression in WI38VA13-Zellen (humane Fibroblastenzellline), A375 (humane Melanomzelllinie) und U937 (humane monozytäre Zellinie) getestet wurde. Dabei konnte keine Beeinflussung der LTßR-Expression festgestellt werden, was auf eine konstitutive Expression von LTßR hinweist (Degli-Esposti, 1997).

Die regulierte Immunantwort gegen die durch DSS-Gabe hervorgerufene Entzündung ist wichtig, um den Organismus gegen Translokation von Bakterien und bakterielle Produkte zu schützen. In anderen Colitis-Modellen (Mackay, 1998; Dohi, 2001; Spahn, 2002), wie auch in der vorliegenden Arbeit wurde die Wichtigkeit des TNFR- und des LTßR/LT-Liganden-Systems an Entzündungsreaktionen im Darm gezeigt. Dabei hemmt die Neutralisierung von TNF in der akuten DSS-induzierten Colitis die Entzündungsreaktion und damit die antibakterielle Immunantwort direkt. Demgegenüber beeinflusst die Blockade der LTßR-Aktivierung die Immunantwort eher indirekt, nämlich durch eine Erhöhung der Entzündungsreaktion.

Ein wichtiger Teil der Regulation der Immunantwort im Dickdarm findet in den Lymphfollikeln der Dickdarmmukosa ("colonic patches") statt. Durch Gabe von LTßR:lg während der akuten Phase der Colitis konnte eine Erhöhung des Lymphfollikel-Scores und auch eine Vergrößerung der Lymphfollikel im Dickdarm festgestellt werden. In LTßR-/- Mäusen wurde dieses Ergebnis bestätigt: Auch hier zeigte sich ein signifikant erhöhter Lymphknoten Score verglichen zu WT Mäusen mit akuter DSS-induzierter Colitis. Dies lässt vermuten, dass es in der Mucosa einen LT/LTßR-unabhängigen Weg zur Bildung von lymphoiden Strukturen geben muss, der vor allem bei der akuten intestinalen Entzündung zum Tragen kommt. Bisher waren in Mäusen mit defektem LT/LTßR-System funktionelle Störungen in der Ausbildung bzw. Aufrechterhaltung von sekundären lymphatischen Organen beobachtet worden, was sich in einer reduzierten Entwicklung von Lymphknoten, zerstörter Struktur der Milz und der Keimzentren, die Abwesenheit von FDC-Netzwerken und gestörten Antikörper-

Antworten zeigte (Mackay, 1997; Futterer, 1998; Banks, 1995; Koni, 1997; Endres, 1999; Ettinger, 1996; Mackay, 1998; Rennert, 1998).

Während die Ergebnisse der vorliegenden Arbeit entstanden, wurde ebenfalls eine Verstärkung der Entzündung während der akuten Colitis in Mäusen mit gestörtem LT-System in zwei verschiedenen Modellen gezeigt (Spahn, 2002; Dohi, 2001). Im ersten wurde auch das Modell der akuten DSS-induzierten Colitis an LTα -/- Mäusen bzw. Mäusen, die in utero mit LTßR:Ig behandelt wurden, verwendet. Bei diesen Mäusen entwickeln sich, im gesunden Zustand, keine Peyer's Patches bzw. mesenteriale Lymphknoten. In der akuten Phase der Colitis wurde jedoch eine signifikante Verschlimmerung der Entzündung und auch eine vermehrte Bildung von colonic patches beobachtet. Die Autoren schließen aus ihren Ergebnissen, dass das Vorhandensein von organisiertem intestinalem Lymphgewebe vor dem Auslösen der Colitis einer Verschlimmerung der Colitis entgegenwirkt, wohingegen die de novo geformten lymphoiden Strukturen die Ausbildung der Entzündung eher vorantreiben. Dies wird durch die vorliegenden Ergebnisse bestätigt, da in LTßR-/-, die keine mesenterialen Lymphknoten besitzen, eine Verschlimmerung der Entzündung während der akuten Phase der DSS-induzierten Colitis und eine erhöhte Anzahl von colonic patches gefunden wurde. Dies ist besonders interessant, weil die neu gebildeten Lymphfollikel im Dickdarm vor allem aus B-Zellen bestehen (Spahn 2002). In der vorliegenden Arbeit als auch von Agyekum et al (2003) wurde jedoch gezeigt, dass es vor allem B-Zellen sind, die $LT\alpha_1\beta_2/LIGHT$ exprimieren. Da jedoch die Interaktion von B-Zellen über $LT\alpha_1\beta_2$ mit LTßR auf Stromazellen für die Wanderung von B-Zellen in die Lamina Propria verantwortlich gemacht werden (Newberry, 2002), ist der Mechanismus, durch den die B-Zellen während der akuten Entzündung zur Bildung von vergrößerten lymphoiden Strukturen in der Lamina Propria führen, noch völlig unklar.

In einem zweiten Modell wurde die durch TNBS-induzierte Colitis in Mäusen ohne colonic patches untersucht. Dabei wurden Mäuse *in utero* mit LTßR:Ig vorbehandelt, was zu einer Rückbildung der Lymphfollikel im Dickdarm führte. Im Unterschied zur vorliegenden Arbeit wurde jedoch in der TNBS-induzierten Colitis kein vermehrtes Auftreten von colonic patches gefunden. Dieser Unterschied kann am experimentellen Model der TNBS-induzierten Colitis liegen, welches eher eine klassische Überempfindlichkeitsreaktion vom verzögerten Typ ist, was den Vergleich des TNBS-Modells mit anderen Colitis-Modellen erschwert. Mäuse ohne Lymphfollikel im Dickdarm hatten jedoch ebenfalls ein signifikant vermehrtes entzündliches Infiltrat während der TNBS-induzierten Colitis, das vor allem aus polymorphkernigen Leukozyten bestand. Dies erhärtet die Theorie, dass sich eine intestinale Entzündung, entweder in Folge einer DSS- oder einer TNBS-Gabe, in der Abwesenheit von normal strukturierten sekundären lymphatischen Strukturen viel heftiger entwickelt.

Dies wird auch durch die Daten der quantitativen PCR gestützt, die eine vermehrte Expression von IL-1ß, IL-6 und TNF nach der Behandlung der akuten DSS-induzierten Colitis mit LTßR:Ig aufzeigt. Auch in LTßR-/- Mäusen wurde ein vermehrtes Auftreten von IL-6 mRNA in der akuten Phase der Colitis beobachtet. Dies deutet auf eine ungenügende Gegenregulation der mukosalen Entzündung durch die Hemmung der LTßR-Aktivierung hin. Zusätzlich wurden auch erhöhte Werte an IL-6, TNF und MIP-2 im Zellkulturüberstand von mesenterialen Lymphozyten, die aus LTßR:Ig behandelten Mäusen stammten, gefunden.

Die *de novo* Bildung von colonic patches, die durch eine DSS-induzierte Entzündung hervorgerufen bzw. verstärkt wurde, ist, wie bereits oben beschrieben, vom LTßR/LT-Liganden System unabhängig. Demgegenüber scheint es, dass intakt organisierte intestinale lymphoide Strukturen fähig sind, die Heftigkeit der Entzündung abzuschwächen, da in WT bzw. unbehandelten Mäusen mit akuter Colitis die Entzündung jeweils signifikant reduziert war.

Die Wechselwirkung von Zellen, die normal in den mukosalen lymphoiden Strukturen vorhanden sind, scheinen diese Antwort auf eine intestinale Entzündung zu steuern. Vor allem Makrophagen und dendritische Zellen erfüllen diese Aufgabe. Beide Zelltypen sind für das LTßR/LT-Liganden System von besonderer Bedeutung (Browning, 1997; Dohi, 2001; eigene unveröffentlichte Ergebnisse). Besonders dendritische Zellen sind eine wichtige Quelle für IL-10 (Iwasaki, 1999), das als antiinflammatorisches Zytokin bekannt ist. Die durch Interaktion zwischen LTα₁β₂ und LTßR induzierte Chemokinproduktion ist für die Besiedlung von sekundären lymphoiden Organen mit dendritischen Zellen absolut notwendig (Abe, 2003). Zusätzlich wurde gezeigt, dass die Behandlung mit LTßR:lg die Anzahl von dendritischen Zellen in Peyer's Patches verringert (Dohi, 2001). Außerdem ist seit einigen Jahren bekannt, dass Gabe von LTßR:lg die Strukturen von FDC in der Milz und in Lymphknoten zurückbilden kann (Endres, 1999; Mabbott, 2000; Mackay, 1998; Murphy, 1998; Prinz, 2002; Wang, 2001). Das Überschiessen der Entzündung während der akuten Phase der DSS-induzierten Colitis wird zum Teil auf einen Toleranz-Verlust gegenüber der normalen Darmflora zurückgeführt, als Folge des Fehlens von normalerweise in colonic patches anwesenden regulatorisch wirkenden Zellen. Ein Toleranz-Verlust gegenüber Protein aus dem Darmlumen nach Behandlung mit LTßR:lg in utero wurde bereits in einer Publikation beschrieben (Fujihashi, 2001).

Dies erklärt warum die Blockade der LTßR-Aktivierung einen gänzlich anderen Wirkmechanismus zeigt als die Neutralisierung von TNF. Die Verstärkung der Entzündung der akuten DSS-induzierten Colitis nach anti-TNF-Behandlung ist auf das Unvermögen, eine protektive entzündliche Reaktion gegen in die Mukosa eindringenden Bakterien einzuleiten, zurückzuführen. Im Gegensatz dazu basiert die überschießende Entzündungsreaktion in der akuten Phase der Colitis nach LTßR-Blockade nicht auf einer direkten Hemmung einer

entzündlichen Reaktion, sondern greift in die Regulation der sekundären lymphatischen Organe des Darmes ein. Dadurch wird eine kontrollierte Reaktion gegen eindringende Bakterien bzw. bakteriellen Bestandteile nicht mehr möglich und es kommt zum Überschießen der Entzündungmit entsprechender Gewebszerstörung.

5.2.2 Die Rolle der LTßR-Aktivierung in der chronischen Phase der DSSinduzierten Colitis

Die chronische DSS-induzierte Colitis unterscheidet sich in ihrer Manifestation von der akuten Form in vielerlei Hinsicht. Sie ist nicht direkt von Bakterien bzw. bakteriellen Bestandteilen, die aus dem Darmlumen in die Mukosa eindringen, abhängig. Vielmehr zeigt sich in der chronischen Phase der DSS-induzierten Colitis ein weitgehend regeneriertes Epithel, das eine funktionierende Barriere für die Bakterien im Darmlumen darstellt. Darüber hinaus besteht das entzündliche Infiltrat in großem Maße aus T-Zellen und nur zu einem geringen Teil aus neutrophilen Granulozyten. Die Chronizität der Colitis äußert sich dadurch, dass die T-Zellen unabhängig von Antigen aus dem Darmlumen aktiviert werden.

Behandlung von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis mit LTßR:Ig hatte eine Reduktion der Entzündung zur Folge. Dieser Effekt war einer anti-TNF-Therapie vergleichbar, die in der chronischen Form der Colitis ebenfalls die Entzündung im Dickdarm vermindert (Powrie, 1994; Neurath, 1997; Present, 1999; Kojouharoff, 1997).

Ebenso zeigte sich in LTßR-/- Mäusen, denen eine chronische Colitis induziert wurde, eine verminderte Entzündung im Vergleich zu WT Mäusen. Dies konnte durch die Parameter wie Histologie, histologischer Score, Lymphfollikel-Score, MPO-Aktivität und Dickdarmlänge belegt werden. Dabei erreichten die Dickdarmlängen der LTßR:Ig behandelten Tiere mit chronischer Colitis fast schon wieder die Länge von gesunden Mäusen. Da es sich bei der chronischen DSS-induzierten Colitis um eine T-Zell-abhängige Krankheit handelt, konnte nur ein geringes Ausmaß an MPO-Aktivität in den Dickdarmbiopsien gemessen werden, die durch Gabe von LTßR:Ig bzw. anti-TNF-Behandlung noch verringert wurde.

Bei der Bestimmung des Lymphkfollikel-Scores zeigte sich ein wichtiger Unterschied zwischen der LTßR:Ig-Behandlung und der anti-TNF-Gabe. Während die Behandlung mit LTßR:Ig den Lymphfollikel-Score signifikant vermindern konnte, war bei der anti-TNF-Behandlung kein Effekt in Vergleich zur mit humanen IgG behandelten Gruppe feststellbar. In LTßR-/- Mäusen mit chronischer Colitis wurden keine lymphoiden Strukturen in der Dickdarmmukosa beobachtet. Dieses Ergebnis stellt die umgekehrte Situation im Vergleich zur akuten Form der Colitis dar, wo eine Erhöhung des Lymphfollikel-Scores durch LTßR:Ig-Behandlung gemessen wurde. Während es bei akuten Entzündungen des Dickdarms einen LTßR/LT-Liganden unabhängigen Weg zur Bildung von sekundären lymphatischen Organen zu geben scheint, ist in der chronischen Form der Colitis die Bildung von lymphoiden

Strukturen in hohem Maße vom der Interaktion von $LT\alpha_1\beta_2$ mit $LT\beta R$ abhängig. Eine ähnliche Wirkung kann man in der gesunden Maus erkennen, in der durch $LT\beta R$:Ig-Gabe der Lymphfollikel-Score zwar nicht signifikant, aber doch tendenziell vermindert wurde. Dies wird auch durch Daten in der Literatur unterstützt: Es ist bekannt, dass für die Organogenese von Lymphknoten die Chemokine BLC, ELC und SLC eine essentielle Rolle spielen (Honda, 2001) und, dass $LT\alpha_1\beta_2$ wichtig für die Regulation der BLC-, ELC- und SLC-Expression im lymphatischen Gewebe ist (Ngo, 1999). Eine weitere Arbeit wies einen Regelkreis zwischen $LT\alpha_1\beta_2/LT\beta R$ und BLC-Expression mit positiver Rückkopplung nach (Ansel, 2000). Dieser Regelkreis sorgt dafür, dass zirkulierende B-Zellen durch BLC in Richtung der B-Zellfollikel gelockt werden. Gleichzeitig wird die $LT\alpha_1\beta_2$ -Expression dieser B-Zellen durch BLC gesteigert. BLC selbst wird durch $LT\beta R$ -Aktivierung auf FDC durch aktivierte B-Zellen produziert. Diese positive Rückkopplung ermöglicht im während einer Immunantwort eine rasche Expansion des follikulären Kompartiments. Derselbe Mechanismus wirkt vermutlich auch bei der Bildung von Lymphknoten und Peyer's Patches, wo B-Zellen aus der Umgebung durch BLC angelockt werden (Luther, 2000).

Die Expression von ELC und SLC ist für die Rekrutierung von naiven T-Zellen zuständig. SLC ist vor allem auf Gefäßen mit hohem Endothel in Lymphknoten und Peyer's Patches zu finden (Gunn, 1998; Hedrick, 1997; Tabane, 1997), wohingegen ELC von dendritischen Zellen der T-Zell-Zone gebildet wird (Ngo, 1998). Die Abhängigkeit der SLC- und BLC-Produktion von LT α_1 ß $_2$ wurde auch durch Hjelmstrom et al (2000) bestätigt. Durch Blockade der LTßR-Aktivierung, wird der oben beschriebene Weg unterbrochen und die Ausbildung von lymphatischen Strukturen wird unterbunden. Das vollständige Fehlen von colonic patches in Dickdärmen von LTßR-/- Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis unterstreicht die Abhängigkeit der Neuanlage von lymphoiden Strukturen von der LTßR-Aktivierung. Da auch TNF einen Einfluss auf die BLC- und ELC-Produktion hat, war es verwunderlich, dass nach Behandlung von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis keine Verringerung der Anzahl von Lymphfollikel im Dickdarm festzustellen war.

Die angesprochenen Chemokine stellen die Verbindung zwischen der embryonalen Lymphogenese und chronischer Entzündung bzw. Autoimmunerkrankung dar (Sacca, 1995). So wurden beispielsweise im Thymus von Patienten mit Myasthenia Gravis Lymphfollikel und Keimzentren gefunden (Mooij, 1993). Ähnliche Strukturen wurden auch in den Gelenken von Patienten mit rheumatoider Arthritis beobachtet (Canella, 1990). Im Typ I Diabetes-Mausmodell ging der Zerstörung der ß-Zellen des Pankreas die Ausbildung von Lymphfollikeln voraus (Faveeuw, 1994). Hieraus lässt sich erkennen, dass chronische Entzündung bzw. Autoimmunerkrankungen mit lymphoider Neogenese einhergeht.

Die Entzündung während der chronischen DSS-induzierten Colitis wird von erhöhten mRNA Werten der inflammatorischen Zytokine IL-1ß, IL-6 und TNF begleitet. Demgegenüber war

das Niveau der mRNA-Werte für IL-1ß, IL-6 und TNF nach LTßR:Ig-Behandlung signifikant verringert, was einen viel niedrigeren Grad der Entzündung in den Dickdärmen der LTßR:Ig behandelten Mäuse anzeigt. Auch mesenteriale Lymphozyten von LTßR:Ig behandelten Mäusen mit chronischer Colitis produzierten geringere Mengen IL-6, TNF und MIP-2, im Vergleich mit jenen aus Kontroll-Mäusen. Dies zeigt, dass die Lymphozyten der LTßR:Ig-Gruppe weniger aktiviert waren, was auf die Rückbildung von dendritischen Zellen bzw. von FDC nach LTßR:Ig-Behandlung zurückzuführen ist (Dohi, 2001; Endres, 1999; Mabbott, 2000; Mackay, 1998; Murphy, 1998; Prinz, 2002; Wang, 2001).

Möglicherweise verändern aktivierte Lymphozyten über $LT\alpha_1\beta_2/LIGHT$ -Interaktion mit LTßR-tragenden Zellen die Produktion regulatorischer Faktoren wie z.B. von Chemokinen oder Adhäsionsmolekülen. Auch in zwei anderen, T-Zell-Transfer-abhängigen Colitis-Modellen verringerte LTßR:Ig-Behandlung die Symptome. Dabei handelte es sich um das CD45RB^{high} Modell, in dem SCID Mäuse mit CD4 $^+$ T-Zellen rekonstituiert wurden und im zweiten Modell wurden T-Zellvorläufer in T-Zell/NK-Zell-defiziente $tg\epsilon 26$ Mäuse transferiert. Dies demonstriert, dass LTßR:Ig-Behandlung auch eine entscheidende Rolle bei T-Zellvermittelten Funktionen spielt (Mackay, 1998). Aufgrund dieser Daten lässt sich folgern, dass LTßR-Aktivierung den Verteilungs-Prozess von Lymphozyten beeinflusst, vor allem in Mukosa-assoziierten lymphoiden Gewebe.

Während der chronischen DSS-induzierten Colitis war mRNA für LTß, dem Hauptbestandteil von $LT\alpha_1\beta_2$, hochreguliert. Auch in Biopsien von Patienten mit CED wurde eine erhöhte Expression von LTß auf CD4+-Lymphozyten und Plasmazellen gefunden (Agyekum, 2003). Zusätzlich wurden vermehrt die Liganden des LTßR auf CD4⁺, CD8⁺ und B220⁺ Zellen aus mesenterialen Lymphknoten von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis gefunden. Da dies durch Bindung von LTßR:Ig-FITC gezeigt wurde, ist es nicht möglich zwischen LTα₁β₂ und LIGHT zu unterscheiden. Im Anbetracht der PCR-Daten ist anzunehmen, dass es sich dabei vor allem um das vermehrte Auftreten von LTa₁β₂ handelt. An mesenterialen Lymphozyten wurde eine Steigerung der LTßR-Liganden-Bindung um etwa 50% festgestellt. Dabei verdoppelte sich die LTßR-Ligand Expression auf CD4⁺ und CD8⁺ Zellen, bei B220⁺ Zellen stieg sie in etwa um 35%. Vor allem die Induzierbarkeit der Ligandenmoleküle LTα und LTß wurde in der Literatur beschrieben (Browning, 1991; Millet, 1994; Pauli, 1994). Auch auf durch OKT3/IL-2-aktivierten CD4⁺ und CD8⁺ T-Zellen und NK-Zellen konnten die Ligandenmoleküle nachgewiesen werden (Ohshima, 1999; Ware, 1992 und 1995; Mapara, 1994; Abe, 1992; Yasukawa, 1993), wobei auf aktivierten T-Zellen $LT\alpha_1\beta_2$ die vorherrschende Form darstellt (Androlewicz, 1992; Browning, 1995). Auch periphere naive T-Zellen exprimieren nach Peptid/MHC-Aktivierung des T-Zellrezeptors ohne weitere LT α /ß (Gramaglia, 1999). Eine Beteiligung von NF κ -B und Ets-Costimulation Transkriptionsfaktoren wurde für die PMA-Induktion von LTß beschrieben (Pokholok, 1995;

Kuprash, 1996). Es zeigt sich generell durch das verstärkte Vorkommen von LTß in der chronischen Colitis die Abhängigkeit dieser Krankheit von aktivierten T-Zellen. Das Ausmaß an LTß auf T-Zellen korreliert mit dem Ausmaß der Entzündung bei CED.

Dagegen konnte keine vermehrte LIGHT-Expression in Dickdarm von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis gefunden werden. Daher scheint es, dass LIGHT einen geringeren Anteil als LTß an der Entwicklung und Manifestation der chronischen Colitis hat. Dieses Ergebnis ist wichtig, da LIGHT als costimulatorisches Molekül für T-Zell-Aktivierung beschrieben wurde. In der gleichen Publikation wurde durch LIGHT-Überexpression in Mäusen eine spontane Entwicklung einer intestinalen Entzündung beobachtet (Wang, 2001). Im Modell der DSS-induzierten Colitis scheint LIGHT jedoch eine untergeordnete Rolle zu spielen.

In Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis wurde nach LTßR:Ig-Behandlung weniger MadCAM-1 gefunden. Auch in LTßR-/- Mäusen, die eine chronische Colitis entwickelt hatten, konnte nur wenig MadCAM-1 festgestellt werden. Dies bestätigt Ergebnisse, dass die MadCAM-1-Expression in der Milz von der LTßR-Aktivierung abhängig ist (Mackay, 1997; Gonzales, 1998; Alimzhanov, 1997). Eine reduzierte MadCAM-1-Expression nach LTßR:Ig-Gabe, wurde auch in Peyer's Patches (Debard, 2001) und in cervikalen Lymphknoten (Rennert, 1997) gefunden. Dagegen war nach LTßR:Ig-Behandlung PNAd im Dickdarm von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis nicht vermindert. Es gibt jedoch Berichte, wonach PNAd-Expression abhängig von LTßR-Aktivierung in verschiedenen Geweben unterschiedlich reguliert zu sein scheint (Cuff, 1998; Cuff, 1999).

Sowohl im CD45RB^{high} T-Zell-Transfer-Modell (Picarella, 1997) als auch in der chronischen DSS-induzierten Colitis (Kato, 2000) wurde gezeigt, dass MadCAM-1 entscheidend an der Ausbildung der Colitis beteiligt ist. Adhäsionsmoleküle, wie MadCAM-1, regulieren den Influx von Lymphozyten in den gesunden bzw. entzündeten Darm. Vor allem MadCAM-1 ist spezifisch für das gastrointestinale Endothel. Jedoch werden auch Adhäsionsmoleküle wie ICAM-1, VCAM-1 und PNAd in der intestinalen Mukosa gefunden (VanAsche, 2002; Farkas, 2001; Connor, 1999). Adhäsionsmoleküle sind auch an der lokalen Lymphozytenstimulation und Antigenpräsentation in der intestinalen Mukosa beteiligt (VanAsche, 2002). Daher verwundert es nicht, dass die Hemmung von Adhäsionsmolekülen wie z.B. MadCAM-1, zu einer eindeutigen Reduktion der Entzündung in experimentellen Colitis-Modellen führte (VanAsche, 2002), was auch für das chronische DSS-induzierte Modell gilt (Kato, 2000). Weiterhin zeigte die Neutralisation von α_4 B₇-Intregrin, dem MadCAM-1 Liganden, oder von α_4 -Integrin alleine eine signifikante Milderung der Colitis (VanAsche, 2002; Watanabe, 2002), was die wichtige Rolle von MadCAM-1 in der Entwicklung der Colitis weiter unterstreicht.

Um die Lymphozyten-Endothel Wechselwirkungen und die Lymphozyten Auswanderung in die Mukosa und Submukosa während der chronischen intestinalen Entzündung

quantifizieren zu können, wurde daher die Methode der in vivo Fluoreszenzmikroskopie benutzt (Farkas, 2001). Durch Verwendung dieser Methode wurde deutlich, dass eine durch LTßR:Ig hervorgerufene reduzierte MadCAM-1-Expression mit signifikant geringerem Rollen und Anhaften von Lymphozyten am intestinalen Endothel einhergeht. Darüber hinaus wurde verminderte Extravasation von Lymphozyten in die entzündete Mukosa gefunden. Es gibt neben MadCAM-1 jedoch noch andere Adhäsionsmoleküle wie z.B. ICAM-1, VCAM-1 und PNAd, die während der chronischen Colitis vermehrt bebildet werden, deren Expression jedoch nicht über Aktivierung des LTßR gesteuert ist. Die Expression dieser Adhäsionsmoleküle ist höchstwahrscheinlich der Grund dafür, dass nach LTßR:Ig-Behandlung immer noch Rollen, Anhaften und Extravasation von Lymphoyzten, wenn auch in vermindertem Maße, in der in vivo Fluoreszenzmikroskopie gesehen werden konnte. Für MadCAM-1 und VCAM-1 wurde eine gewisse Heterogenität im Expressionsmuster gefunden, wobei MadCAM-1 vor allem für die Direktion von Lymphozyten in die Lamina Propria verantwortlich ist und VCAM-1 die Verteilung von Lymphozyten in die Submucosa regelt (Watanabe, 2002). Es gibt jedoch keinen Zweifel daran, dass MadCAM-1 eine dominierende Rolle für die Direktion von Lymphozyten in die Dickdarmmukosa hat.

Die Auswirkungen einer IFNγ-Neutralisation in Kombination mit LTßR:Ig-Gabe wurde ebenfalls untersucht. Neutralisierung von IFNy in der chronischen DSS-induzierten Colitis verursacht eine signifikante Milderung der Erkrankung (Obermeier, 1999). In einem Modell der TNBS-induzierten Colitis mit LTßR:lg in utero-vorbehandelten Mäusen, bewirkte IFNy-Neutralisation eine signifikante Verbesserung der Symptome. In diesem Modell konnte LTßR:Ig-Gabe nur durch zusätzliche anti-IFNy-Therapie zu einer Verbesserung der Krankheit führen (Dohi, 2001). Im Gegensatz dazu vermindert die alleinige LTßR:lg-Gabe im Modell der chronischen DSS-induzierten Colitis die Entzündung. Im diesem Modell verbesserte eine Kombinationstherapie mit anti-IFNy und LTßR:lg die Entzündung signifikant, und war den Monotherapien signifikant überlegen Während die Neutralisation von IFNy direkt die entzündliche Reaktion reduziert, in einer ähnlichen Weise wie die anti-TNF-Therapie, verhindert LTßR:Ig-Gabe die T-Zell-vermittelte Aufrechterhaltung der chronischen Entzündung. Daher scheint es, dass beide Behandlungsstrategien unabhängig voneinander durch die Beeinflussung von verschiedenen molekularen Mechanismen, die am Vorantreiben der pathologischen Situation der chronischen DSS-induzierten Colitis beteiligt sind, wirken. Allgemein könnte man erwarten, dass jede Kombinationsbehandlung bestehend aus einer direkten anti-inflammatorischen Komponente und einer Blockade der LTßR-Aktivierung einen additiven positiven Effekt auf die chronische DSS-induzierte Colitis bewirkt.

Die Blockade des LTßR/LT-Liganden-Systems stellt daher eine attraktive Alternative zur Hemmung des TNFR/TNF-Systems dar. LTßR:Ig-Behandlung führt zu einer verminderten

Manifestation der chronischen DSS-induzierten Colitis, indem die MadCAM-1-Expression vermindert und dadurch Lymphozyten-Extravasation verhindert wird.

5.3 Expression und Funktionalität des LTRR auf BMMC

Auf RNA- und Protein-Ebene wurde deutlich, dass Mastzellen den LTßR auf der Zelloberfläche tragen, wobei die Identität und Reinheit der BMMC abgesichert war. LTßR-Defizienz hatte keinen grundlegenden Einfluss auf das Ausdifferenzieren von Knochenmarkstammzellen zu Mastzellen. Lediglich nach vierwöchiger Kultur der BMMC war eine geringere CD117-Expression von LTßR-/- BMMC im Vergleich zu LTßR+/+ BMMC sichtbar, was jedoch nach sechswöchiger Kultur der BMMC ausgeglichen war.

LTßR mRNA wurde in der Leber, Lunge, Niere, Herzen, Milz und Lymphknoten der Maus konstitutiv nachgewiesen (Force, 1995; Nakamura, 1995), jedoch weder in T- noch auf B-Zellen gefunden. Diese Ergebnisse wurden in einer neueren Arbeit bestätigt, wobei zusätzlich auch LTßR mRNA in der Haut, Muskel, Knochen, Magen, Dünn- und Dickdarm, Thymus, Eierstöcken und Uterus nachgewiesen wurde (Browning, 2002). Dabei waren epitheliale Zellen LTßR-positiv, was am Beispiel von Epithelzellen aus dem Dünn- und Dickdarm vor allem während der Embryonalphase gezeigt wurde. Eine weitere Arbeit (Murphy, 1998) zeigt LTßR-Expression in Stromazellen im sich entwickelnden humanen Thymus, auf reticulär dendritischen Zellen des Thymus und der Milz vor allem in der weißen Pulpa. Der LTßR wurde in mehreren Publikationen auf FDC nachgewiesen (Endres, 1999; Mabbott, 2000; Mackay, 1998; Murphy, 1998; Prinz, 2002; Wang, 2001). Auch auf einigen Zellen hämatopoetischen Ursprungs, z.B. auf Zellen der monozytären Zelllinie RAW (Force, 1995) und auf peritoneal Maus-Makrophagen wurde LTBR-Expression gefunden (Browning, 1997). Das beschriebene Expressionsmuster zeigt jedoch, dass LTßR hauptsächlich auf Zellen, die nicht hämatopoetischen Ursprungs sind, vorhanden ist. Daher gehören Mastzellen neben mononukleären Zellen zu den wenigen Zelltypen, die hämatopoetischen Ursprungs und LTBR-positiv sind.

LTßR-/- bzw. LTßR+/+ BMMC waren mit Ionomycin gleichermaßen stimulierbar. Die Aktivierung des LTßR auf BMMC entweder durch agonistische monoklonale Antikörper oder durch mLIGHT in Gegenwart von Ionomycin führte zur erhöhten Freisetzung von IL-4, IL-6, TNF, MIP-2 und RANTES. Unter den gleichen Stimulationsbedingungen wurde jedoch keine LTßR-spezifische Degranulation der BMMC gefunden. Da nur in der Anwesenheit von Ionomycin und den entsprechenden spezifischen LTßR-Stimulatoren Zytokinfreisetzung beobachtet wurde, scheint ein Ca-abhängiges Cosignal für die Zytokinsekretion notwendig zu sein. Das in diesem experimentellen Modell zur Auslösung des Ca-Signals verwendete Ionomycin dürfte *in vivo* vor allem durch Signale über den FcɛRI, IL-3R bzw. CD117 geliefert werden (Hohmann, 1993). Die Verwendung von Ionomycin als Costimulator bei

Zytokinfreisetzungs-Experimenten bei BMMC stellt jedoch ein etabliertes Versuchs-Modell dar (Stassen, 2001; Stassen, 2001; Hültner, 2000).

Auch die Beobachtung, dass auf einen bestimmten Stimulus hin BMMC Zytokine freisetzen ohne zu degranulieren, wurde bereits in einigen anderen Experimenten gemacht. So konnte IL-6 und TNF aber keine Degranulation nach Stimulierung mit CpG-Motiv-beinhaltenden Oligodeoxynukleotiden festgestellt werden (Zhu, 2000). Auch die spezifische Stimulierung von TLR4 auf BMMC führte zu keiner Degranulation, jedoch zu Sekretion von TNF- α , IL-6 und IL-1 α (Supajatura, 2002).

Nach Cokultur der **BMMC** mit aktivierten T-Zellen wurde das gleiche Zytokinsekretionsmuster wie nach der Stimulierung mit 5G11b oder mLIGHT in Gegenwart von Ionomycin gefunden. Auch hier zeigte sich die Notwendigkeit von Costimulatoren für die LTßR-vermittelte Zytokinfreisetzung: Die Aktivierung von T-Zellen mit PMA und Ionomycin induziert neben der Expression von $LT\alpha_1\beta_2/LIGHT$ auch noch andere stimulatorisch wirkende Glycoproteine auf der Zelloberfläche. Für die vorher schon angesprochene Notwendigkeit eines zusätzlichen Signals neben der LTßR-Aktivierung spricht noch folgender Sachverhalt: EL4 5D3 Zellen, die mit jeweils 100 ng/ml PMA und Ionomycin stimuliert wurden, zeigten auf der Zelloberfläche die gleiche Menge LT α_1 β_2 /LIGHT wie nach Stimulierung mit je 500 ng/ml PMA und Ionomycin. Jedoch konnte bei der Cokultur dieser "weniger stimulierten" EL4 5D3 Zellen mit BMMC keine Freisetzung von TNF und MIP-2 festgestellt werden, wohingegen IL-4, IL-6 und RANTES in messbaren Konzentrationen im Zellkulturüberstand vorhanden waren (Daten nicht gezeigt). Dies legt die Vermutung nahe, dass zusätzliche Moleküle auf der T-Zell-Oberfläche, die verschieden von $LT\alpha_1\beta_2$ und LIGHTzu einer LTßR abhängigen T-Zell – Mastzell Kommunikation beitragen. Solche zusätzlichen costimulatorischen Moleküle scheinen für die TNF- und MIP-2-Sekretion im Cokultur-Modell verantwortlich zu sein. Eine LTßR-spezifische Freisetzung von IL-4 und IL-6 wurde auch bei der Cokultur mit anderen PMA/Ionomycin aktivierten T-Zellen ,wie PMMI und ESB, beobachtet (Daten nicht gezeigt). Zusammenfassend wird die Notwendigkeit eines unterstützenden Signals für die LTßR-spezifische Freisetzung von Zytokinen aus Mastzellen deutlich.

Wenn $LT\alpha_1\beta_2/LIGHT$ -exprimierende T-Zellen mit $LT\Omega R$:Ig inkubiert wurden, konnten nach anschließender Cokultur mit $LT\Omega R$ +/+ BMMC nur niedrige Werte an IL-4. IL-6, TNF, MIP-2 und RANTES gemessen werden, was wiederum die $LT\Omega R$ -Abhängigkeit der Komunikation von aktivierten T-Zellen mit Mastzellen zeigt. Es wurde jedoch auch deutlich, dass es noch weitere Signalwege neben dem $LT\Omega R$ geben muss, die zur Kommunikation zwischen T-Zellen und Mastzellen beitragen.

Die bisher untersuchten Mastzellen waren vor allem BMMC aus C57BL/6 Mäusen, die unter Zusatz von IL-3 und SCF kultiviert wurden. Dabei handelt es sich um Mastzellen vom

Bingegewebe-Typ (CTMC), welcher durch die Kultivierung der BMMC mit IL-3, IL-4 und SCF erhalten wird. Solche Zellen haben ein völlig anderes Zytokin-Freisetzungsprofil als MMC, welche durch Kultivierung der Knochenmarkstammzellen mit IL-3, IL-9 und IL-10 generiert werden. Es kann nicht ausgeschlossen werden, dass BMMC, die unter anderen Bedingungen kultiviert werden, nach LTßR-Aktivierung andere Zytokine freisetzen. Hierzu sollte auch noch bedacht werden, dass BMMC, die aus anderen Mausstämmenstammen, nach LTßR-Stimulation wiederum andere Zytokine freisetzen können.

Die nach LTßR-Aktivierung von Mastzellen freigesetzten Zytokine stellen eine Mischung aus Zytokinen dar, die typisch für Th1- bzw. Th2-assoziierten Zytokine sind. IL-4 ist als Th2-Zytokin-Marker bekannt und besitzt eine Vielzahl von möglichen Wirkungen auf T-Zellen, B-Zellen, Mastzellen, Makrophagen und viele andere Zelltypen (Chomarat, 1998), was dazu führen könnte, dass sich T-Zellen zu Th2 T-Zellen differenzieren. Da Th2 T-Zellen bei allergischen Reaktionen eine wichtige Rolle spielen, wäre es denkbar, dass LTßR-Aktivierung für die allergische Reaktion eine Rolle spielen könnte (Foster, 2002; Corry, 1998). Außerdem ist IL-4 neben SCF, IL-3 und IL-9 als wichtiger Mastzell-Wachstumsfaktor vor allem für Mastzellen in Darm und Lunge ist bekannt (Renauld, 1995; Temann, 1998). Zusätzlich sind Mastzellen eine wichtiger Quelle von IL-4 bei Entzündungen (Bradding, 1992; Bradding, 1994). In diesem Zusammenhang ergibt auch die Sekretion von IL-6 nach LTßR-Stimulierung einen Sinn, denn es wurde berichtet, dass IL-6 in Gegenwart von IL-4 in der Lage ist, T-Zellen in Richtung Th2 T-Zellen differenzieren zu lassen und dabei gleichzeitig die Differenzierung zu Th1 T-Zellen zu hemmen (Diehl, 2002). Weiterhin wird IL-6 mit der Sythese von akute-Phase-Proteinen, allergischen Erkrankungen und der Abwehr von Parasiten in Verbindung gebracht (Hirano, 1998).

Das MIP-2 ist dem humanem IL-8 homolog. Die Freisetzung von TNF und MIP-2 aus Mastzellen scheint interessant, auch wenn beide nur durch Cokultur von "relativ stark aktivierten" T-Zellen mit BMMC produziert werden, da beschrieben wurde, dass die T-Zellabhängige Freisetzung von MIP-2 und TNF aus Mastzellen während der DTH-Reaktion die Einwanderung von neutrophilen Granulozyten in entzündetes Gewebe kontrollieren (Biedermann, 2000). Zusätzlich gibt es noch Daten, dass TNF und MIP-2 aus Mastzellen bei Partikel-induzierter Entzündung bzw. bei oxidativen Stress eine wichtige Rolle spielen (Driscoll, 2000).

Von RANTES war schon vorher bekannt, dass es nach Aktivierung des LTßR aus A375, einer humanen Melanomzelllinie, freigesetzt wird (Degli-Esposti, 1997). RANTES ist vor allem als proinflammatorisches Chemokin bekannt und scheint für den Übergang von der akuten zur chronischen Entzündung wichtig zu sein (Ajuebor, 2001). Darüber hinaus wurde für aus Mastzellen stammendes RANTES und IL-8 eine entscheidende Rolle bei der Bildung von Basal-Zell Carzinomen gezeigt (Aoki, 2003).

Leider kann über die *in vivo* Relevanz der nach LT&R Aktivierung freigesetzten Zytokine aus Mastzellen nur spekuliert werden, da systematische Untersuchungen in der Maus erst durchgeführt werden müssen. Es zeigt sich jedoch, dass bei der Kommunikation von T-Zellen mit Mastzellen LT&R-Aktivierung eine wichtige Rolle als zusätzliches, costimulierendes Signal spielen kann. Vor allem bei Erkrankungen, die sowohl T-Zell- als auch Mastzell-abhängig sind, wie z.B. die DTH könnte Interaktion aktivierter T-Zellen über LT α_1 &2 mit LT&3 auf Mastzellen von entscheidender Bedeutung sein. Dies trifft in gleichem Ma&4 für die Colitis Ulcerosa zu, wo die nach LT&5 R-Stimulierung freigesetzten Zytokine aus den Mastzellen, vor allem IL-6, TNF, MIP-2 und RANTES, für die Verstärkung der entzündlichen Reaktion verantwortlich sein könnten.

6. Zusammenfassung

6.1 Die Rolle des LTRR in der akuten DSS- induzierten Colitis

Im Model der akuten DSS-induzierten Colitis konnte gezeigt werden, dass Behandlung mit LTßR:Ig zu einer signifikanten Verschlimmerung der Entzündungsreaktion führt. Dies wurde anhand verschiedener Entzündungsparameter des Dickdarmes wie Histologie, histologischer Score, Ausbildung von Darm-Lymphfollikeln, Gewichtsverlust, MPO-Aktivität und Dickdarmlänge festgestellt. Die verstärkte Entzündung während der akuten DSS-induzierten Colitis nach LTßR:Ig-Behandlung ging mit vermehrter mRNA für IL-1ß, IL-6 und TNF im Dickdarmgewebe einher. Bestätigt wurden diese Ergebnisse durch vermehrte Produktion von IL-6, TNF und MIP-2 von mesenterialer Lymphozyten nach LTßR:Ig-Behandlung. In gesunden Mäusen waren CD4 $^{+}$ T- und B220 $^{+}$ B- und zu einem sehr geringen Maße CD8 $^{+}$ T- Zellen LT $\alpha_1\beta_2$ /LIGHT positiv und es wurde während der akuten Phase der Colitis keine vermehrte Expression von LT $\alpha_1\beta_2$ /LIGHT auf mesenterialen Lymphozyten beobachtet. Auch die Transkription von LT α , LTß, LIGHT oder LTßR war im Vergleich zu gesunden Mäusen in der akuten Colitis nicht verändert.

In LTßR-/- Mäusen mit akuter Colitis zeigte sich ein ähnliches Bild wie in Mäusen, die während der akuten Phase der Colitis mit LTßR:Ig behandelt wurden. Die Entzündung in Dickdarmbiopsien von LTßR-/- Mäusen mit akuter Colitis war gemessen an Histologie, histologischem Score, Gewichtsverlust und Dickdarmlänge sehr deutlich ausgeprägt. Das im Vergleich mit WT-Mäusen verschlechterte Krankheitsbild in LTßR-/- Mäusen wurde auch durch eine erhöhte IL-6 mRNA- Menge im Dickdarmgewebe bestätigt.

Fehlen oder Hemmung von LTßR-Aktivierung in der akuten Colitis führt demnach zu einer überschießenden Entzündungsreaktion. Zusätzlich scheint es während der akuten DSS-induzierten Colitis einen LTßR-unabhängigen Weg zur Ausbildung von lymphoiden Strukturen im Dickdarm zu geben.

6.2 Die Rolle des LTBR in der chronischen DSS- induzierten Colitis

Im Modell der chronischen DSS-induzierten Colitis bot sich ein völlig anderes Bild als in der akuten Colitis. Behandlung mit LTßR:Ig führte zu einer signifikanten Verminderung der Manifestation der chronischen Entzündung wie durch Histologie, histologischen Score, Lymphfollikel-Score, MPO-Aktivität und Dickdarmlänge festgestellt werden konnte. Die geringere Entzündung nach LTßR:Ig-Behandlung in der chronischen Colitis zeigte sich auch in einer niedrigeren Menge an mRNA für IL-1ß, IL-6 und TNF in Dickdarmbiopsien. Auch die Zytokinproduktion von IL-6, TNF und MIP-2 der mesenterialen Lymphknoten aus LTßR:Ig behandelten Tieren war vermindert. Auf mesenterialen Lymphozyten aus Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis wurde in der Durchflußzytometrie vermehrt

 $LT\alpha_1\beta_2/LIGHT$ festgestellt, wobei wieder $CD4^+T^-$, $CD8^+T^-$ und $B220^+$ B-Zellen positiv für die Expression der LTßR-Liganden waren. Mit semiquantitativer PCR konnte eine deutliche Hochregulation von LTß-mRNA in der chronischen Form der Colitis festgestellt werden, während LT α^- , LIGHT- und LTßR-mRNA-Mengen unverändert waren.

Nach LTßR:Ig-Behandlung von Mäusen mit chronischer Colitis wurde signifikant weniger MadCAM-1 gefunden, jedoch war $\alpha_4\beta_7$ -Intregrin, der MadCAM-1-Ligand, unverändert. Die reduzierte Expression von MadCAM-1 im Dickdarm von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis nach LTßR:Ig-Behandlung ging mit vermindertem Rollen, Anheften und Auswandern von Lymphozyten einher. Dies konnte sowohl für Sammel- und Postkapillarvenolen als auch in der Mukosa durch *in vivo* Fluoreszenzmkiroskopie gezeigt werden.

In LTßR-/- Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis entwickelte sich ebenfalls eine verminderte Entzündung im Dickdarm der Tiere im Vergleich zu Kontroll-Mäusen, was wieder durch die Histologie, histologischen Score, Lymphfollikel-Score und die Dickdarmlängen belegt wurde. Auch MadCAM-1 war in LTßR-/- Mäusen verglichen mit Kontroll-Mäusen mit chronischer DSS-induzierten Colitis vermindert. Fehlen oder Hemmung der LTßR-Aktivierung führte demnach zu einer verminderten Auswanderung von aktivierten Lymphozyten ins Gewebe und damit zu einer geringeren Entzündung.

Eine Behandlung von Mäusen mit chronischer DSS-induzierter Colitis mit LTßR:Ig und anti-IFNγ erzielte einen signifikanten additiven Effekt, der durch die unterschiedlichen Wirkmechanismen, einerseits Hemmung der Lymphozytenextravasation andererseits direkte anti-entzündliche Effekte, erklärt werden kann. Die grundsätzlich unterschiedlichen Wirkungsmechanismen einer Behandlung mit entzündungshemmenden Agentien und einer LTßR:Ig-Blockade könnte für Kombinationstherapien bei chronischen Entzündungen genutzt werden.

6.3 Expression und Funktionalität des LTßR auf BMMC

Durch FACS- und PCR-Analyse wurde LTßR auf BMMC nachgewiesen. Spezifische Stimulierung des LTßR auf BMMC mit einem agonistischen monoklonalen Antikörper oder mit mLIGHT in Anwesenheit von Ionomycin führte zur Freisetzung von IL-4, IL-6, TNF, MIP-2 und RANTES. Unter den verwendeten Stimulierungsbedingungen wurde keine Degranulation der Mastzellen festgestellt. Cokultur von BMMC mit aktivierten T-Zellen, die LT α_1 β_2 /LIGHT auf der Zelloberfläche tragen, führte ebenfalls zur Freisetzung von IL-4, IL-6, TNF, MIP-2 und RANTES aus BMMC. Die Zytokinfreisetzung war durch Inkubation der aktivierten T-Zellen mit LTßR:Ig hemmbar. Auch bei der Cokultur von BMMC mit aktivierten T-Zellen wurde keine Degranulation der BMMC beobachtet.

Zusammenfassung

Dies zeigt, dass aktivierte T-Zellen mit LTα1ß2/LIGHT Mastzellen costimulatorisch über den LTßR zur Zytokinfreisetzung aktivieren können.

Bei der Kommunikation von aktivierten T-Zellen mit Mastzellen kann demnach LTßR-Aktivierung eine wichtige Rolle als zusätzliches costimulierendes Signal spielen. Vor allem bei Erkrankungen, die sowohl T-Zell- als auch Mastzell-abhängig sind, wie z.B. die DTH aber auch die Colitis Ulcerosa, könnte die Interaktion von aktivierten T-Zellen über LT α_1 β_2 und dem LTßR auf Mastzellen von entscheidender Bedeutung sein. Die nach LTßR-Stimulierung freigesetzten Zytokine aus Mastzellen, vor allem IL-6, TNF, MIP-2 und RANTES, könnten, dabei für eine Verstärkung der entzündlichen Reaktionen verantwortlich sein.

7. Literaturverzeichnis

Abe Y, Horiuchi A, Osuka Y, Kimura S, Granger GA, and T Gatanaga. 1992. Studies of membrane-associated and soluble (secreted) lymphotoxin in human lymphokine-activated T-killer cells in vitro. LymphokineCytokineRes.; 11:115-121.

Abe K, Yarovinsky FO, Murakami T, Shakhov AN, Tumanov AV, Ito D, Drutskaya LN, Pfeffer K, Kuprash DV, Komschlies KL, and SA Nedospasov. 2003. Distinct contributions of TNF and LT cytokines to the development of dendritic cells in vitro and their recruitment in vivo. Blood; 101:1477-1483.

Aggarwal BB, Moffat B, and RN Harkins. 1983. Interleukins, lymphokines and cytokines. Academic Press, New York

Aggarwal BB, Henzel WJ, Moffat B, Kohr J, and RN Harkins. 1985. Primary structure of human lymphotoxin derived from 1788 lymphoblastoid cell line. J.Biol.Chem.; 260:2334-2344

Agyekum S, Church A, Sohail M, Krausz T, van Noorden S, Polak J, and J Cohen. 2003. Expression of lymphotoxin-beta (LT-ß) in chronic inflammatory conditions. J.Pathol.; 199:115-121.

Ajuebor MN, Hogaboam CM, Kunkel SL, Proudfoot AEI, and JL Wallace. 2001. The chemokine RANTES is a crucial mediator of the progression from acute to chronic colitis in the rat. J.Immunol.; 166:552-558.

Alimzhanov MB, Kuprash DV, Kosco-Vilbois MH, Luz A, Turetskaya RL, Tarakhovsky A, Rajewsky K, Nedospasov SA, and K Peffer. 1997. Abnormal development of secondary lymphoid tissues in lymphotoxin \(\mathcal{G} \)-deficient mice. Proc.Natl.Acad.Sci.USA; 94:9302-9307.

Androlewicz M, Browning JL, and CF Ware. 1992. Lymphotoxin is expressed as a heterotrimeric complex with a distinct 33-kDa glycoprotein on the surface of an activated human T cell hybridoma. J.Biol.Chem.; 267:2542-2547.

Ansel KM, Ngo VN, Hyman PL, Luther SA, Forster R, Sedgwick JD, Browning JF, Lipp M, and JG Cyster. 2000. A chemokine driven positive feedback loop organizes lymphoid follicles. Nature; 406:309-314.

Aoki M, Pawankar R, Niimi Y, and S Kawana. 2003. Mast cells in basal cell carcinoma express VEGF, IL-8 and RANTES. Int.Arch.AllergyImmunol.; 130:216-223.

Aranda R, Sydora BC, McAllister PL, Binder SW, Yang HY, Targan SR, and M Kronenberg. Analysis of intestinal lymphocytes in mouse colitis mediated by transfer of CD4⁺, CD45RB^{high} T cells to SCID recipients. J.Immunol.; 158:3464-3473.

Axelsson LG, Landstrom E, Goldschmidt TJ, Gronberg A, and AC Bylund-Fellenius. 1996. Dextran sulfate sodium (DSS) induced experimental colitis in immunodeficient mice: effects in CD4(+) cell depleted, athymic and NK cell depleted SCID mice. Inflam.Res.; 45:181-191.

Baens M, Chaffanet M, Cassiman JJ, Van den BH, and P Marynen. 1993. Construction and evaluation of a hncDNA library of human 12p transcribed sequences derived from a somatic cell hybrid. Genomics; 16:214-218.

Banks TA, Rouse BT, Kerley MK, Blair PJ, Godfrey VL, Kuklin NA, Bouley DM, Thomas J, Kanangat S, and ML Mucenski. 1995. Lymphotoxin-alpha-deficient mice. Effects on secondary lymphoid organ development and humoral immune responsiveness. J. Immunol.; 155:1685-1693.

Banner DW, D'Arcy A, Janes W, Gentz R, Schoenfeld HJ, Broger C, Loetscher H, and W Lesslauer. 1993. Crystal structure of the soluble human 55 kd TNF receptor-human TNF beta complex: implications for TNF receptor activation. Cell; 73:431-445.

Baumeister B, Schmidt C, Helisch A, and J Kipnowski . 1996. Increased prostaglandin E2 and leukotriene B4 synthesis in isolated colonic mucosal cells in inflammatory bowel disease. J.Clin.Gastroeneterol.; 22:117-120.

Bhattacharyya SP, Drucker I, Reshef T, Kirshenbaum AS, Metcalfe DD, and YA Mekori. 1998. Activated T lymphocytes induce degranulation and cytokine production by human mast cells following cell-to-cell contact. J.Leukoc.Biol.; 63:337-340.

Biedermann T, Kneiling M, Mailhammer R, Maier K, Sander CA, George Kollias, Kunkel SL, Hültner L, and M Röcken. Mast cells control neutrophil recruitment during T cell-mediated delayed-type hypersensitivity reactions through tumor necrosis factor and macrophage inflammatory protein 2. J.Exp.Med.; 192:1441-1451.

Bradding P, Feather IH, Howarth PH, Mueller R, Roberts JA, Britten K, Bews JP, Hunt TC, Okayama Y, Heusser CH, Bullock GR, Church MK, and ST Holgate. 1992. Interleukin 4 is localized to and released by human mast cells. J.Exp.Med.;176:1381-1386.

Bradding P, Roberts JA, Britten KM, Montefort S, Djukanovic R, Mueller R, Heusser CH, Howarth PH and ST Holgate. 1994. Interleukin-4,-5, and –6 and tumor nekrosis factor-alpha in normal and asthmatic airways: evidence for the human mast cells as a source of these cytokines. Am.J.Respir.Cell.Mol.Biol.; 10:471-480.

Bradding P, Okayama Y, Howarth PH, Church MK, and ST Holgate. 1995. Heterogeneity of human mast cells based on cytokine content. J.Immunol.; 155:297-307.

Braegger CP, and TT MacDonald. 1994. Immune mechanisms in chronic inflammatory bowel disease. Ann.Allergy; 72:135-141.

Bradley PP, Priebat DA, Christensen RD, and G Rothstein. 1982. Measurment of cutaneous inflammation: estimation of neutrophil content with an enzyme marker. J.Invest.Dermatol.; 78:206-209.

Brandtzaeg P. 2001. Inflammatory bowel disease: clinics and pathology. ActaOdontol.Scand.; 59:235-243.

Browning JL, Androlewicz MJ, and CF Ware. 1991. Lymphotoxin and an associated 33-kDa glycoprotein are expressed on the surface of an activated human T cell hybridoma. J. Immunol.; 147:1230-1237.

Browning JL, Ngam-ek A, Lawton P, DeMarinis J, Tizard R, Chow EP, Hession C, O'Brine-Greco B, Foley SF, and CF Ware. 1993. Lymphotoxin beta, a novel member of the TNF family that forms a heteromeric complex with lymphotoxin on the cell surface. Cell; 72:847-856.

Browning JL, Dougas I, Ngam-ek A, Bourdon PR, Ehrenfels BN, Miatkowski K, Zafari M, Yampaglia AM, Lawton P, and W Meier. 1995. Characterization of surface lymphotoxin forms. Use of specific monoclonal antibodies and soluble receptors. J. Immunol.; 154:33-46.

Browning JL, Miatkowski K, Sizing I, Griffiths D, Zafari M, Benjamin CD, Meier W, and F Mackay. 1996. Signaling through the lymphotoxin beta receptor induces the death of some adenocarcinoma tumor lines. J.Exp.Med.; 183:867-878.

Browning JL, Sizing ID, Lawton P, Bourdon PR, Rennert PD, Majeau GR, Ambrose CM, Hession C, Miatkowski K, Griffiths DA, Ngam-ek A, Meier W, Benjamin CD, and PS Hochman. 1997. Characterization of lymphotoxin-alpha beta complexes on the surface of mouse lymphocytes. J.Immunol.; 159:3288-3298.

Butterfield JH, Weiler D, Dewald G, and GJ Gleich. 1988. Establishment of an immature mast cell line from a patient with mast cell leukemia. Leukemia Research; 12:345-355.

Cannella B, Cross AH, and CS Raine. 1990. Upregulation and coexpression of adhesion molecules correlate with relapsing autoimmune demyelination in the central nervous system. J.Exp.Med.; 172:1521-1524.

Casini-Raggi V, Kam L, Chong YJ, Fiocchi C, Pizzaro TT, and F Cominelli.1995. Mucosal imbalance of IL-1 and IL-1 receptor antagonist in inflammatory bowel disease. A novel mechanism of chronic intestinal inflammation. J.Immunol.; 154:2434-2440.

Chomarat P, Rybak ME, and J Banchereau. 1998. The Cytokine Handbook. San Diego Academic Press: 133-174.

Connor EM, Eppihimer MJ, Morise Z, Granger DN, and MB Grisham. 1999. Expression of mucosal addressin cell adhesion molecule-1 (MadCAM-1) in acute and chronic inflammation. J.Leukoc.Biol.; 65:349-355.

Corry DB, Grunig G, Hadeiba H, Kurup VP, Warnock ML, Sheppard D, Rennick DM, and RM Locksley. 1998. Requirements for allergen-induced airway hyperreactivity in T and B cell deficient mice. Mol.Med.; 4:344-355.

Crowe PD, VanArsdale TL, Walter BN, Ware CF, Hession C, Ehrenfels B, Browning JL, Din WS, Goodwin RG, and CA Smith. 1994. A lymphotoxin beta specific receptor. Science; 264:707-710.

Cuff CA, Schwartz J, Bergmann CM, Russel KS, Bender JR, and NH Ruddle. 1998. Lymphotoxin $\alpha 3$ induces chemokine and adhesion molecules: insight into the role of LT α in inflammation and lymphoid organ development. J.Immunol.; 161:6853-6860.

Cuff CA, Sacca R, and NH Ruddle. 1999. Differential induction of adhesion molecule and chemokine expression by LTaplha3 and LTalphabeta in inflammation elucidates potential mechanisms of mesenteric and peripheral lymph node development. J.Immunol.; 162:5965-5972.

Daig R, Andus T, Aschenbrenner E, Falk W, Schölmerich J, and V Gross. 1996. Increased interleukin 8 expression in the colon mucosa of patients with inflammatory bowel disease. Gut; 38:216-222.

Debard N, Sierro F, Browning J, and JP Kraehenbuhl. 2001. Effect of mature lymphocytes and lymphotoxin on the development of the follicle-associated epithelium and M cells in mouse peyer's patches. Gastroenterology; 120:1173-1182.

Degli-Esposti MA, Davis-Smith T, Din WS, Smolak PJ, Goodwin RG, and CA Smith. 1997. Activation of the lymphotoxin beta receptor by cross-linking induces chemokine production and growth arrest in A375 melanoma cells. J.Immunol.; 158:1756-1762.

Denburg JA, Finotto S, Marshall JS, Jordana M, and J. Dolovich. 1993. Mast cells, stromal cells, and inflammation. In: The mast cell in health and disease. MA Kaliner. Marcel Dekker Inc. New York, Basel, Hong Kong. 443-446.

De Togni P, Goellner J, Ruddle NH, Streeter PR, Fick A, Mariathasan S, Smith SC, Carlson R, Shornick LP, Strauss-Schoenberger J, Russel JH, Karr R, and DD Chaplin. 1994. Abnormal development of peripheral lymphoid organs in mice deficient in lymphotoxin. Science; 264:703-707.

Diehl S, and M Rincon. 2002. The two faces of IL-6 on Th1/Th2 differentiation. Mol.Immunol.; 39:531-536.

Dielemann LA, Ridwan BU, Tennyson GS, Beagley KW, Bucy RP, and CO Elson. 1994. Dextran sulfate sodium induced colitis occurs in severe combined immunodeficient mice. Gastroenterology; 107:1643-1652.

Dielemann LA, Palmen MJ, Akol H, Bloemena E, Pena AS, Meuwissen SG, and EP VanRees. 1998. Chronic experimental colitis induced by dextran sulphate sodium (DSS) is characterized by Th1 and Th2 cytokines. Clin.Exp.Immunol.;114:385-391.

Dohi T, Rennert PD, Fujihashi K, Kiyono H, Shirai Y, Kawanura YI, Browning JL, and JR McGhee. 2001. Elimination of colonic patches with lymphotoxin beta receptor-lg prevents Th2 cell type colitis. J.Immunol.; 167:2781-2790.

Domek MJ, Iwata F, Blackmann EI, Kao J, Baker M, Vidrich A, and FW Leung. 1995. Antineutrophil serum attenuates dextran sulfate sodium-induced colonic damage in the rat. Scand.J.Gastroenterol.; 30:1089-1094.

Driscoll KE. 2000. TNF α and MIP-2: role in particle-induced inflammation and regulation by oxidative stress. Tox.Lett.; 112-113:177-184.

Echtenacher B, Falk W, Männel DN, and PH Krammer. 1990 Requirement of endogenous tumor necrosis factor/cachectin for recovery from experimental peritonitis. J.Immunol.; 145:3762-3766.

Ehrlich P. 1879. Beiträge zur Kenntnis der granulierten Bindegewebszellen und der eosinophilen Leukozyten. Arch. Anat. Physiol. 3:166-169.

Elson CO, Sartor RB, Tennyson GS, and RH Riddell. 1995. Experimental models of inflammatory bowel disease. Gastroenterology; 109:1344-1367.

Endres R, Alimzhanov MB, Plitz T, Fütterer A, Kosco-Vilbois MH, Nedospasov SA, Rajewsky K, and K Pfeffer. 1999. Mature follikular dendritic cell networks depend on expression of lymphotoxin ß receptor by radioresistant stromal cells and of lymphotoxin ß and tumor necrosis factor by B cells. J.Exp.Med.; 189:159-167.

Erickson SL, de Sauvage J, Kikly K, Carver-Moore K, Pitts-Meek S, Gillet N, Sheehan KC, Schreiber RD, Goeddel DV, and MW Moore. 1994. Decreased sensitivity to tumor-necrosis factor but normal T-cell development in TNF receptor-2-deficient mice. Nature; 372;560-563.

Ettinger R, Browning JL, Michie SA, van Ewijk W, and HO McDevitt. 1966. Disrupted splenic architecture, but normal lymph node development in mice expressing a soluble lymphotoxin-ß receptor-lgG1 fusion protein. Proc.Natl.Acad.Sci.USA; 93:13102-13107.

Faveeuw C, Gagnerault MC, and F Lepault. 1994. Expression of homing and adhesion molecules in infiltrated islets of Langerhans and salivary glands of nonobese diabetic mice. J. Immunol.; 152:5969-5978.

Farkas S, Herfarth H, Rössle M, Schroeder J, Steinbauer M, Guba M, Beham A, Schölmerich J, Jauch KW, and M Anthuber. 2001. Quantification of mucosal leucocyte endothelial cell interaction by in vivo fluorescence microscopy in experimental colitis in mice. Clin.Exp.Immunol.; 126:250-258.

Force WR, Walter BN, Hession C, Tizard R, Kozak CA, Browning JL, and CF Ware. 1995. Mouse lymphotoxin beta receptor. Molecular genetics, ligand binding, and expression. J. Immunol.: 155:5280-5288.

Forster R, Mattis AE, Kremmer E, Wolf E, Brem G, and M Lipp. 1996. A putative chemokine receptor, BLR1, directs B cell migration to defined lymphoid organs and specific anatomic compartments of the spleen. Cell; 87:1037-1047.

Foster PS, Martinez-Moczygemba M, Huston DP, and DB Corry. 2002. Interleukins-4,-5,and –13:emerging therapeutic targets in allergic disease. Pharmacol.Ther.; 94:253-264.

Fu YX, and DD Chaplin. 1999. Development and maturation of secondary lymphoid tissues. Annu.Rev.Immunol; 17:399-433.

Fujihashi K, Dohi T, Rennert PD, Yamamoto M, Koga T, Kiyono H, and JR McGhee. 2001. Peyer's patches are required for oral tolerance of proteins. PNAS; 98:3310-3315.

Fung MC, Hapel AJ, Ymer S, Cohen DR, Johnson RM, Campbell HD, and IG Yung. 1984. Molecular cloning of cDNA for murine interleukin 3. Nature; 307:233-237.

Futterer A, Mink K, Luz A, Kosco-Vilbois MH, and K Pfeffer. 1998. The lymphotoxin beta receptor controls organogenesis and affinity maturation in peripheral lymphoid tissues. Immunity; 9:59-70.

Galli SJ, Dvorak AM, Marcum JA, Ishizaka T, Nabel G, Der Simonian H, Pyne K, Goldin JM, Rosenberg RD, Cantor H, and HF Dvorak. 1982. Mast cell clones: a model for the analysis of cellular maturation. J.Cell.Biol.; 95:435-444.

Galli SJ. 1990. Biology of disease: new insights into "The riddle of the mast cells": microenvironmental regulation of mast cell development and phenotypic heterogeneity. Lab.Invest.; 62:5-33.

Galli SJ, and BK Wershil. 1996. The two faces of the mast cell. Nature; 381:21.

Galli SJ, and M Lichtenstein. 1998. Biology of mast cells and basophils. In: Allergy: Principles and Practice. E. Middleton. C.V. Mosby, St. Louis; 106-134.

Galli SJ, Maurer M, and CS Lantz. 1999. Mast cells as sentinels of innate immunity. Curr.Opin.Immunol.; 11:53-59.

Goluszko E, Hjelmstrom P, Deng C, Poussin MA, Ruddle NH, and P Christadoss. 2001. Lymphotoxin-alpha deficiency completely protects C57BL/6 mice from developing clinical experimental autoimmune myasthenia gravis. J.Neuroimmunol.; 113:109-108.

Gonzalez AP, Sepulveda S, Massberg S, Baumeister R, and MD Menger. 1994. In vivo fluorescence microscopy for the assessment of microcasvular reperfusion injury in small bowel transplants in rats. Transplantation; 58:403-408.

Gonzalez M, Mackay F, Browning JL, Kosco-Vilbois MH, and RJ Noelle. 1998. The sequential role of lymphotoxin and B cells in the development of splenic follicles. J.Exp.Med.; 187:997-1007.

Goodnow CC, and JG Cyster. 1997. Lymphocyte homing: the scent of a follicle. Curr.Biol.; 7:R219-R222.

Gordon JR, and SJ Galli. 1990. Mast cells are a source of both preformed and immunologically inducible TNF-alpha/cachectin. Nature: 346:274-276.

Gramaglia I, Mauri DN, Miner KT, Ware CF, and M Croft. 1999. Lymphotoxin αß is expressed on recently activated naive and Th1-like DC4 cells but is down-regulated by IL-4 during Th2 differentation. J.Immunol.; 162:1333-1338.

Gunn MD, Tangemann K, Tam C, Cyster JG, Rosen S, and LT Williams. 1998. A chemokine expressed in lymphoid high endothelial venules promotes the adhesion and chemotaxis of naive T lymphocytes. Proc.Natl.Acad.Sci. USA; 95:258-263.

Hamawy MM, Mergenhagen SE, and RP Siraganian. 1995. Protein tyrosine phosphorylation as a mechanism of signalling in mast cells and basophils. Cell.Siganl.; 7:535-544.

Harris AG, Hecht R, Peer F, Nolte D, and Messmer K. 1997. An improved intravital microscopy system. Int.J.Microcirc Clin.Exp.; 17:322-327.

Harrop JA, McDonnel PC, Bringham-Burke M, Lyn SD, Minton J, Tan KB, Dede K, Spampanato J, Silverman C, Hensley P, DiPrinzio R, Emery JG, Deen K, Eichman C, Chabot-Fletcher M, Truneh A, and PR Young. 1998. Herpesvirus entry mediator ligand (HVEM-L), a novel ligand for HVEM/TR2, stimulates proliferation of T cells and inhibits HT29 cell growth. J.Biol.Chem.; 273:27548-27556.

Hedrick JA, and A Zlotnik. 1997. Identification and characterization of a novel beta chemokine containing six conserved cysteines. J.Immunol.; 159:1589-1593.

Hehlgans T, and DN Männel. 2001. Recombinant, soluble LIGHT (HVEM-ligand) induces increased IL-8 secretion and growth arrest in A375 melanoma cells. J.InterferonCytokine Res.; 21:333-338.

Hehlgans T, Stoelcker B, Stopfer P, Müller P, Cernaianu G, Guba M, Steinbauer M, Nedospasov SA, Pfeffer K, and DN Männel. 2002. Lymphotoxin-beta receptor immune interaction promotes tumor growth by inducing angiogenesis. CancerRes; 62:4034-4040.

Hehlgans T, Müller P, Stopfer P, and DN Männel. 2003. Activation of the lymphotoxin-beta receptor induces NFκB dependent IL6 and MIP-2 secretion in mouse fibrosarcoma cells. Eur.CytokineNetw.; in press

Henz BM, Maurer M, Lippert U, Worm M, and M Babaina. 2001. Mast cells as initiators of immunity and host defense. Exp.Dermatol.; 10:1-10.

Hirano T. 1998. Interleukin 6 and its receptor: 10 years later. Int.Rev.Immunol.; 16:249-284.

Hjelmström P, Fjell J, Nakagawa T, Sacca R, Cuff CA, and NH Ruddle. 2000. Lymphoid tissue homing chemokines are expressed in chronic inflammation. Am.J.Pathol.; 156:1133-1138.

Hjelmström P. 2001. Lymphoid neogenesis: de novo formation of lymphoid tissue in chronic inflammation through expression of homing chemokines. J.Leukoc.Biol.; 69:331-339. Hofmeister R, Wiegmann K, Korherr C, Bernardos K, Krönke M, and W Falk. 1997. Activation of acid sphingomyelinase by interleukin-1 (IL-1) requires the IL-1 receptor accessory protein. J.Biol.Chem.; 272:27730-27736.

Hohmann RJ, and T Hultsch. 1993. Modulation of mediator release from mast cells. In. The mast cell in health and disease. MA Kaliner. Marcel Dekker Inc. New York, Basel, Hong Kong. 443-466.

Hollander D, Chapter 18. In Gitnick, G (ed.): Primciples and practice of Gastroenterology and Hepatology, 2nd edition. 1994.; 229-233.

Honda K, Nakano H, Yoshida H, Nishikawa S, Rennert P, Ikuta K, Tamechika M, Yamaguchi K, Fukumoto T, Chiba T, and SI Nishikawa. 2001. Molecular Basis of hematopoietic/mesenchymal interaction during initiation of peyer's patch organogenesis. J.Exp.Med.; 193:621-630.

Hültner L, and J Moeller. 1990. Mast cell growth-enhancing activity (MEA) stimulates interleukin 6 produktion in a mouse bone marrow-derived mast cell line and a malignant subline. Exp.Hematol.; 18:873-877.

Hültner L, Kölsch S, Stassen M, Kaspers U, Kremer JP, Mailhammer R, Moeller J, Broszeit H, and E Schmitt. 2000. In activated mast cells, IL-1 up-regulates the production of several Th2-related cytokines including IL-9. J.Immunol.; 164:5556-5563.

Iwasaki A, and BL Kelsall. 1999. Freshly isolated Peyer's patch, but not spleen dendritic cells produce interleukin 10 and induce the differentiation of T helper type 2 cells. J.Exp.Med.; 190:229-239.

Karimi K, Redegeld FA, Heijadra B, and FP Nijkamp. 1999. Stem cell factor and interleukin-4 induce murine bone marrow cells to develop into mast cells with connective tissue type characteristics in vitro. Exp. Hematol.; 27:654-662.

Karlinger K, Györke T, Makö E, Mester A, and Z Tarján. 2000. The epidemiology and the pathogenesis of inflammatory bowel disease. Europ.J.Radiol.; 35:154-167.

Kato S, Hokari R, Matsuzaki K, Iwai A, Kawaguchi A, Nagao S, Miyahara T, Itoh K, Ishii H, and S Miura. 2000. Amelioration of murine experimental colitis by inhibition of mucosal addressin cell adhesion molecule-1. J.Pharmacol.Exp.Ther.; 295:183-189.

Kelsall B, and W Strober. 1999. Gut associated lymphoid tissue. Antigen handling and T-lymphocyte responses. In Orga PL, Mestecky J, Lamm ME, Strober W, Bienenstock J, and JR McGee. Mucosal Immunology. Academic Press, San Diego, 293-317.

Kitamura Y, Go S, and S Hatanaka. 1978. Decrease of mast cells in W/W mice and their increase by bone marrow transplantation. Bood; 52:447-452.

Kitamura Y, Kasugai T, Arizono N, and H Matsuda. 1993. Development of mast cells and basophils: processes and regulation mechanisms. Am.J.Med.Sci.; 306:185-191.

Kojouharoff G, Hans W, Obermeier F, Männel DN, Andus T, Schölmerich J, Gross V, Falk W. 1997. Neutralization of tumour necrosis factor (TNF) but not of IL-1 reduces inflammation in chronic dextran sulphate sodium-induced colitis in mice. Clin.Exp.Immunol.;107:353-358.

Koni PA, Sacca R, Lawton P, Browning JL, Ruddle NH, and RA Flavell. 1997. Distinct roles in lymphoid organogenesis for lymphotoxin alpha and beta revealed in lymphotoxin beta-deficient mice. Immunitiy; 6:491-500.

Koni PA, and RA Flavell. 1999. Lymph node germinal centers form in the absence of follicular dendriti cell networks. J Exp Med 1999;189:855-864.

Kratz A, Campos-Neto A, Hanson MS, and NH Ruddle. 1996. Chronic inflammation caused by lymphotoxin is lymphoid neogenesis. J.Exp.Med.; 183:1461-1472.

Kuriu A, Sonoda S, Kanakura Y, Jozaki K, Yamatodani A, and Y Kitamura. 1989. Proliferative potential of degranulated murine peritoneal mast cells. Blood; 74:925-929.

Kuprash DV, Osipovich OA, Pokholok DK, Alimzhanov MB, Biragyn A, Turetskaya RL, and SA Nedospasov. 1996. Functional analysis of the lymphotoxin-beta promoter. Sequence requirements for PMA activation. J.Immunol.; 156:2465-2472.

Kuprash DV, Boitchenko VE, Yarovinsky FO, Rice NR, Nordheim A, Rühlmann A, and SA Nedospasdov. 2002. Cyclosporin A blocks the expression of lymphotoxin α , but not of lymphotoxin β , in human peripheral blood mononuclear cells. Blood; 100:1721-1727.

Laemmli UK, 1970. Cleavage of structural proteins during the assembly of the head of bacteriophage T4. Nature; 227:680-685.

Lozt M, Setareh J, von Kempis, and H Schwarz. 1996. The nerve growth factor/tumor necrosis factor receptor family. J. Leukoc. Biol.; 60:1-7.

Luther SA, Lopez T, Bai W, Hanahan D, and JG Cyster. 2000. BLC expression in pancreatic islets causes B cell recruitment and Lymphotoxin- dependent lymphoid neogenesis. Immunity; 12:471-481.

Mabbot NA, Mackay F, Minns F, and ME Bruce. 2000. Temporary inactivation of follicular dendritic cells delays neuroinvasion of scrapie. Nature Medicine; 6:719-720.

Mackay F, Majeau GR, Hochmann PS, and JL Browning. 1996. Lymphotoxin beta receptor triggering induces activation of the nuclear factor kappaB transcription factor in some cell types. J.Biol.Chem.; 271:24934-24938.

Mackay F, Majeau GR, Lawton P, Hochman PS, and JL Browning. 1997. Lymphotoxin but not tumor necrosis factor functions maintain splenic architecture and humoral responsiveness in adult mice. Eur.J.Immunol.; 27:3033-3042.

Mackay F, Bourdon PR, Griffiths DA, Lawton P, Zafari M, Sizing ID, Miatkowski K, Ngam-ek A, Benjamin CD, Hession C, Ambrose CM, Meier W, and JL Browning. 1997. Cytotoxic activities of recombinant soluble murine lymphotoxin-alpha and lymphotoxin-alpha beta complexes. J.Immunol.; 159:3299-3310.

Mackay F, Browning JL, Lawton P, Shah SA, Comiskey M, Bahn AK, Mizoguchi E, Terhorst C, and SJ Simpson. 1998. Both the lymphotoxin and the tumor necrosis factor pathways are involved in experimental murine models of colitis. Gastroenterology; 115:1464-1475.

Mackay F, and JL Browning. 1998. Turning of follicular dendritic cells. Nature; 395:26-27.

Magnusson C, and DL Vaux. 1999. Signalling by CD95 and TNF receptors: not only life and death. Immunol.Cell.Biol.; 77:41-46.

Mapara MY, Bargou RC, Beck C, Heilig B, Dorken B, and G Moldenhauer. 1994. Lymphotoxin-alpha/beta heterodimer is expressed on leukemic hairy cells and activated human B lymphocytes. Int. J. Cancer; 58:248-253

Marsters SA, Ayres TM, Skubatch M, Gray CL, Rothe M, and A Ashkenazi. 1997. Herpes virus entry mediator, a member of the tumor necrosis factor receptor (TNFR) family, interacts with members of the TNFR-associated factor family and activates the transcription factors NF-kappaB and AP-1. J. Biol. Chem.; 272:14029-14032.

Matsumoto M, Mariathasan S, Nahm MH, Baranyay F, Peschon JJ, and DD Chaplin. 1996. Role of lymphotoxin and the type I TNF receptor in the formation of germinal centers. Science; 271:1289-1291.

Mauri DN, Ebner R, Montgomery RI, Kochel KD, Cheung TC, Yu GL, Ruben S, Murphy M, Eisenberg RJ, Cohen GH, Spear PG, and CF Ware. 1998. LIGHT, a new member of the TNF superfamily, and lymphotoxin alpha are ligands of the herpesvirus entry mediator. Immunity; 8:21-30.

Maximow A. 1906. Über die Zellformen des lockeren Bindegewebes. Arch. Miktoskop.Anat.Entw.Mech.; 67:680-757.

Millet I, and NH Ruddle. 1994. Differential regulation of Lymphotoxin (LT), lymphotoxin-beta (LT-beta), and TNF alpha in murine T cell clones activated through the TCR. J. Immunol.; 152: 4336-4346.

Montgomery RI, Warner MS, Lum BJ, and PG Spear. 1996. Herpes simplex virus-1 entry into cells mediated by a novel member of the TNF/NGF receptor family. Cell; 87:427-436.

Mooij P, de Wit HJ, and HA Drexhage. 1993. An excess of dietary iodine accelerates the development of a thyroid- associated lymphoid tissue in autoimmune prone BB rats. Clin. Immunopl.Immunopathol.; 69:189-198.

Mosialos G, Birkenbach M, Yalamanchili R, VanArsdale T, CF Ware, and E Kieff. 1995. The Eppstein-Barr virus transforming protein LMP1 engages signaling proteins for the tumor necrosis factor receptor family. Cell; 80:389-399

Murata Y, Ishiguro Y, Itoh J, Munakata A, Yoshida T. 1995. The role of proinflammatory and immunoregulatory cytokines in the pathogenesis of ulcerative colitis. J.Gastroenterol.; 30:56-60.

Murphy M, Walter BN, Pike-Nobile L, Fanger NA, Guyre PM, Browning JL, Ware CF, and LB Epstein. 1998. Expression of the lymphotoxin beta receptor on follicular stromal cells in human lymphoid tissues. CellDeathDiffer.; 5:497-505.

Murthy S, Yun E, Brill K, and Cooper H. 1991. Plasma Thromboxane (TXB2) levels are preferentially increased during the acute phase of dextran sulfate mediated colitis in mice. Gastroenterology; 100:A602.

Murthy S, Cooper H, Shim H, Shah RS, Ibrahim SA, and DJ Sedergran. 1993. Treatment of dextran sulfate sodium-induced murine colitis by intracolonic cyclosporin. Dig.Dis.Sci.; 38:1722-1734.

Nabel G, Galli SJ, Dvorak AM, Dvorak HF, and H Cantor. 1981. Inducer T lymphocytes sythesize a factor that stimulates proliferation of cloned mast cells. Nature; 291:332-334.

Nagao K, Yokoro K, and SA Aaronson. 1981. Continous lines of basophil/mast cells derived from normal mouse bone marrow. Science; 212:333-335.

Naismith JH, and SR Sprang. 1995. Tumor necrosis factor receptor superfamily. J.Inflamm.; 47:1-7.

Nakamura T, Tashiro K, Nazarea M, Nakano T, Sasayama S, and T Honjo. 1995. The murine lymphotoxin-ß receptor cDNA: isolation by the signal sequence trap and chromosomal mapping. Genomics; 30:312-319.

Nakano T, Sonoda T, Hayashi C, Yamatodani A, Kanayama Y, Yamamura T, Asai H, Yonezawa Y, Kitamura Y, and SJ Galli. 1985. Fate of bone marrow-derived cultured mast cells after intracutaneous, intraperitoneal, and intravenous transfer into genetically mast cell deficient W/W mice. Evidence that cultured mast cells can give rise to both connective tissue type and mucosal mast cells. J.Exp.Med.; 162:1025-1043.

Nakano H, Oshima H, Chung W, Williams-Abbottt L, Ware CF, Yagita H, and K Okumura. 1996. TRAF5, an activator of NF-kappaB and putative signal transducer of the lymphotoxin-beta receptor. J.Biol.Chem.; 271:14661-14664.

Neumann BA, Luz A, Pfeffer K, and B Holzmann. 1996. Defective Peyer's Patch organogenesis in mice lacking the 55-kD receptor for tumor necrosis factor. J.Exp.Med.; 184:259-264.

Neurath MF, Fuss I, Pasparakis M, Alexopoulou L, Haralambous S, Meyer zum Buschfenfelde KH, Strober W, and G Kollias. 1997. Predominant pathogenic role of tumor necrosis factor in experimental colitis in mice. Eur.J.Immunol.; 27:1743-1750.

Newberry RD, McDonough JS, McDonald KG, and RG Lorenz. 2002. Postgestional Lymphotoxin/Lymphotoxin ß receptor interactions are essential for the presence of intestinal B lymphocytes. J.Immunol.; 168:4988-4997.

Ngo VN, Tang LH, and JG Cyster. 1998. EBI-1 ligand chemokine is expressed by dendritic cells in lymphoid tissues and strongly attracts naive T cells and activated B cells. J.Exp.Med.; 188:181-191.

Ngo VN, Korner H, Gunn MD, Schmidt KN, Riminton DS, Cooper MD, Browning JL, Sedgwick JD, and JG Cyster. 1999. Lymphotoxin alpha/beta and tumor necrosis factor are required for stromal cell expression of homing chemokines in B and T cell areas of the spleen. J.Exp.Med.; 189:403-412.

Ni J, and D Hollander. 1996. Effects of dextran sulphate sodium on intestinal epithelial cells and intestinal lymphocytes. Gut; 39:234-241.

Norrby K, and D Wolly. 1993. Role of mast cells in mitogenesis and angiogenesis in normal tissue and tumor tissue. Adv.Biosci.; 71-116.

Nutmann T. 1993. Mast cells and their role in parasitic helminth infection. In: The mast cell in health and disease. MA Kaliner. Marcel Dekker Inc. New York, Basel, Hong Kong. 669-686.

Obermeier F, Kojouharoff G, Hans W, Schölmerich J, Gross V, Falk W. 1999. Interferongamma (IFN-gamma)- and tumour necrosis factor (TNF)-induced nitric oxide as toxic effector molecule in chronic dextran sulphate sodium (DSS)-induced colitis in mice. Clin.Exp.Immunol;116:238-245.

Ohshima Y, Yang LP, Avice MN, Kurimoto M, Nakajima T, Sergerie M, Demeure CE, Sarfati M, and G Delespesse. 1999. Naive human DC4⁺ T cells are a major source of lymphotoxin alpha. J.Immunol.: 162:3790-3794.

Okayasu I, Hatakeyama S, Yamada M, Ohkusa T, Inagaki Y, and R Nakaya. 1990. A novel method in the induction of reliable experimental acute and chronic ulcerative colitis in mice. Gastroenterology; 98:694-702.

Paul NL, and NH Ruddle. 1998. Lymphotoxin. Annu.Rev.Immunol.; 6:407-438.

Pauli U. 1994. Control of tumor necrosis factor gene expression. Crit.Rev.Eukaryot.Gene Expr.; 4:323-344.

Picarella D, Hurlbut P, Rottmann J, Shi X, Butcher E, and DJ Ringler. 1997. Monoclonal antibodies specific for beta 7 integrin and mucosal addressin cell adhesion molecule-1 (MadCAM-1) reduce inflammation in the colon of scid mice reconstituted with CD45Rbhigh CD4+ T cells. J.Immunol.; 158:2099-2106.

Plaut M, Pierce JH, Watson CJ, Hanley-Hyde J, Nordan RP, and WE Paul. 1989. Mast cell lines produce lymphokines in response to cross-linkage of FcεRI or to calcium ionophores. Nature: 339:64.

Pfeffer K, Matsuyama T, Kundig TM, Wakeham A, Kishihara K, Shahinian A, Wiegmann K, Ohashi PS, Kronke M, and TW Max. 1993. Mice deficient for the 55 kD tumor necrosis factor receptor are resistant to endotoxic shock, yet succumb to L. monocytogenes infection. Cell; 73:457-467.

Pokholok DK, Maroulakou IG, Kuprash DV, Alimzhanov MB, Kozlov SV, Novobrantseva TI, Turetskaya RL, Green E, and SA Nedospasov. 1995. Cloning and expression analysis of the murine LTß gene. Proc.Natl.Acad.Sci.USA; 92:674-678.

Powrie F, Leach MW, Mauze S, Menon S, Caddle LB, and RL Coffman . 1994. Inhibition of Th1 responses prevents inflammatory bowel disease in scid mice reconstituted with CD45Rghi CD4+ T cells. Immunity; 1:553-562.

Present DH, Rutgeerts P, Targan S, Hanauer SB, Mayer L, van Hogezand RA, Podolsky DK, Sands BE, Braakman T, DeWoody KL, Schaible TF, and SJ vanDeventer. 1999. Infliximab for the treatment of fistulas in patients with Crohn's disease. N.Engl.J.Med.: 340:1398-1405.

Prinz M, Montrasio F, Klein MA, Schwarz P, Priller J, Odermatt B, Pfeffer K, and A Aguzzi. 2002. Lymph nodal prion replication and neuroinvasion in mice devoid of follicular dendritic cells. PNAS; 99:919-924.

Ravetch VJ, and S Bolland. 2001. IgG Fc receptors. Annu.Rev.Immunol.; 19:275-90.

Razin E, Cordon-Cardo C, and RA Good. 1981. Growth of a pure population of mouse mast cells in vitro with conditioned medium derived from concanavalin A stimulated splenocytes. Proc.Natl.Acad.Sci.USA; 78:2559-2561.

Razin E, Pecht I, and J Rivera. 1995. Signal transduction in the activation of mast cells and basophils. Immunol.Today; 16:370-373.

Renauld JC, Kermouni A, Vink A, Louahed J, and J VanSnick. 1995. Interleukin 9 and its receptor: involvement in mast cell differentiation and T cell oncogenesis. J.Leukoc.Biol; 57:353-360.

Rennert PD, Browning JL, Mebius R, Mackay F, and PS Hochman. 1996. Surface lymphotoxin alpha/beta complex is required for the development of peripheral lymphoid organs. J.Exp.Med; 184:1999-2006.

Rennert PD, Browning JL, and PS Hochman. 1997. Selective disruption of lymphotoxin ligands reveals a novel set of mucosal lymph nodes and unique effects on lymph node cellular organization. Int.Immunol.; 9:1627-1639.

Rennert PD, James D, Mackay F, Browning JL, and PS Hochman. 1998. Lymph node genesis is induced by signaling through the lymphotoxin ß receptor. Immunity; 9:71-79.

Rothe MJ, Nowak M, and FA Kerdel. 1990. Continuing medical education: the mast cell in health and disease. J.A.Acad.; 23:615-624.

Rothe J, Lesslauer W, Lotscher H, Lang Y, Koebel P, Kontgen F, Althage A, Zinkernagel R, Steinmetz M, and H Bluethmann. 1993. Mice lacking the tumor necrosis factor receptor 1 are resistant to TNF-mediated toxicity but highly susceptible to infection by Listeria monovcytogenes. Nature; 364:798-802.

Sacca R, Kratz A, Campos-Neto A, Hanson MS, and NH Ruddle. 1995. Lymphotoxin: from chronic inflammation to lymphoid organs. J.Inflam.; 47:81-84.

Sartor RB. 1990. Role of intestinal microflora in initiation and perpetuation of inflammatory bowel disease. Can.J.Gastroenterol.; 4:271-277.

Sartor RB, in: Schölmerich J, Kruis W, Goebell H, Hohenberger W and V Gross. 1992. Inflammatory bowel disease: pathophysiology as basis of treatment. Kluwer Academic Publishers, Dordrecht; 175-187.

Sartor RB. 1997. Role of the enteric microflora in the pathogenesis of intestinal inflammation and arthritis. Aliment.Pharmacol.Ther.; 11:17-22.

Sartor RB. 1997. The influence of normal microbial flora on the development of chronic mucosal inflammation. Res. Immunol.; 148:567-576.

Schreiber S, Heinig T, Thiele HG, and A Raedler. 1995. Immunoregulatory role of interleukin 10 in patients with inflammatory bowel disease. Gastroenterology; 108:1434-1444.

Scott T, and M Kaliner. 1993. Mast cells in asthma. In: The mast cell in health and disease. MA Kaliner. Marcell Dekker Inc. New York, Basel, Hong Kong, 575-608.

Shanahan F. 2001. Inflammatory bowel disease: immunodiagnostics, immunotherapeutics, and ecotherapeutics. Gastroenterology; 120:622-635.

Smith CA, Farrah T, and RG Goodwin. 1994. The TNF receptor superfamily of cellular and viral proteins: activation, costimulation, and death. Cell; 76:959-962.

Southern EM. 1975. Detection of specific sequences among DNA fragments separated by gel electrophoresis. J. Mol. Biol.; 98:503-517.

Spahn TW, Herbst H, Rennert PD, Lugering N, Maaser C, Kraft M, Fontana A, Weiner HL, Domschke W, and T Kucharzik. 2002. Induction of Colitis in mice deficient of peyer's patches and mesenteric lymph nodes is associated with increased disease severity and formation of colonic lymphoid patches. Am.J.Pathol.; 161:2273-2282.

Staropoli I, Frenkiel MP, Megret F, and V Deubel. 1997. Affinity-purified dengue-2 virus envelope glycoprotein induces neutralizing antibodies and protective immunity in mice. Vaccine; 15:1946-1954.

Stassen M, Arnold M, Hültner L, Müller C, Neudörfl C, Reinecke T, and E Schmitt. 2000. Murine bone marrow-derived mast cells as potent producers of IL-9: costimulatory function of IL-10 and kit ligand in the presence of IL-1. J.Immunol.; 164:5549-5555.

Stassen M, Müller C, Arnold M, Hültner L, Klein-Hessling S, Neudörfl C, Reinecke T, Serfling E, and E Schmitt. 2001. IL-9 and IL-13 production by activated mast cells is strongly enhanced in the presence of lipopolysaccaride: NF-κB is decisively involved in the expression of IL-9. J.Immunol.; 166:4391-4398.

Supajatura V, Ushio H, Nakao A, Akira S, Okumura K, Ra C, and H Ogawa. 2002. Differential responses of mast cell Toll-like receptors 2 and 4 in allergy and innate immunity. J.Clin.Invest.; 109:1351-1359.

Tanabe S, Lu Z, Luo Y, Quackenbush EJ, Berman MA, Collins-Racie LA, Mi S, Reilly C, Lo D, Jacobs KA, and ME Dorf. 1997. Identification of a new mouse \(\mathbb{G}\)-chemokine, thymus-derived chemotactic agent 4, with activity on T lymphocytes and mesangial cells. J.Innumol.; 159:5671-5679.

Tamaru T, Kobayasi H, Kishimoto S, Kajiyama G, Shimamoto F, and WR Brown. 1993. Histochemical study of colonic cancer in experimental colitis in rats. Dig.Dis.Sci.; 38:529-537.

Temano UA, Geba GP, Rankin JA, and RA Flavell. 1998. Expression of interleukin 9 in the lungs of transgenic mice causes airway inflammation, mast cell hyperplasia, and bronchial hyperresponsiveness. J.Exp.Med.; 188:1307-1320.

Towbin H, Staehelin T, and J Gordon. 1979. Electrophoretic transfer of proteins from polyacrylamide gels to nitrocellulose sheets: procedure and some applications. Pro.Natl. Acad.Sci.USA; 76:4350-4354.

Torii I, Morikawa S, Harada T, and Y Kitamura. 1993, Two distinct types of cellular mechanisms in the development of delayed hypersensitivity in mice: requirement of wither mast cells or macrophages for elicitation of the response. Immunology; 78:482-490.

Torii I, Morikawa S, and T Harada. 2002. MD41, a novel T helper 0 clone, mediates mast-cell dependent delayed-type hypersensitivity in mice. Immunology; 102:426-434.

Trier JS, and HS Winter. 1993. Anatomy, embryology, and development abnormalities of the small intestine and colon. In Sleisinger and Fordtan: Gastrointestinal disease, 5th edition. Saunders WB, company, Philadelphia, Pennsylvania. 793-810.

VanArsdale TL, VanArsdale SL, Force WR, Walter BN, Mosialos G, Kieff E, Reed JC, and CF Ware. 1997. Lymphotoxin- beta receptor signaling complex. Role of tumor necrosis factor receptor-associated factor 3 recruitment in cell death and activation of nuclear factor kappaB. Proc. Natl. Acad. Sci. USA; 94:2460-2465.

VanAsche G, and P Rutgeerts. 2002. Antiadhesion molecule thearpy in inflammatory bowel disease. Infl.Bowel Disease; 8:291-300.

Wang J, Lo JC, Foster A, Yu P, Chen HM, Wang Y, Tamada K, Chen L, and XY Fu. 2001. The regulation of T cell homeostasis and autoimmunity by T cell-derived LIGHT. J.Clin.Invest.; 108:1771-1780.

Wang Y, Wang J, Sun Y, Wu Q, and YX Fu. 2001. Complementary effects of TNF and lymphotoxin on the formation of germinal center and follicular dendritic cells. J.Immunol.; 166:330-337.

Ware CF, Crowe PD, Grayson MH, Androlewicz MJ, and JL Browning. 1992. Expression of surface lymphotoxin and tumor necrosis factor on activated T, B, and natural killer cells. J. Immunol.; 149:3881-3888.

Ware CF, VanArsdale TL, Crowe PD, and JL Browning. 1995. The ligands and receptors of the lymphotoxin system. Curr.Top.Microbiol.Immunol.; 198:175-218.

Watanabe C, Miura S, Hokari R, Teramoto K, Ogino T, Komoto S, Hara Y, Koseki S, Tsuzuki T, Nagata H, Granger DN, and H Ishii. 2002. Spatial heterogenity of TNF- α induced T cell migration to colonic mucosa is mediated by MadCAM-1 and VCAM-1. Am.J.Physiol.Gastrointest.LiverPhysiol.; 283:G1379-G1387.

Williams-Abbott L, Walter BN, Cheung TC, Goh CR, Porter AG, and CF Ware. 1997. The lymphotoxin-alpha (Ltalpha) subunit is essential for the assembly, but not for the receptor specifity, of the membrane-anchored Ltalpha1beta2 heterotrimeric ligand. J. Biol. Chem.; 272: 19451-19456.

Wittig BM, Duchmann R, Stallmach A, Zeitz M. 2001. Modulation von Zytokinen bei chronisch entzündlichen Darmerkrankungen. Der Internist; 42:47-54.

Yamada M, Ohkusa T, and I Okayasu . 1992. Occurrence of dysplasia and adenocarcinoma after experimental chronic ulcerative colitis in hamsters induced by dextran sulphate sodium. Gut; 33:1521-1527.

Yasukawa M, Yakushijin Y, Hasegawa H, Miyake M, Hitsumoto Y, Kimura S, Takeuchi N, and S Fujita. 1993. Expression of perforin and membrane-bound lymphotoxin (tumor necrosis factor-beta) in virus-specific DC4+ human cytotoxic T-cell clones. Blood; 81:1527-1534.

ZhaiY, Guo R, Hsu TL, Yu GL, Ni J, Kwon BS, Jiang GW, Lu J, Tan J, Ugustus M, Carter K, Rojas L, Zhu F, Lincoln C, Endress G, Xing L, Wang S, Oh KO, Gentz R, Ruben S, Lippmann ME, Hsieh SL, and D Yang. 1998. LIGHT, a novel ligand for lymphotoxin beta receptor and TR2/HVEM induces apoptosis and suppresses in vivo tumor formation via gene transfer. J.Clin.Invest.; 102:1142-1151.

Zhu FG, and JS Marshall. 2000. CpG-containing oligodeoxynucleotides induce TNF- α and IL-6 production but no degranulation from murine bone marrow-derived mast cells. J.Leukoc.Biol.; 69:253-262.

8. Abkürzungen

ABTS 2´2-Azino-di(3-ethylbenzthiazolinsulfonsäure(6))

AP Alkalische Phosphatase

BLC B Lymphocyte Chemoattractant

BMMC Bone Marrow-Derived Mast Cells (vom Knochenmark abstammende primäre

murine Mastzellen)

BSA Bovine Serum Albumin

CD Cluster of Differentiation cDNA complementary DNA

CED Chronisch Entzündliche Darmerkrankungen

CTMC Connective Tissue Mast Cells

DAB Diamminobenzidin
DD Death Domain
DMSO Dimethylsulfoxyd

DSS Dextran Sulfate Sodium

ELC EBV-induced molecule 1 LigandChemokine ELISA Enzyme Linked Immunosorbent Assay

FCS Fetal Calf Serum
FDC Follicular Dendritic Cell
FITC Fluorescein-Isothiocyanat

h Stunde

HEV High Endothelial Venules
HRP Horseradish Peroxidase
HVEM Herpes virus entry mediator

ICAM-1 Intercellular Cell Adhesion Molecule-1 IDDM Insulin Dependent Diabetes Mellitus

IFNγ Interferon gamma Ig Immunglobulin IL Interleukin i.p. intraperitoneal i.v. intravenös

kD kilo Dalton

LIGHT Homologous to Lymphotoxins, exhibits inducible expression, and competes

with HSV glycoprotein D for HVEM, a receptor expressed by T lymphocytes

LT Lymphotoxin

LTßR Lymphotoxin-ß Rezeptor

MadCAM-1 Mucosal addressin Cell Adhesion Molecule-1

MIP-2 Macrophage Inflammatory Protein 2

MMC Mucosal Mast Cells mRNA messenger RNA

NF κ B Nuklear Faktor κ B NIK NF κ B Inducing Kinase

Abkürzungen

PAGE Polyacrylamid Gel Elektrophoresis

PBS Phosphate Buffered Saline PCR Polymerase Chain Reaction

PE Phycoerythrin

PMA Phorbol Myristate Acetate

PNA Peanut Agglutinin

PNAd Peripheral Node Addressin

POX Peroxidase

RANTES Regulated upon Activation, Normal T cell Expressed and Secreted

RPMI Roosevelt Park Memorial Institute Medium

RT Raumtemperatur

s.c. subcutan

SCID Severe Combined Immune Deficient

SCF Stem Cell Factor SD Standard Deviation

SLC Secondary Lymphoid Tissue Chemokine

SDS Sodium Dodecyl Sulfate

TNF Tumor necrosis factor

TNFR Tumor necrosis factor receptor

TRAF Tumor necrosis factor receptor associated factor

Tween Polyoxyethylensorbitmonolaurat

üN über Nacht

VCAM-1 Vascular Cell Adhesion Molecule-1

WT Wildtyp

9. Danksagung

Bei allen, die mir beim Anfertigen dieser Arbeit mit Rat und Tat zur Seite standen, möchte ich mich an dieser Stelle ganz herzlich bedanken:

Bei Frau Prof. Dr. Daniela Männel für die Überlassung eines wirklich hoch interessanten Themas. Darüber hinaus für die kontinuierliche Unterstützung, das entgegengebrachte die freundliche Aufnahme Vertrauen und in die Arbeitsgruppe. Die stete Diskussionsbereitschaft und die konstruktiven Lösungsvorschläge während "Dienstagsbesprechungen" haben zum großen Teil zum Gelingen dieser Arbeit beigetragen.

Herrn Prof. Dr. Armin Buschauer möchte ich für die Bereitschaft die fakultätsinterne Vertretung dieser Dissertation zu übernehmen danken, was mir diese Promotion erst ermöglichte.

Herrn PD Dr. Thomas Hehlgans möchte ich in diesem Zusammenhang ganz besonders für die gute Zusammenarbeit im Labor und für jegliche Art der Unterstützung danken.

Herrn Prof. Dr. Werner Falk danke ich für wichtige Tips zum Modell der DSS-induzierten Colitis und Florian Obermeier für die Unterstützung beim histologischen Scoren der Dickdarmschnitte.

Mein herzlicher Dank geht auch an alle "noch" und "nicht mehr" Mitglieder der Arbeitsgruppe Männel. Es hat täglich Spaß gemacht in dieser Atmosphäre zu arbeiten. Wir haben viel zusammen gelacht, wodurch man über so manches nicht gelungene Experiment leichter hinwegkam. An dieser Stelle gilt mein besonderer Dank den Teilnehmern des donnerstäglichen "Gingerino-Treffen".

Zu guter letzt möchte ich meinen Eltern danken, die mich seit Beginn meines Studiums und auch während der Promotion hinweg bestens unterstützt haben.

10. Publikationen

Hehlgans T, Stoelcker B, Stopfer P, Müller P, Cernaianu G, Guba M, Steinbauer M, Nedospasov SA, Pfeffer K, Männel DN. Lymphotoxin-beta receptor immune interaction promotes tumor growth by inducing angiogenesis. Cancer Res.; 62:4034-4040

Hehlgans T, Müller P, Stopfer P, Männel DN. Activation of the lymphotoxin-beta receptor induces NFκB dependent IL6 and MIP-2 secretion in mouse fribrosarcoma cells. Eur. Cytokine Netw. In Press

Stopfer P, Männel DN, Hehlgans T. LTßR activation by stimulated T cells induces cytokine from murine bone marrow-derived mast cells. J. Exp. Med. Manuskript eingereicht

Stopfer P, Obermeier F, Dunger N, Falk W, Farkas S, Janotta M, Möller A, Männel DN, Hehlgans T. Blocking of lymphotoxin- β receptor pathway in chronic colitis causes downregulation of MadCAM-1 and reduced leucocyte endothelial cell interaction. Gastroenterology Manuskript eingereicht

Stopfer P, Obermeier F, Dunger N, Falk W, Möller A, Männel DN, Hehlgans T. Lymphotoxin-ß receptor blockade in acute colitis leads to exacerbation of inflammation. Manuskript in Vorbereitung

Präsentationen:

Kurzvortrag bei der Frühjahrstagung der Deutschen Gesellschaft für Immunologie, 2001 in Innsbruck : "Activation of the LT&R pathway has a protective role in the acute form of ulcerative colitis"

Kurzvortrag bei der Herbsttagung der Deutschen Gesellschaft für Immunologie, 2001 in Dresden: "Lymphotoxin-ß receptor pathway is critical for colitis"

Kurzvortrag bei der Herbsttagung der Deutschen Gesellschaft für Immunologie, 2002 in Marburg: "Lymphotoxin-ß receptor activation is critical in acute and chronic form of colitis"

Poster:

Posterpräsentation bei der Herbsttagung der Deutschen Gesellschaft für Immunologie, 2001 in Dresden: "Lymphotoxin-ß receptor pathway is critical for colitis"

Posterpräsentation bei der Herbsttagung der Deutschen Gesellschaft für Immunologie, 2002 in Marburg: "Lymphotoxin-ß receptor activation is critical in acute and chronic form of colitis"

Posterpräsentation beim "Joint Meeting of the International Cytokine Society and European Cytokine Society", 2002 in Turin: "Lymphotoxin-β receptor activation is critical in colitis"

Hiermit versichere ich, dass ich die vorliegende Arbeit selbständig angefertigt und keine anderen als die hier angegebenen Quellen und Hilfsmittel verwendet habe.

.....

Peter Stopfer